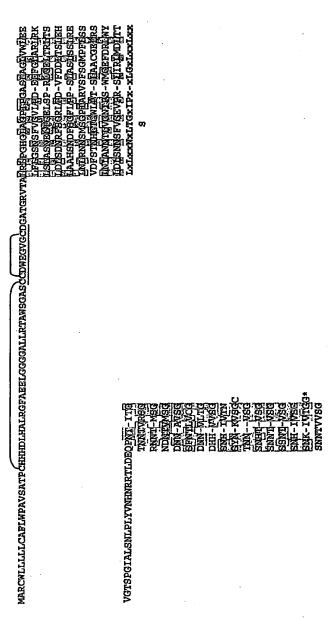


FIGURE 1



HVIRI

MAPKCWILILFSAFILSAAGATSCHPDDIRALQSFAGNIGSPGGVIPRAAWSGAS<mark>CCDWEGVSC</mark>DGASGRVTALREDFTROHG-----GASHACFTR Lalganyklitgae

			_	40	*	60	*	80	
		20			an Santa	PANISCHECCE	WECVCCDG	ASGRV :	71
DaIRIPa :	MALESGE	- In this is a second of the	SAVIACHSIRI) LEATING PARM TO	00000000	ANAMOCE COCE	MECAGODO	ASCEV	71
DaIRIPd :	MAPROVID	- Inhos Alolau SAG	SATSCHPDI	LRALUSFAGNIA	SOUGHVE.	WWW.SOSSCO	TEGVECES	A CCUM	69
DaIRIPe :	到到多Ceppl	-LLELAUPLPAA-	SATSCEPDI	LEALRGFAGNE	- SGGGV LILI-	Ray Was Base Co	WEGVGCDE	SOCION :	
LpIRIPa :	MEKSMET MEKSME	-LLFLAFLLPAAS	CAVSCHPDI	LLALRGFAGNL	-SildeAPT-	STATE OF STA	WEGVGCEG	25GRV	70
LpIRIPb :	MEKSHEL	-LLFLAFLLPAAS	LAVSCHPDI	ILLALRGFAGNL	- SØGGVIII-	HAKWEGNSCCS	WEGVGCEG	eisteran :	70
LpIRIP :								 ;	-
LmIRIP :	MONGACIONING	-ILFLAFILPAAS	FAVSCHPDI	LLALREFAGNL	-Säggvil-	HAIMSGNSCCS	WEGVGCDG	gsgrv :	70
		- LIFT AFT LDAA-	PATSCHPDI	TRALRGFAGNL	-SGGEALL-	RAAWSGASCCV	WEGVNCDG	ESGRV :	69
TalRIP :	DE LA CASTA	CT CARL WRAVE	ราชชักษ์ เรา	TEAL REPAREL	- ସ୍ଟେପ୍ଟେମ୍ବ	REAWSGASCCE	WEGVGCDG	ATGRV :	69
HVIRIP :	Meksuel Marcgel Marcwel Mareae Lrolelsi			TALPAFAGNIS	ARGCCEGI	RAAMSCDACC	PEGVACDS	A-SRV :	78
OspPSKR :	WARDAPIRCHOLSE	MANAGED TO SERVICE STREET	A SECTION	J. S. L. S.	-				
	IELCLEERGLAGPI TALRUPTRGL TAMILEERGLARPV TÄLRUPGHGLAGHI IELKURGHGLAGHI		_		•	140	*	760	
	*	100	•	120					95
DaIRIPa :	TEL CLEERGLAGPI	PGASLAGING							90
DaIRIPd :	TALREPTRGL	-GASLAGLTR							96
DaIRIPe :	TAMILDERGLARPV	PGASLASLARLEE						:	
LpIRIPa :	TTLVLPGHGLAGHI	PTASLAGLARLES						; .	97
LpIRIPb :	TELÜLEGHGLAGÉI	PTASLAGLARLES						:	97
LpIRIP :									-
LmIRIP :	TOLVLPGHGLACHI	PTASLAGLARLES						:	97
TalRIP :	TELMLPGHGLAGHI TALRLPGHGLNGG	PEASLAGUARLEE						:	96
HVIRIP :	TAT DI DOYGLAGDI	PGAGLAGLAGLAGUE						:	96 .
	TALRLPGHGL∛G <mark>E</mark> I TALRLPGHGLÄGPI TALRLPGKGLEGPI	DEGLEASTON	LDLSHNAL	GGISALLAAVS	LRTANLSSI	ILLNDTLLDLA	LPHLSAFN	ASNNS : 1	.57
OspPSKR :	TAURDEGREE	19-5-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1-1						 -	
	•								
	•	180	*	200	*	220	*	240	
	· · ·							:	_
DaIRIPa :								:	_
DaIRIPd :								:	-
DaIRIPe :								:	_
LpIRIPa :									_
LpIRIPb :									_
LpIRIP :									
		•							_
LmIRIP :									-
LmIRIP : TaIRIP :									-
									-
TaIRIP :	LSGALAPDLCAGAP								- 131 237
TalRIP :	LSGALAPDLCAGAP								
TaIRIP :	LSGALAPDLCAGAP	Palrvldlsanlla	GTLSPSPSI	PPPCAATLOELY	Lysnsfyg Lasnsfhg	LPDELFGLAA LPETLFGLAAI		ELTGE : 1 ELTGE : 2	
TaIRIP :	LSGALAPDLCAGAE	Palrvldlsanlla	GTLSPSPSI	PPPCAATLOELY	Lysnsfyg Lasnsfhg	LPDELFGLAA LPETLFGLAAI			
TaIRIP :	*	PALRVLDLSANLLA	GTLSPSPSI	DEPCAAULQELY	L'ASNSPHG/	MPDELFGLAS ALPSTLFGLAS 300	ÆKLSLASN LOKLSLASN	ELTGE : 1 GLTGO : 2	
Tairip : Hvirip : OspPSKR :	*	PALRVEDESANILA 260	GTLSPSPS)	PPPCAATLOELY	Lysnsfyg Lasnsfhg	LPDELFGLAR LPETLFGLAR 300	Leklelask Loklelask	ELTGE : 1 GLTGG : 2	
TaIRIP : HVIRIP : OspPSKR : DaIRIPa :	*	PALRVEDESANDEA 260	GTLSPSPS1	LFPPPCAANLOELV	Lysnsfyc Lasnsfhc	LPDELFGLAR LPETLFGLAR 300	eklslasn Oklslasn	BLTGD: 1 BLTGD: 2	
TalRIP : HVIRIP : OspPSKR : DalRIPa : DalRIPa :	*	PALRVLDLSANLLA 260	etlspspsi	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfig Lasnsfhg	MPDELFGLAR SLPETLFGLAR 300	eklslasn Loklslasn	BLTGD: 1 BLTGD: 2	
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPG : DAIRIPG : LPIRIPA :	+	PALRVLDUSANULA 260	*	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfyg Lagnsfyg	OPDELFGLAS LPSTLFGLAS 300	ÆKLSLASI QKLSLASI	320	
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA	+	PALRVLDUSANULA 260	GTLSPSPS)	LF: PPPCAATLQBLY 280	Lysnsfig Lasnsfig T	MPDELFGLAR LPRTLFGLAR 300	EKLSLASI OKLSLASI	320	
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPB	+	PALRVLDUSANULA 260	GTLSPSPS)	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfig Lasnsfig T	MPDELFGLAR LPRTLFGLAR 300	EKLSLASI OKLSLASI	320	
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPG : LDIRIPB : LDIRIPB : LDIRIPB : LDIRIPB : LDIRIPB : LMIRIPB :	*	PALRVLDLSANILA 260	emispspsi	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfig Lasnsfig T	OPDELFGLAS LPSTLFGLAS 300	PKUSLASN LOKUSLASN	320 320	
TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPB : LPIRIPB : LPIRIPB : TAIRIP : TAIRIP :	*	PALRVLDLSANILA 260	emispspsi	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfig Lasnsfig T	OPDELFGLAS LPSTLFGLAS 300	PKUSLASN LOKUSLASN	320 320	237
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPA : LPIRIP : LPIRIP : LAIRIP : TAIRIP	*	PALRVLDLSANILA 260	emispspsi	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfig Lasnsfig T	OPDELFGLAS LPSTLFGLAS 300	PKUSLASN LOKUSLASN	320 320	
TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPB : LPIRIPB : LPIRIPB : TAIRIP : TAIRIP :	LSPRIGELTEUTS	PALRVLDLSANILA 260	emispspsi	LF PPPCAATLOBLY 280	Lysnsfig Lasnsfig T	OPDELFGLAS LPSTLFGLAS 300	PKUSLASN LOKUSLASN	320 320	237
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPA : LPIRIP : LAIRIP : TAIRIP : TAIRI	*	PALRVLDLSANILA 260	etlspspsi * VFDDLTSL	LF PPPCAATLQELY 280 280 EHLAAHSWPPSG CHLJĒAHSWPPSG	Lenste Laskspho * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	Jopoelfglagi LPPTLFGLAAI 300 	PRITEINSI QKLSLASI QK	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPA : LPIRIP : LAIRIP : TAIRIP : TAIRI	*	PALRVLDLSANILA 260	etlspspsi * VFDDLTSL	LF PPPCAATLQELY 280 280 EHLAAHSWPPSG CHLJĒAHSWPPSG	Lenste Laskspho * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	Jopoelfglagi LPPTLFGLAAI 300 	PRITEINSI QKLSLASI QK	320 320	237
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LAIRIP : TAIRIP : TAIRIP : OSPPSKR :	LSPRIGEIMENTSI VSSRINGLINLITSI	DISDNRSSGRIPD DISSNRSTGHIPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LDIRIP : LDIRIP : LMIRIP : TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR :	LSPRIGEIMENTSI VSSRINGLINLITSI	DISDNRSSGRIPD DISSNRSTGHIPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA :	LSPRLGEIVELTSI VSSRLÄGLTNITSI	DISDNRSSGRIPD DISSNRSTGHIPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LPIRIPA : LPIRIPA : LPIRIP : LPIRIPA : DAIRIPA	LSPRIGEITRIVEI VSSRLÄĞITNITSI	PALRVLDLSANLLA 260 260 DLSDNRSSGELPD DLSDNRSSGELPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPB : LDIRIPB : LMIRIP : TAIRIP : HVIRIP : OSPFSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA :	LSPRIGELTRIJISI VSSRIJIĞITNILTSI	DISDNRSSGRIPD DISSNRSTGHIPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPB : LDIRIP	LSPRIGELTRIJISI VSSRIJIĞITNILTSI	DISDNRSSGRIPD DISSNRSTGHIPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LDIRIP : LDIRIPA :	LSPRIGELTRIJISI VSSRIJIĞITNILTSI	DISDNRSSGRIPD DISSNRSTGHIPD	* VANDLISM VFADLISM *	DEPPONATLOBLY 280 280 CHLARHSNDESG OHLERNISKEESG	Lesnstro Lagnstro Lagnstro Lesson Plepslas Tlepslas	Jopoelfglag Lepstleglag 300 300 SSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN LSSDRSLNLRN	JEKUSLASK OKLSLASK * WSMSGPIAE WSFSGPIAE	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPB : LDIRIPB : LMIRIP : TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPB : LMIRIPB : LMIRIPB :	LSPRIGELTRIJES VSSRINGLINILTSI	DESDINGSGREDD DESMINSTGHEDD	* VFDDLTSL	LF PPFCAATLQELY 280 280 CHLAAHSWPSG CHLEAHSWPSG	LUSINS PHO TASINS PHO THE PROPERTY OF THE PROP	JOPDELFGLAA 300 300 	DEKTERASI OKLEDASI OKLEDASI OKLEDASI OKLEDASI OKLEDASI OKLEDASI	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237
TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPA : LDIRIPA : LDIRIP : LDIRIP : LAIRIP : TAIRIP : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPA : L	LSPRIGEITRITE VSSRINGITNILTSI	260 260 DLSDNRSSGELPD DLSWNRSTGHLPD 340	VEDDLISM VFADLISM	LF PPPCAATLQELY 280 EHLAAHSNDPSG DHLEAHSNGPSG 360	Lusinsfic Lasinspher Lasinspher Flepslas Ulprslæs	JOPDELFGLARI JOPETLEGLARI 300 SSLREINLRN LSSLRDLNLRN 380	PRICESTASI OKLSTASI VSMSGPIAI VSMSGPIAI *	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	2211 3317
TAIRIP : RVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPB : LDIRIPB : LMIRIP : TAIRIP : HVIRIP : OSPPSKR : DAIRIPA : DAIRIPA : DAIRIPA : LDIRIPB : LMIRIPB : LMIRIPB :	LSPRIGELTRIJISI VSSRIJIĞITNILTSI	260 260 DLSDNRSSGELPD DLSWNRSTGHLPD 340	VEDDLISM VFADLISM	LF PPPCAATLQELY 280 EHLAAHSNDPSG DHLEAHSNGPSG 360	Lusinsfic Lasinspher Lasinspher Flepslas Ulprslæs	JOPDELFGLARI JOPETLEGLARI 300 SSLREINLRN LSSLRDLNLRN 380	PRICESTASI OKLSTASI VSMSGPIAI VSMSGPIAI *	320 320 320 320 320 320 320 320 320 320	237

FIGURE 2B

	4	r	420	*	440	*	460	*	480	
DaIRIPa :									;	-
DaIRIPd :									:	-
DaIRIPe :									;	
LoIRIPa :						-LNLANNK	LVGTIPSWIGYL LVGTIPSWMGYL	DHECYLDES	MMS :	128
InIRIPb:						-LNLANNK	LVGTTPSWMGVL	DHECYLDIS	क्षायह	128
LpIRIP :										
LmIRIP :							LVGTIPSWIGEL			128 127
TalRIP :						-INDAMNK	LVGTIPSWIGEL	DHLUYLDLS	J18 :	272
HvIRIP :						-Indicator	LVGNIPSWMGER	Distribut D. C.	19 VS :	477
OspPSKR :	LILTKNEVG	DLPDDG	IAGFDNLEVLAL	GDCALRGR	VPEWLHQCKRLE	APDERANG	LVGTIPEWIGQL	DISTRACTORS	1000	4//
	_		500		520		540	•	560	
					MENERAL TERROR	SCITNISVR		TVISGNNNT	VSC :	143
DaIRIPa :					MERTINOPHTT	TGTNINNVR	SGSNNVVSGNDN	TVISGNENI	VSC :	138
Dalripd:				T 374 (4.2)	MERTI BEODNET	GGTNINNVR	ecynälsendn	TVISGNÄNT	VSC :	144
DalRIPe :	DECEMBER AND ADDRESS OF THE PARTY OF THE PAR		NT VCPST CMAST	NIMPLE OVER	NOTALSCOPNTI	TGTNNYVR	SCYNNVVSGNEN	TVĪSGNENV	VSG :	208
LpIRIPa :	LVGEIPHALL	ರ್ಷ-೧೯೮೮	NTVCHSLCHAST	WELOVKH	NOTALSGOPNTI	TGTNNYVR	SCVNNVVSGNEN	TVÍSGNNNV	VSG :	208
LpIRIPb : LpIRIP :	LVGE I PRINCE	78.	West Constitution		DEOPNIL	SGSNNTVR	SGSKWVLÄGNDN	TVÏSGDNNŠ	vsc :	39
LDIRIP :	TACETOKNIK	RRISCE	STVCHST.GTAST	NEPLOVEH	NOTALSGOPNTI	TGTNNYVR	SCINNVVSGNEN	TVISGNMIV	VSC :	20B
TalRIP :	LVCEVPKSI	TRINGIA	FIAGHSLGNVÄT	NMPLYVKR	NRRTLDEOPHTI	SGSNNTVR	SGSTUVVSGNDN	TVISGNANM	Vec :	206
HVIRIP :	EVGEVERST.	TRIMDL	TVGASEGIAGS	NLPLYVIIH	MRRTLDEQPNTI	TGTMNTVR	SCHMENSCHON	TVMSGDNN∰	VSG :	351
OspPSKR :	LVGEIPKSL	TOLKSL	VTÄRRSEGMAZT	NMPLYVĨCH	nkstsgroyn		GCRWAGLAGADW SGSWNVYSGNEW SGSWNVYSGNEW SGSWNVYSGNEW SGSWNVYSGNEW SGSWNVYSGNEW SGSWNYSGNEW SGSWNYSGNEW SGSWNSGNEW SGSWNSGNDW		:	522
ODE-DIE: 1										
						_			640	
		<u> </u>	580	*	600	*	620			222
DaIRIPa :	SFNTVVIGSI	DNIITGS	KHVVSGRKHIVI	DNNNKVSG	NDNNVSGSFHTV	SGSHNTVS	GSNNTVSGSNHV	NOCENTAR	GG " 1	217
DaIRIPd :	SYNTVVTGSI	DNEITGS	NHAASG WHIAI	DNNNAVTG	HDMMVSGSFHTV	SCHWIA	GENNTVEGENEV GENNTVEGËNEV	TURCENTY OUT		223
DaIRIPe :	SENTIVIG	INDVSCS.	NOVARGITAHIA1	DDNNDVSG	NDNNVSGSFRT	SGSHNTVS	GSNNTVSGRNE	VIGSKKVVI VIGSKKVVI	60 * .	279
LpIRIPa :	MENTV-SGT	FVVTGN	MHAALKITATA	GARRICVSG	GENEVSGSHN1 (recomments	GSNHI GSNHI GSNNTVSGSNHI	vijeginkvvi	ee*	279
LpIRIPb :	MANTV-SGII	ARAN LCIV	MHVVTRMGSSAVS	ESHEKVSG	NOWWING COENTY	rec Parative	CSNNTVSGSNHV	VŠGŠNKVVI	110	118
LpIRIP :	SNALAASCH	DMT VIGS	MHVVSGTAHIVI	เป็นหนัง SG	ກວນທູດຂອງຄຸນ ການເຄີຍຄວາມການ	ZECHIITIZE	CSNH/ CTNNTVSGSNH/ CGSSNTVSGSNHI	VÄGNIKVVT	ee :	279
LmIRIP :	REMENT-SOL	NHAALIGE	NHAALENGMAA	CSHILL VSC	THESSEATHT!	/SGSHNTVS	CTINETVSCSNET	/VSGSNKVVČ	iae * ;	285
TaIRIP :	SNNTVITCH	DATA GO	SHVVSGD <u>N</u> ATV	DIVINING VSC	COMMVSGSDHT!	/SGSBNTVS	GSSMTVSGSNHI	VSGSNKIVI	ee*:	430
HVIRIP :	SEMETIACION	MATIGE	ST V SGSIVILIV	изрими:					·@:	523
OspPSKR :									_	
	•	t	660	*	680	*	700	*	720	
DaIRIPa :										-
DaIRIPd :									:	-
DaIRIPe :										_
LpIRIPa :									;	
LpIRIPb :										
LpIRIP :									:	_
LmIRIP :									;	-
TalRIP :									:	_
HVIRIP :	Carrie Control	AND MOVEM	CONTRIDERCNICK	THE WILLIAM	MATSGSTPDVLS	IVELIGINGS	DLSSNNLSGSI	PSSLTDLTFI	SKF:	603
OspPSKR :	LSNFPPSLE.	TAIDIAGESA	GIINFEEGMIN	. DI 1 V DD DOR						
	٠,	* 	740	*	760	*	780	*	800	
DaIRIPa :									;	-
DalRIPd :									;	-
DaIRIPe :									:	-
LpIRIPa :									;	-
LpIRIPb :									:	-
LpIRIP :									;	-
LmIRIP :									:	-
TaIRIP :									;	-
HVIRIP :						2012-00-65	MANNY II CVA I	CHICANAVA	# 4	683
OspPSKR :	SVAHNHLVG	PIPNGGQ	FFTFSNSSFEG	VPGLCRSS	CDONOPGETIPIT	JMD T CK2G!	RNRKNKILGVAI	-19202VVVV	-versage	903
-										

		*	820	*	840	*	860	*	880	
DaIRIPa									:	-
									;	-
DaIRIPe	:								:	
LpIRIPa	:									
	:									
LpIRIP	:									, -
LmIRIP	:									
TaIRIP										
HVIRIP		EWST (D)	PETMESCHING	ADAKKDIA E	FODSAKELTVS	DLIKSTNNFDC	ANTIGOGGE	GLVYKAYLPE	GTKAAV :	763
OspPSKR	: DVWI SKR	EVSTIDE	AIGINGSENDD	IDINICE VICE						
		*	900	*	920	*	940	*	960	
DaIRIPa :	:								;	: -
DaIRIPd :										-
Dalripe :										· -
LpiriPa										
LpIRIPb :	:									
LpIRIP										· • -
LmIRIP :										
HVIRIP										: -
OspPSKR	KRLSGDC	COMERCE	RAEVEALSOA	OHKNLVSLR	GYCRYGNDRLL	IYSYMENNSLI	YWLHERSDO	GYMLKWESRI	LKIAQGS	: 843
Op. C.a.										
•										
		*	980	*	1000	*	1020	*	1040	
Dalripa :										: <u>-</u>
DalRIPd :										: -
DalRIPe :										: -
LpIRIPa										
LpIRIPb :	:									
LpIRIP										
LmIRIP :										: -
HVIRIP										ı –
OspPSKR :	ARGUAYO	HKDCEPN	IIHRDVKSSN	ILLNENFEA	HLADFGLARLI	OPYDTHVTTDI	LVGTLGYIPE	PEYSOSVIAT	PKGDVYS	: 923
		*	1060	*	1080	•	1100	-	1120	
DaIRIPa :										: -
DaiRIPd :										
LpIRIPa :	·									: -
LDIRIF :										: -
LmIRIP										: -
TaIRIP :										: -
HVIRIP :										:
OspPSKR :	FGVALTE	LLTGRRP	MDVSKAKGSR	DLVSYVLQM	KSEKKEEQIFD	TLIWSKTHEK	OLFSVLEAA(RCISTDARO	RESTECN	: 1003
		_	1140	*	1160					
D_'TDTD-			*****		****					
DaIRIPa :										
Dairipa :							: ~			
Loiripa :							: -	•		
LpIRIPb :							: -			
LDIRIP :							: -			
LmIRIP :							: -			
TalRIP :										
							: -			
HvIRIP :							: -			
HvIRIP : OspPSKR :							1010			

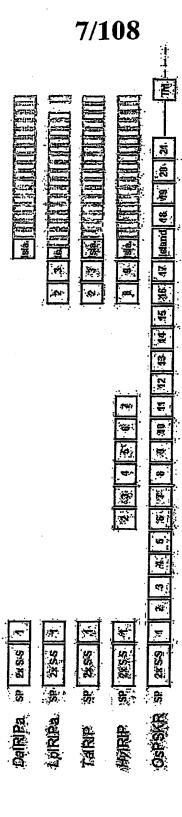


FIGURE 2C

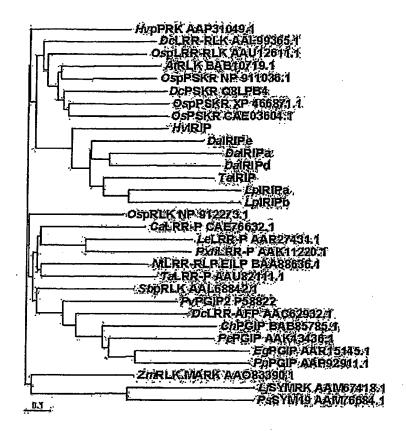
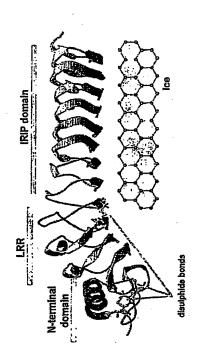
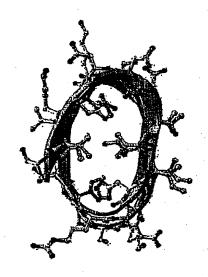
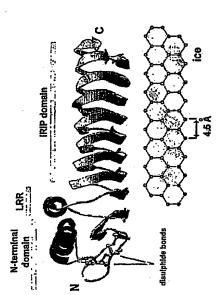


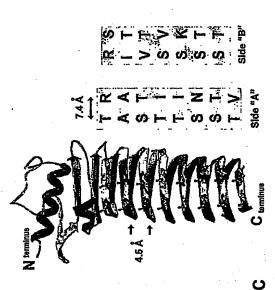
FIGURE 2D

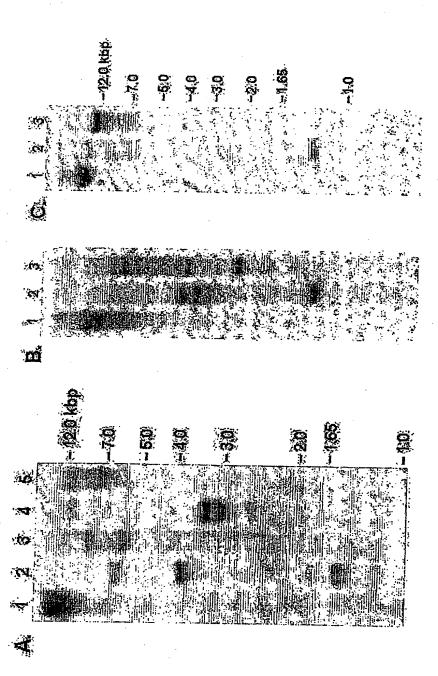
 $\mathbf{\omega}$



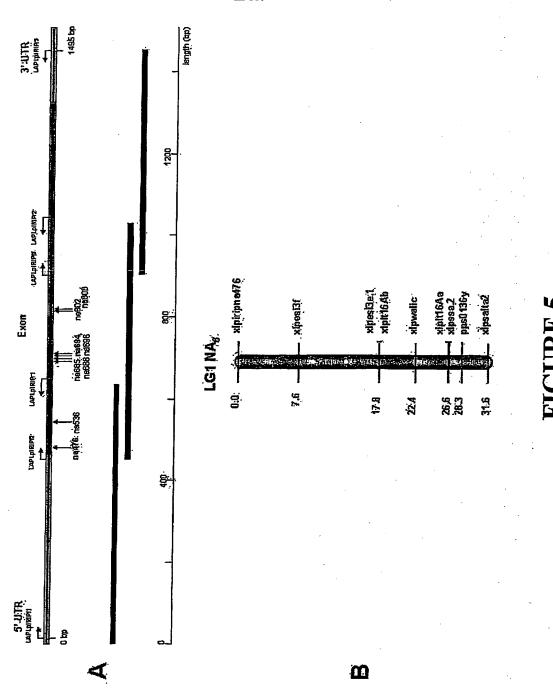








11/108



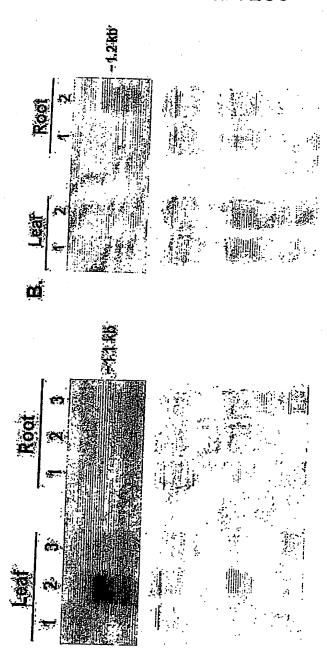


FIGURE (

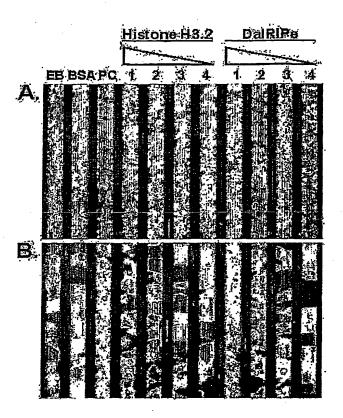


FIGURE 7

		* 20			4 0	*	60		
DaIRIPa.1	:	GATTACTATAGGGCACGCGT	GGTCGACGG	CCCGGGCTG	GTATCGTCCTT	GCATTAGG	CCG		
DaIRIPa.2	:	GATTACTATAGGGCACGCGT	GGTCGACGG	CCCGGGCTG	GTATCGTCCTT	GCATTAGG	CCG	: 60	
DaIRIPa.3	:							: -	
DaIRIPa.4								: -	
DaIRIPa.5	•							: -	
DaIRIPa.6	÷							: -	
DaIRIPa.7	:							: -	
DaIRIPa.8	;							: -	
DaIRIPa.9	:							: -	
DaIRIPa.10	:							:	
DaIRIPa.11	:							: -	
DaIRIPa.12	:			_				: -	
DaIRIPa.13	:							: -	
DaIRIPa.14	:							; -	
	•							: -	
DaIRIPa.15	•								
		* 80)	* 1	.00		120		
D-TDTD: 1		GTCACGATGTGTGGTCTAG	CATTCCATG	TCATCCACA	TCATATAGGTT	GGTGACGT	TTA	: 120	j
DaIRIPa.1 DaIRIPa.2	:	GTCACGATGTGTGGTCTAG	CATTCCATG	TCATCCACA	TCATATAGGTI	GGTGACGT	TTA	: 120)
	-	GTCACGATGTGTGGTCTAG						: -	
DaIRIPa.3	:							: -	
DaIRIPa.4	•							: -	
DaIRIPa.5	:							: -	
DaIRIPa.6	•							: -	
DaIRIPa.7	:							: -	-
DaIRIPa.8	•								
DaIRIPa.9	:							: -	-
DaIRIPa.10	:							: -	_
DaIRIPa.11	•							: -	-
DaIRIPa.12	•		. 					: .	-
DaIRIPa.13	•								_
DaIRIPa.14	:								_
DaIRIPa.15	:								
		* 140	2	* 1	.60	*	180		
DaIRIPa.1		TTTTGAAGTCTGCGTAATA	AATCTTCCT	AGGATATTI	GCATGGTATC	CTCAATTA	ATT	: 180	כ
DaIRIPa.2	:	TTTTGAAGTCTGCGTAATA	AATCTTCCT	AGGATATTI	GCATGGTATC	ACTCAATTA	ATT	: 180)
DaIRIPa.3	:							: .	-
DaIRIPa.4	:					 -		: -	-
DaIRIPa.5	:							:	-
DaiRIPa.6								: .	-
DaIRIPa.7	:							:	_
DalRipa.7 DalRipa.8	•							: ,	-
DaiRipa.8								:	_
DaIRIPa.9	:							:	_
	•							:	_
DaIRIPa.11	•							•	_
DaIRIPa.12	:								_
DaIRIPa.13	•							. :	_
DaIRIPa.14								:	_
Datktha 'T2	:		-						

		* 200 * 220 * 240		
DaIRIPa.1	:	CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCGCAGCTCCAATCCTACATGTGGTA	:	240
DaIRIPa.2	:	CTCTGAGTAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCACAGCTCCAATCCTACATGTGGTA	:	240
DaIRIPa.3	:		:	. –
DaIRIPa.4	:		:	-
DaIRIPa.5	:		:	-
DaIRIPa.6	:		:	_
DaIRIPa.7	•		:	_
DaIRIPa.8	:		:	-
DaIRIPa.9			:	_
DaIRIPa.10	•		:	_
DaIRIPa.11	:		:	-
DaIRIPa.12	:		:	-
DaIRIPa.13	:		:	-
DaIRIPa.14	:		:	_
DaIRIPa.15	:		:	_
Duinii w	•			
		* 260 * 280 * 300		
DaIRIPa.1	:	GCTGACAACAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA	:	300
DaIRIPa.2	:	GCTGACAACAAGCAGCTTGAGTGCTTGCCACCCACGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA	:	300
DaIRIPa.3	:	CGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA	:	26
DaIRIPa.4	:	CGAATTCCAGTCGACAGAAAACACCA	:	26
DaIRIPa.5	:		:	_
DaIRIPa.6	:		:	_
DaIRIPa.7	:		:	_
DaIRIPa.8	:		:	-
DaIRIPa.9	:		:	_
DaIRIPa.10	1		:	_
DaIRIPa.11	:		:	_
DaIRIPa.12	:		:	-
DaIRIPa.13	:		:	~
DaIRIPa,14	:		:	_
DaIRIPa.15	:		:	_
		* 320 * 340 <u>* 360</u>		
DaIRIPa.1	:	AAAACCAAGTTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA	:	360
DaIRIPa.2	:	AAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA	:	360
DaIRIPa.3	:	AAAACCAAGCTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACCGACTAGTATTAGA	:	86
DaIRIPa.4	:	AAAACCAAGTTTGAATTGGGAGGCAGTTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGTATTAGA	:	86
DaIRIPa.5	:		:	-
DaIRIPa.6	:		:	-
DaIRIPa.7	:		:	-
DaIRIPa.8	:		:	-
DaIRIPa.9	:		:	-
DaIRIPa.10	:		:	_
DaIRIPa.11	:		:	
DaIRIPa.12	:		:	_
DaIRIPa.13	:		:	_
DaIRIPa.14	:		:	-
D-TDTD- 15	-			

		* 380 * 400 * 420		
DaIRIPa.1	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAG	:	420
DaIRIPa.2	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAG	:	420
DaIRIPa.3	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAG	:	146
DaIRIPa.4	:	CCACTTGCAATGCATGCTTACAAACATACACGCACACTATAAGTAAG	:	146
DaIRIPa.5	:		:	_
DaIRIPa.6	•		:	-
DaIRIPa.7	•		:	_
DaIRIPa.8	÷		:	_
DaIRIPa.9	:		:	_
DaIRIPa.10	:		:	_
DaIRIPa.11	;		:	_
DaIRIPa.12	:		:	_
DaIRIPa.13	:		:	_
DaIRIPa.14	:		:	_
DaIRIPa.15	:		•	
Darkrea.13	٠		•	
		* 440 * 460 * 480		
DaIRIPa.1	•	GCAGTTTTTAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	:	480
DaIRIPa.2	:	GCAGTTTTTAACAACAACĞCTTGTGAATCACTTCCATTCCA	:	480
DaIRIPa.3	;	GCAGTTTTTAACAACAACGCTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	:	206
DaIRIPa.4	:	GCAGTTTTTAACAACAACACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	:	206
DaIRIPa.5	:	ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	:	42
DaIRIPa.6	:	ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	:	42
DaIRIPa.7	:	ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	•	42
DaIRIPa.8	:	ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT	•	42
DaIRIPa.9	:	ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT		42
DaIRIPa.10	:	ACTTGTGAATCACTTCCATTCCAAAAAGGTTTCTTGCCGAAT		42
DaIRIPa.10	:		•	
DaIRIPa.11	:		:	_
DaIRIPA.12	:		:	
DaIRIPA.13	•		•	_
DalRIPa.14	•		:	٠_
Darkipa. 15	•		•	
		* 500 * 520 * 540		
DaIRIPa.1		CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	:	540
DaIRIPa.2	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	:	540
DaIRIPa.3	•	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	:	266
DaIRIPa.4	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	•	266
DaIRIPa.5	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT		102
DaIRIPa.6	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	•	102
DaIRIPa.7	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	•	102
DaIRIPa.8		CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	:	102
DaIRIPa.9	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	•	102
DaIRIPa.10	:	CCATATATAGCATACCACGGCTGAATCCATGGCGCTGAAATGCGGGTTGTTGCTGCTCTT	:	102
DaIRIPa.11	:		•	
DaIRIPa.12	:		•	_
DaIRIPa.12	•		;	_
Dairipa.13	:			_
Dalkipa.14	•		:	_

		*	560	*	. 580	*	600	
DaIRIPa.1		CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCGTGACCT	CCGCGC :	600
DaIRIPa.2	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGC	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCGTGACCT	CCGCGC :	600
DaIRIPa.3	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCGTGACCT	ccccc :	326
DaIRIPa.4	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	BAGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCCGTGACCT	CCGCGC :	326
DaIRIPa.5	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCGTGACCT	CCGCGC :	162
DaIRIPa.6	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCCGTGACCT	ccccc :	162
Dalkira.7	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCGTGGCCT	ccccc :	162
Dalkira.7	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCGTGGCCT	CCGCCC:	162
DalRIPa.9	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACT	CCGTGACCT	cccccc :	162
DaIRIPa.10	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGCG	AGCGCTACG	GCGTGCCACTC	CCCGTGACCT	cccccc :	162
DaIRIPa.11	:						:	_
Dalkira.12	:						:	-
DalRIPa.13	:						:	-
DaIRIPa.14	:						:	-
DaIRIPa.15	:						:	-
Daikira.is	•							
			•		*			
		*	620	*	640	*	660	
DaIRIPa.1	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGCGTCC	CCTCCGTGC	CCCCTC:	660
DaIRIPa.2	:	GCTGCAGGGCTTCC	CTAGGAACCTC	GGGGGTC	GGGGGCGTCC?	FCCTCCGTGC	CGCGTG:	660
DaIRIPa.3	:	CCTCCAGGGCTTCC	CTAGGAACCTC	GGEGGCGTC	GGGGGCGTCC:	rcctccgtgc	CECCIE :	386
DaIRIPa.4	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGCGTCCT	rcctccgtgc	CCCCTC:	386
DaIRIPa.5	:	GCTGCAGGGCTTCC	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGCGTCC?	CCTCCGTGC	CCCCTC:	222
DaIRIPa.6	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGCGTCCT	CCTCCGTGC	CGCGTG :	222
DaIRIPa.7	:	GCTGCAGGGCTTCC	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGCGTCC'	rcctccgggc	CGCGTG :	222
DaIRIPa.8	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGGGTCCT	rcctccggc	CGCGTG:	222
DaIRIPa.9	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGCGTCC	CCTCCGTGC	CGCCTG:	222
DaIRIPa.10	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCTC	GGCGGCGTC	GGGGGGGTCC	CCTCCGTGC	CGCCTC :	222
DaIRIPa.11	:						:	-
DaIRIPa.12	:						:	-
DaIRIPa.13	:						:	-
DaIRIPa.14	:						:	-
DaIRIPa.15	:						:	-
		*	680	*	700	*	720	5 55
DaIRIPa.1	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG(TGCAAGCGG		720
DaIRIPa.2	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GACTGCGACG	FIGCAAGCGG	ececer :	720
DaIRIPa.3	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GACTGCGACG	FIGUAAGCGG	ccccei :	446
DaIRIPa.4	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG	FIGCAAGCGG	ececen :	446
DaIRIPa.5	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG	GTGCAAGCGG	eccett :	282
DaIRIPa.6	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG	STGCAAGCGG	96666H :	282
DaIRIPa.7	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG	FTGCAAGCGG	ccccei :	282
DaIRIPa.8	:	GTCCGGTGACGGGT						282
DaIRIPa.9	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG	FTGCAAGCGG	eccecan :	282
DaIRIPa.10	:	GTCCGGTGACGGGT	GCTGCGACTGG	GAAGGTGTG	GGCTGCGACG	FIGCAAGCGG	elekteri :	282
DaIRIPa.11	:					GCAAGCGG	eccett :	14
DaIRIPa.12	:						:	-
DaIRIPa.13	:						:	-
DaIRIPa.14	:						:	-
DaIRIPa.15	:						;	-

		* 7	740	*	760	*	780		
DaIRIPa.1		CACTACGTTGCAGCTAC		CTCGCGGG	GCCCATCCCCGC	AGCATCC	TTGGC	:	780
DaIRIPa.2	:	CACTACGTTGCAGCTAC	CACGCGTGGC	CICGCGGG	GCCCATCCCCGG	AGCATCC	TTGGC	:	780
DaIRIPa.3		CACTACGTTGCAGCTACC	CACGCGTGGC	CTCGCGGG	GCCCATCCCCGC	AGCATCC	TTGGC	:	506
DaIRIPa.4		CACTACGTTGCAGCTACC	CACGCGTGGC	CTCGCGGG	GCCCATCCCCGC	AGCATCC	TTGGC	:	506
DaIRIPa.5	:	CACTACGTTGCAGCTAC	CACGCGTGGC	CTCGCGGG	GCCCATCCCCGC	AGCATCC	TTGGC	:.	342
DaIRIPa.6	:	CACTACGTTGCAGCTAC	CACGCGTGGC	CTCGCGGG	GCCCATCCCCGC	ACCATCC	TTGGC	•	342
DaIRIPa.7	:	CACTACGTTGCAGCTACC							342
DaIRIPa.8	:	CACTACGTTGCAGCTAC							342
DaIRIPa.9	:	CACTACGTTGCAGCTACC						:	342
DaIRIPa.10	•	CACTACGTTGCAGCTACC							342
DaIRIPa.10	:	CACTACGTTGCAGCTACC	CACGCGTGGC	CTCGCGGG	GCCCATCCCCGC	AGCATCC	TTGGC	:	74
DaIRIPa.12	:					AGCATCC	TTEGE	•	14
DaIRIPa.13	:							:	
DaIRIPa.14	:								-
DaIRIPa.15	:							:	· _
Datkted. #2	•							•	
		_	100	*	820	*	840		
DaIRIPa.1	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	840
DaIRIPa.2	:	GGGCCTCGTGCAGCATGI						:	840
DaIRIPa.3	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	566
DaIRIPa.4	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	566
DaIRIPa.5	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	402
DaIRIPa.6	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	402
DaIRIPa.7	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	402
DaIRIPa.8	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	402
DaIRIPa.9	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						•	402
DaIRIPa.10	:	GGGCCTCGTGCAGCATGI						:	402
DaIRIPa.11	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT						:	134
DaIRIPa.12	:	GGGCCTCGTGCAGCATGT	GAAGGGTAAC	AGGAGAAC.	ACTTGCCGAACA	ACCGAAT	AGAAT	:	74.
DaIRIPa.13	:							:	
DaIRIPa.14	:							:	-
DaIRIPa.15	:							:	-
		* 8	60	*	880	*	900		
DaIRIPa.1	:	ATCGGGGACCAACAACAG		GGGAGAAA		CGGGAAT		•	900
DaIRIPa.2	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	900
DaIRIPa.3	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	626
DaIRIPa.4	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	626
DaIRIPa.5	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	462
DaIRIPa.6	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	462
DaIRIPa.7	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	462
DalRIPa.7	:	ATCGGGGACCAACAACAC						:	462
DaIRIPa.9	:	ATCGGGGACCAACAACAG						:	462
DaIRIPA.9	•	ATCGGGGACCAACACAG						:	462
DalRIPa.10 DalRIPa.11		ATCGGGGACCAACAACAG ATCGGGGACCAACAACAG						:	194
Dalkipa.11 Dalkipa.12	•	ATCGGGGACCAACAACAG ATCGGGGACCAACAACAG						:	134
DaIRIPa.12 DaIRIPa.13	•							:	
DaIRIPa.13	:								_
Dalkipa.14 Dalkipa.15	:							:	_
Dalkira.15	•				- : 			•	_

	*	920	*	940	*	960	
naTRTPa.1 :	CACCCTCATATCT	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCT'I'CAA	CACTGTCGT	AATTGG:	960
Dunita	CACCCCCANACC	CCCDATABCAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AAVIIICC :	960
	CA CCCTCATATATCT	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG:	686
	CA CCCTCATATATCT	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG :	686
DaIRIPa.4 :	ማ ምርጥር ካጥ አጥር ጥ	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG :	522
DaIRIPa.5 :	CA CCCTCA TA TOT	CCCAATAACAAC	'ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG	522
DaIRIPa.6 :	CACCCCCATATATCT	CACATTARCARC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG:	522
DaIRIPa.7:	CACCGTCATATCT	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG:	522
DaIRIPa.8 :	CACCCTCATATCT	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCI	GGGA		;	500
Daritara.	CACCGTCATATCT	CCCAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCAA	CACTGTCGT	AATTGG :	522
DaIRIPa.10 : DaIRIPa.11 :	CACCCTCATATCT	CCCAATAACAAC	'ACTGTGTCI	'GGGAGCT'TCA#	ACACTGTCGT	AVAVIVICE :	254
	CACCGTCATATCT	CGGAATAACAAC	ACTGTGTCT	GGGAGCTTCA	CACTGTCGT	AATTGG :	194
Durran at	CACCCICATATC			GGGAGCTTCA	CACTGTCGT	AATTGG :	26
DaIRIPa.13 : DaIRIPa.14 :				GGGAGCTTCA	CACTGTCGT	AATTGG :	26
				-GGAGCTTCA	ACACTGTCGT	AATTGG :	25
DaIRIPa.15 :							
		•					
	*	980	*	1000	*	1020	
DaIRIPa.1 :	GAGTGACAATATO	ATA					976
DaIRIPa.2 :	CACTGACAATATC	ATAACCGGTAGC	CAAGCATGTC	GTATCTGGGA			: 1004
DaIRIPa.3 :	CACTGACAATATC	TATAACCGGTAGC	CAAGCATGTO	GTATCTGGGAC	GAAACATA'I	'CGTAAC	: 746
DaIRIPa.4 :	CACTCACAATATC	TAACCGGTAGC	AAGCATGTC	GTATCTGGGAO	GAAACATAT	'CGTAAC	: 746
DaIRIPa.5 :	CACTCACAATATC	'ATAACCGGTAGC	PAAGCATGTC	GTATCTGGGA	GAAGCATA'	'CGT'AAC	
DaIRIPa.6 :	CACTCACAATATC	PATABCCGGTAGC	AAGCATGTO	GTATCTGGGA	EGAAGCATAT	'CGTAAC	: 582
DaIRIPa.7 :	CACTGACAATATC	TATAACCGGTAGC	CAAGCATGTC	CTATCTGGGA	GAAACATAT	CGTAAC	: 582
DaIRIPa.8 :	GAGTGACAATAT	CATAACCGGTAGC	CAAGCATGTO	GTATCTGGGA	GGAAACATAT	CGTAAC	: 582
DaIRIPa.9 :							: -
DaIRIPa.10 :	GAGTGACAATAT	CATAACCGGTAGC	CAAGCATGTO	GTATCTGGGA	egaaacata1	CGTAAC	: 582
DaIRIPa.11 :	CACTGACAATATO	TATAACCGGTAGC	CAAGCATGTO	CGTATCTGGGA(GGAAACATAT	CGTAAC	: 314
DaIRIPa.12 :	CACTGACAATATO	CATAACCGGTAGC	CAAGCATGTO	CGTATCTGGGA	GGAAACATAT	CGTAAC	: 254
DaIRIPa.13 :	CACTGACAATATC	TATAACCGGTAGC	CAAGCATGT	CGTATCTGGGA	EGAAACATA1	CGTAAC	: 86
DaIRIPa.14 :	GAGTGACAATAT	CATAACCGGTAGC	CAAGCATGT	GTATCTGGGA	GGAAACATAT	CGTAAC	: 86
DaIRIPa.15 :	GAGTGACAATAT	CATAACCGGTAGC	CAAGCATGT	CGTATCTGGGA	GGAAACATA:	CGTAAC	: 85
Duzzaz w a z	•						
						7000	
	*	1040	*	1060	*	1080	_
DaIRIPa.1 :							
DaIRIPa.2 :						CACCCT	: 806
DaIRIPa.3 :	TGATAACAACAA	CAAAGTATCCGGC	JAATGACAA.	TAATGTATCCG	GGAGCTICCA	CACCCT	: 806
DaIRIPa.4 :	TGATAACAACAA	CAAAGTATCCGGC	GAATGACAA.	PAATGTATCCG	GAGCTICC	CACCGI	: 642
DaIRIPa.5 :	TGATAACAACAA	CAAAGTATCCGGC	BAATGACAA.		GGAGUTICU	CACCGI	: 642
DaIRIPa.6 :	TGATAACAACAA	CAAAGTATCCGGC	GAATGACAA.	PAATGTATCCG	GGAGCTICC	ACACCG1	
DaIRIPa.7 :	TGATAACAACAA	AAAGTATCCGG	GACAA.	TAATGTATCCG	CCACCEROC	CACCGI	: 642 : 642
DaIRIPa.8 :	TGATAACAACAA	CAAAGTATCCGGC	-AATGACAA'	VAYAVI GILAVI CCG	GGAGCTICL	ACAICCG I	. 042
DaIRIPa.9 :					CCACCETEC	CACCC	: 642
DaIRIPa.10 :	TGATAACAACAA	CAAAGTATCCGGC	SAA'I'GACAA'	TAATGTATCCG	CCACCEMCA	CACCGI	: 374
DaIRIPa.11 :	TGATAACAACAA	AAAGTATCCGG	JAATGACAA'	TATETATCCG	CCAGCTICC	CACCGI	: 374
DaIRIPa.12 :	TGATAACAACAA	AAAGTATCCGGC	GAATGACAA'	TATUTATCCG	CCACCTTCC	ACACCGI	: 146
DaIRIPa.13 :	TGATAACAACAAC	AAAGTATCCGGC	JAA'I'GACAA'	PARTGTATCCG	CCACCUTCC	ACACCGI	: 146
DaIRIPa.14 :	TGATAACAACAA	AAAAGTAATCCCCC	AA'TGACAA'	DA A DOTA DOG	CCACCTTCC	ACACCGI	: 145
DaIRIPa.15 :	TGATAACAACAAC	JAAAGTATCCGGC	GAATGACAA'	AAIGIAICCG	GGAGC11CC		, тжэ

		*	*	1100	*	1120	*	1140	
DaIRIPa.1	:								: -
DaIRIPa.2	:								· -
DaIRIPa.3	:	ATCCGGGA	GCCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG	GAGCAAC	AAAGT	: 866
DaIRIPa.4	:	ATCCGGGA	GCCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG(GACCAAC	ÄAAGT	: 866
DaIRIPa.5	:	ATCCGGGA	GCCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG	GAGCAAC	CATCT	: 702
DaIRIPa.6	:	ATCCGGGA	GCCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG(GAGCAAC	CATGT	: 702
DaIRIPa.7	:	ATCCGGGA	GCCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG(GAGCAAC	CATGT	: 702
DaIRIPa.8	:					ATACCGTTTCCGG			: 702
DaIRIPa.9	:								: -
DaIRIPa.10	:								: -
DaIRIPa.11	:	ATCCGGGA	CCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGT'I'TCCGG	GAGCAAC:	MAAGT	: 434
DaIRIPa.12	:	ATCCGGGA	CCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA?	ATACCGTTTCCGG(GAGCAAC	AAAGI	: 374
DaIRIPa.13	:	ATCCGGGA	CCACAAC	ACCGTATCCGGG!	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG	BAGCAAC	CATGT	: 206
DaIRIPa.14	:	ATCCGGGA	CCACAAC	ACCGTATCCGGG	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG(GAGCAAC	CATGT	: 206
DaIRIPa.15	:	ATCCGGGAC	CCACAAC	ACCGTATCCGGG2	AGCAACA	ATACCGTTTCCGG(BAGCAAC	CATGT :	: 205
							_		
								* .	
			*	1160	*	1180	*	1200	
DaIRIPa.1	٤,								: -
DaIRIPa.2	:							;	: -
DaIRIPa.3	:	CCI				ATTATGTGTCAG'			905
DaIRIPa.4	:	CGT				ATTATGTGTCAG:			905
DaIRIPa.5	:					ATTATGTGTCAGT			762
DaIRIPa.6	:	CGTGTCTGC	GAGCAAC.	AAAGTCGTGACAC	GAGGTT	ATTATGTGTCAG:	rgtagga'	TTGTC:	: 762
DaIRIPa.7	:	CETETCIES	GAGCGAC.	AAAGTCGTGACAC	GAGGTT	ATTATG'I'GTCAG	rgtagga'	TTGTC	: 762
DaIRIPa.8	:	CGTGTCTGG	GAGCGAC	AAAGTCGTGACAC	GAGGT'I'A	ATTATGTGTCAGT	rGTAGGA'	TGTC	: 762
DaIRIPa.9	:							;	: -
DaIRIPa.10	:								: -
DaIRIPa.11	:	CGI				ATTATGTGTCAGT			: 473
DaIRIPa.12	:		CACCAAC			ATTATGTGTCAGT			: 413
DaIRIPa.13	:					ATTATGTGTCAGT			266
DaIRIPa.14	:					ATTATGTGTCAGT			266
DaIRIPa.15	•	CGIGICIGG	GAGCAACA	AAAG I CG I GACAG	GAGGITA	ATTATGTGTCAGT	GTAGGA.	TIGHE :	265
			* :	1220	*	1240	*	1260	
DaIRIPa.1	:							:	
DaIRIPa.2	:								• –
	:	TCCACCT							912
DaIRIPa.4	:	TCCACCT							912
DaIRIPa.5	:	TCCACCT						;	769
DaIRIPa.6	:	TCCACCT							769
DaIRIPa.7	:	TCCACCT							769
DaIRIPa.8	:	TCCACCT						:	769
DaIRIPa.9	:								: -
DaIRIPa.10	:								: -
DaIRIPa.11	:	TCCACCTGA	GCTCACCO	CTTGTCCAAATT	GAGTCTA	GCTCACAATCAGT	TGGTGG	GCCA :	533
DaIRIPa.12						GCTCACAATCAGT		_	,
DaIRIPa.13	:	TCCACCTGAC	GCTCACCC	CTTGTCCAAATT	GAGTCTA	GCTCACAATCAGT	TGGTGG		
DaIRIPa.14						GCTCACAATCAGT			
DaIRIPa.15	:	TCCACCTGAG	CTCACCC	CTTGTCCAAATT	GAGTCTA	GCTCACAATCAGT	TGGTGG	GCCA:	325

		*	1280	*	1300	*	1320	
DaIRIPa.1	:	*					·:	_
DaIRIPa.2	:						:	-
DaIRIPa.4	:						:	-
DaIRIPa.5								-
DaIRIPa.6	:						:	-
DaIRIPa.7	:							-
DaIRIPa.8	:							-
DaIRIPa.9	:						:	-
DaIRIPa.10	:						:	-
DaIRIPa.11	:	ATCGCGGCATGTAAC						593
DaIRIPa.12	:	ATCGCGGCATGTAAC	CTTCATGGAT	GGATATAGCA	TCATTTTCCC	CTTTAAATA	AAATTT:	533
DaIRIPa.13	:	ATCGCGGCATGTAAC	CTTCATGGAT	GGATATAGCA	TCATTTTCCCA	CTTTAAATA	AAATTT :	386
DaIRIPa.14	:	ATCGCGGCATGTAAC	CTTCATGGAT	GGATATAGCA	TCATTTTCCCA	CTTTANATA	AAATTT :	386
DaIRIPa.15	:	ATCGCGGCATGTAAC	TTCATGGAT	GGATATAGCA	TCATTTTCCCA	CTTTAAATA	AAATTT :	385
		*	1340	*	1360			
DaIRIPa.1	:					: -		
DaIRIPa.3	:					: -		
DaIRIPa.4								
DaIRIPa.5								
DaIRIPa.6								
DaIRIPa.7								
DaIRIPa.8	:							
DaIRIPa.9	:							
DaIRIPa.10	:					•		
DaIRIPa.11		GCCTCGTGGATGT						
DaIRIPa.12		GCCTCGTGGATGTIT				: 578		
DaIRIPa.13		GCCTCGTGGATGTCT				: 431		
DaIRIPa.14		GCCTCGTGGATGTCT	DAAAAAAAAAAAA	ασασασασασ	44444444444444444444444444444444444444	: 431		
DaIRIPa.15		GCCTCGTGGATGTCT				. 431		

		* GATTACTATAGGGC	20	* ************************************	40 *G~TC~TD TC~C	ት ምርረጥጥርረጎን ጥባ	60 'AGGCCG		60
DalRIPa	:	GATTACTATAGGGC	ACGCGIGGIC	.GACGGCCCGG	GCIGGIAICG	1CC11GCA11	AOGCCG	•	00
		*	80	*	100	*	120		
DaIRIPa	:	GTCACGATGTGTGG	TCTAGCCATI	CCATGTCATC	CACATCATAT	AGGTTGGTGA	CGTTTA	: :	120
		*	140	*	160	*	180		
DaIRIPa	:	TTTTGAAGTCTGCG	TAATAAAATC	TTCCTAGGAT	ATTTGCATGG	TATCACTCA	ATTATTA	:	180
		*	200	*	220	*	240		
DaIRIPa	:	CTCTGAGTAGGCAT	GGGTGACAAG	TACCTCTCCA	GCRCAGCTCC	AATCCTACAI	GTGGTA	: :	240
		*	260	*	280	*	300		
DaIRIPa	:	GCTGACAACAAGCA	GCTTGAGTGC	TTGCCACCCA	CGAATTCCAG	TCGACAGAAI	ACACCA	: :	300
		*	320	*	340	*	360		
DaIRIPa	•	AAAACCAAGYTTGA	ATTGGGAGGC	AGTTTGTGGG	CCTTGTGGTC	ACGGACTAG!	ATTAGA	:	360
		*	380	*	400	*	420		
DaIRIPa	:	CCACTTGCAATGCA	TGCTTACAAA	CATACACGCA	CACTATAAGI	AAGATGTACO	CACCCAA		420
		*	440	*	460	*	480		
DaIRIPa	:	GCAGTTTTTAACAA	CAACACTTGI	GAATCACTTC	CATTCCAAAA	AGGTTTCTTC	CCGAAT	:	480
		*	500	*	520	*	540		
DaIRIPa	:	CCATATATAGCATA	CCACGGCTGA	ATCCATGGCG	CTGAAATGCG	GGTTGTTGC	GCTCTT	:	540
		*	560	*	580	*	600		
DaIRIPa	:	CTCAGCATTCCTCT	TGCCGGCAGC	GAGCGCTACG	GCGTGCCACT	CCCGTGACC'	rccecec	:	600
		*	620	*	640	*	660		
DaIRIPa	:	GCTGCAGGGCTTCG	CTAGGAACCT	CGGCGGCGTC	GGGGGCGTCC	TCCTCCGTG	cccctc	:	660
		*	680	*	700	*	720		
DaIRIPa	:	GTCCGGTGACGGGT	SCTGCGACTG	GGAAGGTGTG	GGCTGCGACG	GIGCAAGCG	3CCGCGT	•	720
		*	740	*	760	*	780		
DaIRIPa	:	CACTACGTTGCAGC	racccacec	TEGCCTCGCG	GGGCCCATCC	CCGGAGCAT	CTTGGC	:	780
		*	800	*	820	*	840		• • •
DaTRIPa	•	GGGCCTCGTGCAGC	ATGTGAAGGG	TAACAGGAGA	ACACTTGCCG	AACAACCGA	TAGAAT	:	840

		" 900	880	*	860	• *		
900	:	CCGGGAATGACAA	\GAAACAATGCT(GTTTGGGAG	'AACAGTGTGAG	ATCGGGGACCAAC	:	DalRIPa
960	:	* 960 CTGTCGTAATTGG	940 CTGGGAGCTTC	* CACTGTGTC	920 GGGAATAACAA	* CACCGTCATATCT	· •	DaIRIPa
1020	:	* 1020 AACATATCGTAAC	1000 STCGTATCTGGG#	* CAAGCATGT	980 ATAACCGGTAG	* GAGTGACAATATC	:	DaIRIPa
1080	:	* 1080 GCTTCCACACCGT	1060 ATAATGTATCCC	* GAATGACAA	1040 AAAGTATCCGG	* TGATAACAACAAC	:	DaIRIPa
1140	:	* 1140 GGAGCAACCATGT	1120 ACAATACCGTTI	* CGGGAGCAA	1100 AACACCGTATC	* ATCCGGGAGCCAC	•	DaIRIPa
1200	:	* 1200 GTGTAGGATTGTC	1180 GTTAATTATGTO	*. GACAGGAGG	1160 AACAAAGTCGT	* CGTGTCTGGGAGC	:	DaIRIPa
1260	:	* 1260 GTTGGTGGGGCCA	1240 STCTAGCTCACAF	* Aaattgagt	1220 ACCCCTTGTCC	* TCCACCTGAGCTC	:	DaIRIPa
1320	:	* 1320 TTAAATAAATTT	1300 CATCATTTCCC	* GGATATAGC	1280 ACTTCATGGAT	* ATCGCGGCATGTA	:	DaIRIPa
		1365	1360 AAAAAAAAAA	* Gaaaaaaaa	1340 CTAAAAAAAAA	* GCCTCGTGGATGT	:	DaIRIPa

DaIRIPa	:	* MALKCGLLLLFSAFI	20 LLPAASATACI	# HSRDLRALQGF.	ARNLGGVGG	VLLRAAWSGD	GCCDWE :	: 60
DaIRIPa	:	* GVGCDGASGRVTTL(80 QLPTRGLAGP	* IPGASLAGLVQI	100 HVKGNRRTL	* AEQPNRISGT	120 NNSVRF :	: 120
DaIRIPa	:	* GRNNALAGNDNTVIS	140 SGNNTVSGS)	* FNTVVIGSDNI:	160 ITGSKHVVS	* GRKHIVTDNN	180 NKVSGN :	: 180
DaIRIPa		* DNNVSGSFHTVSGSI	200 INTVSGSNNTV	* VSGSNHVVSGS	220 NKVVTGG :	222		

			ж	20	*	40		80	
DaIRIPb.1	•	AACAGCAAC	GTTGTGAC	TGGAAACCACA	ACACACTA	TACGTGGGAGT	GACGACAAT	GCC	: 60
	•					TACGTGGGAGT			: 60
DaIRIPb.2	:								
DaIRIPb.3	:	AACAGCAAC	GTTGTGAC	:TGGAAACCACA!	ACACACTA	PTACGTGGGAGT(GACGACAAT	GCC	: 60.
202									
							_		
			*	80	*	100	*	120	
DaIRIPb.1		GTAAGTGGT	AGCAAGCA	TGTCGTATCTGC	GACCCAC	CATGTCGTAACT(GCGACAAC	TAAT	:120
	•					CATGTCGTAACT			:120
DaIRIPb.2	:								_
DaIRIPb.3	:	GTAAGTGGT	AGCAAGCA	ATGTCGTATCTGC	-GACCCAC	CATGTCGTAACT	GCGACAAC	:VA:T	:120
		-							
•						3.00		180	
			*	140		160			
DaIRIPb.1	:	GCCGTAACA	AGGAACCA	CAATACCGTATO	CCGGGAGC	CATAATACCGTA	CTGGGAGC	CAT	:180
DaIRIPb.2		GCCGTAACA	AGGAACCA	CAATACCGTATO	CCGCGAGC	CATAATACCGTA	CCTGGGAGC	CAT	:180
	•					ATAATACCGTA			:180
DaIRIPb.3	:	GCCGTAACA	AGGAACCA	CAATACCGTATC	LGGGAGC	AIAAIACCGIA	CIGGGAGG	.CAI	: 100
			*	200	*	220	*	240	
					nz mamada		TO A TO COMPANY		. 040
DaIRIPb.1	:					AGCCACAATACC			:240
DaIRIPb.2	:	AATACCGTA'	TCTGGGAG	CCACAATACCGT	PATCTGGG	AGCCACAATACC	STATCTGG!	AGC	:240
DaIRIPb.3		A A TACCGTA	TCTGGGAG	CCACAATACCGT	PATCTGGG	AGCCACAATACC	STATCTGG	AGC	:240
Darkir	•	11111000111		بالإستاد الشطاط المستاد					
			*	260	*	280	*	300	
Dateteh 1		A A CCA CATC	* CTATOTGO		*		* CTTTAGTO		:300
DaIRIPb.1	:			GAACAACAAAGT		GAGGTTAATGA		GAT	:300
DaIRIPb.2	:	AACCACATC	GTATCTGG	GAACAACAAAG1 GAACAACAAAG1	CGTGACAT	GAGGTTAATGA GAGGTTAATGA	rCTTTAGT0	GAT GAT	:300
	: :	AACCACATC	GTATCTGG	GAACAACAAAG1 GAACAACAAAG1	CGTGACAT	GAGGTTAATGA	rCTTTAGT0	GAT GAT	
DaIRIPb.2	:	AACCACATC	GTATCTGG	GAACAACAAAG1 GAACAACAAAG1	CGTGACAT	GAGGTTAATGA GAGGTTAATGA	rCTTTAGT0	GAT GAT	:300
DaIRIPb.2	:	AACCACATC	GTATCTGG	GAACAACAAAG1 GAACAACAAAG1	CGTGACAT	GAGGTTAATGA GAGGTTAATGA	rCTTTAGT0	GAT GAT	:300
DaIRIPb.2	:	AACCACATC	GTATCTGG GTATCTGG	GAACAACAAAG1 GAACAACAAAG1 GAACAACAAAG1	CGTGACAT	rgaggttaatga: rgaggttaatga: rgaggttaatga:	CTTTAGTO	GAT GAT GAT	:300
DaIRIPb.2	:	AACCACATCO AACCACATCO	GTATCTGG GTATCTGG	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320	CGTGACAT	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA	CTTTAGTO	GAT GAT GAT	:300
DaIRIPb.2	: :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG	CGTGACAT * STTCATGT	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * GTGTACCTO	GAT GAT GAT 360	:300
DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1	: :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG	CGTGACAT * STTCATGT	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * GTGTACCTO	GAT GAT GAT 360	:300
DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2	: :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT * STTCATGTG STTCATGTG	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 TCAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * ETGTACCTO	GAT GAT GAT 360 ACA	:300 :300 :360 :360
DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1	: : :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT * STTCATGTG STTCATGTG	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * ETGTACCTO	GAT GAT GAT 360 ACA	:300
DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2	: :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT * STTCATGTG STTCATGTG	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 TCAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * ETGTACCTO	GAT GAT GAT 360 ACA	:300 :300 :360 :360
DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT * STTCATGTG STTCATGTG	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 TCAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * ETGTACCTO	GAT GAT GAT 360 ACA	:300 :300 :360 :360
DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2	: : :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO	GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI GAACAACAAAGI 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT * STTCATGTG STTCATGTG	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 TCAAGCTAATAA	CTTTAGTO CTTTAGTO * ETGTACCTO	GAT GAT GAT 360 ACA	:300 :300 :360 :360
DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO TGTTTCCATO	GTATCTGG GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT * STTCATGTC STTCATGTC	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA 340 CCAAGCTAATAA CCAAGCTAATAA CCAAGCTAATAA	CTTTAGTO * * * * * * * * * * * * * * * * * *	GGAT GGAT GGAT AGA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360
DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	:	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATC TGTTTCCATC	GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG	CGTGACAT CGTGACAT CTTCATGTC CTTCATGTC CTTCATGTC	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAAGCTAATAA CCAAGCTAATAA CCAAGCTAATAA TGAAGCTAATAA	CTTTAGTO * FIGTACCTO FIGTACCTO FIGTACCTO FIGTACCTO	GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360
DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3	::::	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG'	STATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA * IGGGGCCA IGGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ATCGCGTTATGT	CCGTGACAT CCGTGACAT STTCATGTO STTCATGTO A CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	:	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG'	STATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA * IGGGGCCA IGGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ATCGCGTTATGT	CCGTGACAT CCGTGACAT STTCATGTO STTCATGTO A CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360
DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	: : : :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG'	STATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA * IGGGGCCA IGGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ATCGCGTTATGT	CCGTGACAT CCGTGACAT STTCATGTO STTCATGTO A CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAGGTTAATGA TGAAGCTAATAA CCAAGCTAATAA CCAAGCTAATAA TGAAGCTAATAA	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	: : : :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG'	STATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA * IGGGGCCA IGGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ACGAAGCTCATG ATCGCGTTATGT	CCGTGACAT CCGTGACAT STTCATGTO STTCATGTO A CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	: : : :	AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG'	GTATCTGG * CTTCCCTA CTTCCCTA * IGGGGCCA IGGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC 380 ATCGCGTTATGT ATCGCGTTATGT	CCGTGACAT CCGTGACAT STTCATGTO STTCATGTO A CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	: : : :	AACCACATCO AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG' GTCACTTGG' GTCACTTGG'	GTATCTGG GTATCTGG CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA CGGGGCCA GGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC	CGTGACAT CGTGACAT CGTGACAT CTTCATGTC CTTCATGTC CAACTTGAT CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3	: : : :	AACCACATCO AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG' GTCACTTGG' GTCACTTGG'	GTATCTGG GTATCTGG CTTCCCTA CTTCCCTA CTTCCCTA CGGGGCCA GGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC	CGTGACAT CGTGACAT CGTGACAT CTTCATGTC CTTCATGTC CAACTTGAT CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	AACCACATCO AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGG' GTCACTTGG' GTCACTTGG'	GTATCTGG GTATCTGG CTTCCCTA CTTCCCTA CTGGGGCCA FGGGGCCA FGGGGCCA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ATCGCGTTATGT ATCGCGTTATGT ATCGCGTTATGT	* CGTGACAT CGTGACAT CGTTCATGTC CTTCATGTC AACTTGAT CAACTTGAT CAACTTGAT	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420 :420
DaIRIPb.1 DaIRIPb.3 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3 DaIRIPb.3 DaIRIPb.1 DaIRIPb.2 DaIRIPb.3	: : : :	AACCACATCO AACCACATCO AACCACATCO TGTTTCCATO TGTTTCCATO GTCACTTGGT GTCACTTGGT GTCACTTGGT GTCACTTGGT	STATCTGG STATCTGG TATCTGG CTTCCCTA CTTCCCTA IGGGGCCA IGGGGCCA ACTCCCTTA	GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT GAACAACAAAGT 320 ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC ACGAAGCTCATC	* FITCATGTO FITC	TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' TGAGGTTAATGA' 340 CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(CCAAGCTAATAA(TGAGGTAATAA(TGGATATAGCAT	CTTTAGTO * ETGTACCTO ETGTACCTO ETGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO CTGTACCTO	GGAT GGAT GGAT GGAT ACA ACA ACA ACA ACA ACA ACA	:300 :300 :360 :360 :360 :420 :420

		20 - 40		
DaIRIPb	:	AACAGCAACGTTGTGACTGGAAACCACACACACTATTACGTGGGAGTGACGACAATGCC	:	60
		* 80 * 100 * 120 GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACTGGCGACAACAAT		120
DaIRIPb	:	GTAAGTGGTAGCAAGCATGTCGTATCTGGGACCCACCATGTCGTAACTGGCGACAACAAT	•	
		* 140 * 160 * 180		100
DaIRIPb	:	GCCGTAACAAGGAACCACAATACCGTATCCGGGAGCCATAATACCGTACCTGGGAGCCAT	•	180
		* 200 * 220 * 240		
DaIRIPb	:	AATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAAGC	:	240
		* 260 * 280 * 300		
DaIRIPb	:	AACCACATCGTATCTGGGAACAACAAGTCGTGACATGAGGTTAATGATCTTTAGTGGAT	:	300
		* 320 * 340 * 360		
DaIRIPb	:	TGTTTCCATCTTCCCTAACGAAGCTCATGTTCATGTCCAAGCTAATAAGTGTACCTCACA	•	360
		* 380 * 400 * 420		:
DaIRIPb	:	GTCACTTGGTGGGGCCAATCGCGTTATGTAACTTGATGGATATAGCATCATTTTCGTACT	:	420
		* 440		
DaIRIPb	:	TTAAATAAAACTCCCTTAAAAAACAAAAA : 449		

* 20 * 40 * 60

Dairipb : NSNVVTGNHNTLLRGSDDNAVSGSKHVVSGTHHVVTGDNAVTRNHNTVSGSHNTVPGSH : 60

Dalripb : ntvsgshntvsgshntvsgnnkvvt : 92

		*	20	*	40	*	60	
DaIRIPd.1		CTGGTATTTTGTTTCTC'	rgcgTgcactg(BAAC1'GTAG	GCGCACGGTATO	CACTCACT	TATT:	60
DaIRIPd.2	:							_
DaIRIPd.3	:						:.	-
DaIRIPd.4	-						:	
DaIRIPG.5	:						:	
DaIRIPd.6	:					- _	:	
DalRIPG.7	•						:	_
Dairied.	•							
							٠.	
		*	80	*	100	*	120	
DaIRIPd.1		ACTCTGCCAAGGCATGG				CTATATG		120
DaIRIPG.1	:	ACTORGEOTAGE						
DaIRIPG.2	:							-
DalRIPG.3	•						:	
DaIRIPG.4	•							_
DaIRIPG.6	•						:	_
DaIRIPG.7	•							_
DaiRiPu. /	•							
•							•	
		*	L 4 0	*	160	*	180	
Dateted 1	_	AGCTGACGAAGGGCAGC'				CAGACAA		180
DaIRIPd.1 DaIRIPd.2	:						:	
DalRIPd.3	:						:	_
DaIRIPG.3	•						:	_
DaIRIPG.5	•							_
	-						;	` <u>-</u>
DaIRIPd.6 DaIRIPd.7	•						:	٠_
DaiRipu.	•						•	
		*	200	* ;	220	*	240	
naTRIRG 1			.00		220 IGTGGTCACGG	* ACTAGCTA	240 GTAC :	240
DaIRIPd.1		AAAAACAAAGTTTGAACT				* ACTAGCTA		240
DaIRIPd.2	: :					* ACTAGCTA		240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3						* ACTAGCTA		240 - - -
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4						* ACTAGCTA		240 - - -
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5						* ACTAGCTA		240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6						* ACTACCTA		240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5						* ACTAGCTA		240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6						* ACTAGCTA		240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6		AAAACAAAGTTTGAAC		religeeer		* ACTAGCTA		240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	240
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	*	PGTGGTCACGG	*	300	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6	: : : :	AAAAAAGIITIGAAC	GGGAGGCACT	* CACACTATA	IGTGGTCACGG	*	300 GTAG:	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6	: : : :	* TCAACCACTTGCAACAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA	300 GTAG:	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7	: : : :	AAAACAAGTTTGAAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA * CCTGAGT	300 GTAG :	
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7		* TCAACCACTTGCAACAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA	300 GTAG :	300
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7		* TCAACCACTTGCAACAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA * CCTGAGT	300 GTAG :	300
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7		* TCAACCACTTGCAACAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA * CCTGAGT	300 GTAG :	300
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7		* TCAACCACTTGCAACAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA * CCTGAGT	300 GTAG :	300
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7		* TCAACCACTTGCAACAC	GEGAGGCACT	* CACACTATA	280 AGTAGCATGTA	* CACCAA * CCTGAGT	300 GTAG :	300

		* 380 * 400	* 4	20	
DaIRIPd.1	I	TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTC	TCGGCGTTC	CT : 42	Q
DaIRIPd.2	:	: TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTC	TCGGCGTTC	CT: 6	8
DaIRIPd.3	:			== ;	_
DaIRIPd.4	:			:	_
DaIRIPd.5	:			:	_
DaIRIPd.6	•			:	_
DaIRIPd.7		. =====================================		:	_
-	- 7				
		* 440 * 460	* 4	80	
DaIRIPd.1	:	CTTGTCGGCGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCG	C'I'GCAAAGC	TT : 48	0
DaIRIPd.2	:	CTTGTCGGCGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCG	CTGCAAAGC	TT : 12	8
DaIRIPd.3	:			 ;	_
DaIRIPd.4	:			:	_
DaIRIPd.5	:			:	_
DaIRIPd.6	:			:	_
DalRIPd.7	:			;	_
		* 500 * 520	<u>* </u>	40	
DaIRIPd.1	:	CGCCGGGAACCTCGGCAGCCCAGGGGGGGGCCCCCCCCCC			0
DaIRIPd.2	:	CGCCGGGAACCTCGGCAGCCCAGGGGGGGTCCTCCCCCGCGCCCGCGTGG	TCCGGCGCC	TC : 18	8
DaIRIPd.3	:			:	-
DaIRIPd.4	:			:	-
DaIRIPd.5	:			:	-
DaIRIPd.6	:			:	-
DaIRIPd.7	:			:	-
		* 560 * 580		00	
DaIRIPd.1	:	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2	:		ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3	: :	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4	: :	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5	: : : :	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6		ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC	ACTGCGTTG	CG : 60	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6		ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCCTC. ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTC.	ACTGCGTTG ACTGCGTTG	CG : 60 CG : 24 : :	_
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCCTCATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGGCGCGCGTCAATGCCGACGGCGCGCGTCAATGCCGACGGCGCGCGTCAATGCCGAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGAAGCGGCCGCGTCAATGCAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGCGCGCG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG	CG : 60 CG : 24 : : :	8
Dairipd.2 Dairipd.3 Dairipd.4 Dairipd.5 Dairipd.6 Dairipd.7 Dairipd.7		ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACTGGGAAGCGTGAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCAAGCGGCCGCGTCAAGCAAG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG	60	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.1		ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCCTCATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGGCGCGCGTCAATGCCGACGGCGCGCGTCAATGCCGACGGCGCGCGTCAATGCCGAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGAAGCGGCCGCGTCAATGCAAGCGGCCGCGTCAATGCCGACGCGCGCG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG	60	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3		ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACTGGGAAGCGTGAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCAAGCGGCCGCGTCAAGCAAG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG	60	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4	*****	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACTGGGAAGCGTGAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCAAGCGGCCGCGTCAAGCAAG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG	60	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5		ATGCTGCGACTGGGAAGCGTTGAGCTGCGACGTTGCAAGCGGCCGCCTCATGCTGCGACTGGAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCTCACGCGGCATGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCATGCCGGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCATGCAGAGATGCTTGGAGAGAATGCTTGGAGAGAATGCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGCATGCTTCATGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCATGAAAGAAA	ACTGCGTTG ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 STGAAAGGT GTGAAAGGT	60 AA : 66	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6	****** ******	ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCCGCCGCCTC ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTC * 620 * 640 GCTCCCTACGCGGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATC GCTCCCTACGCGGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATC	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT	60 : 660 AA : 30	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4		ATGCTGCGACTGGGAAGCGTTGAGCTGCGACGTTGCAAGCGGCCGCCTCATGCTGCGACTGGAAGCGGCCGCGTCATGCTGCGACGTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCGCGTCATGCTGCAAGCGGCCTCACGCGGCATGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCCTACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCATGCCGGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCATGCAGAGATGCTTGGAGAGAATGCTTGGAGAGAATGCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCACGCGGCATGCTTCATGGCGGGCCTCACGCGGCATGCTTCATGAAAGAAA	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT	60 : 660 AA : 30	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6		ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGTGCAAGCCGCCGCCTC ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCAAGCGGCCGCGTC * 620 * 640 GCTCCCTACGCGGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATC GCTCCCTACGCGGGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATC	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT	60 : 660 AA : 30	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6		* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGAGCATCGGCGCCTCTCGCTCCTACGCGCGCG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT	60 60 60 60 60 60 60 60 60 60 60 60 60 6	8
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7	: : : : :	* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGGCATCCTTCGCGGCGCCTCACCCCTACGCGCGCG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 66 STGAAAGGT GTGAAAGGT ETGAAAGGT	60 : 60 60 : 24 60 : 30 61 : 66 62 : 30 63 : 30 64 : 3	8
Dairipd.2 Dairipd.3 Dairipd.4 Dairipd.5 Dairipd.6 Dairipd.7 Dairipd.2 Dairipd.3 Dairipd.4 Dairipd.5 Dairipd.5 Dairipd.7	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGGGCTCTCTTGGCGGCGCCTCACGCGGCCTTTGGCTACGCGGCGCTTTGGCTACGCGGCGCTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTTTT	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT TGAAAGGT AACGTCAGG	G : 60 C : 24 : : 60 AA : 66 AA : 30 : : AA : 3	8 0888
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGGCATCCTTCGCGGCGCCTCACCCCTACGCGCGCG	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT TGAAAGGT AACGTCAGG	60 : 66 60 : 24 60 : 30 61 : 66 AA : 30 62 : 30 63 : 30 64 : 30 65 : 30 66 : 30 67 : 30 67 : 30 68 : 30 69 : 30 60	8 0888
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGGGCTCTCTTGGCGGCGCCTCACGCGGCCTTTGGCTACGCGGCGCTTTGGCTACGCGGCGCTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTTTT	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT TGAAAGGT AACGTCAGG	G : 60 C : 24 : : 60 AA : 66 AA : 30 : : AA : 3	8 0888
DaIRIPd.2 DaIRIPd.4 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.3 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGGGCTCTCTTGGCGGCGCCTCACGCGGCCTTTGGCTACGCGGCGCTTTGGCTACGCGGCGCTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTTTT	ACTGCGTTG ACTGCGTTG * 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT TGAAAGGT AACGTCAGG	G : 60 C : 24 : : 60 AA : 66 AA : 30 : : AA : 3	8 0888
DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.6 DaIRIPd.7 DaIRIPd.1 DaIRIPd.2 DaIRIPd.3 DaIRIPd.4 DaIRIPd.5 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7 DaIRIPd.7		* 620 * 640 GCTCCCTACGCGGCGCCTTGGGGCTCTCTTGGCGGCGCCTCACGCGGCCTTTGGCTACGCGGCGCTTTGGCTACGCGGCGCTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTGGCGGGCCTCACGCGGCATTGGCTTTTTTTT	* 6 GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT GTGAAAGGT AACGTCAGG	60	8 0888 08

	•							
		*	740	*	760	*	780	
DaIRIPd.1 :	TGGAAGCA-						:	728
DaIRIPd.2 :	TGGAAGCAA	CAATGTTC	TTCCGGGAACC	GACAACACC	GTCATATCTGGC	AACAGGA	ACAT :	428
DaIRIPd.3					GTCATATCTGGG			57
DaIRIPd.4	AGCAA	CAATGTTG	TTTCCGGGAACG	GACAACACC	GTCATATCTGGG	BAACAGGA	ACAT :	56
DaIRIPd.5					GTCATATCTGGC			56
DalRIPd.6					GTCATATCTGGG			
					GTCATATCTGGG			158
DaIRIPd.7 :	Helderste Care	CAMIGIIC	IIIICCGGGAACC	3ACAMENCE	CICAIAICIGG	ALACCA COM		130
			000	_	000		040	
	•	*	800	•	820	*	840	
DaIRIPd.1 :							:	-
DaIRIPd.2 :					GATAATACCAÇA			488
DaIRIPd.3 :					GATAATACCATA			117
DaIRIPd.4 :					GATAATACCATA			116
DaIRIPd-5:					GATAATACCATA			116
DaIRIPd.6 :	TGTGTCTGG	GAGCTACA	ACACCGTCGTAR	CTGGGAGI	GATAATACCATA	ACCGGTA	GCAA:	218
DaIRIPd.7 :	TGTGTCTGG	GAGCTACA	ACACCGTCGTAA	CTGGGAGT	GATAATACCATA	ACCGGTA	GCAA:	218
						•	*	
		*	860	*	880	*	900	
DaIRIPd.1 :							:	-
DaIRIPd.2 :	CCATGTCGT	GTCTGGGA	AGAACCATATCG	TAACCGAC	AACAACAACGCC	GTAACCG	GGCA:	548
DaIRIPd.3 :					AACAACAACGCC			177
DaIRIPd.4 :					AACAACAACGCC			176
DaIRIPd.5 :					AACAACAACGCC			
					AACAACAACGCC			
DaIRIPd.6:					AACAACAACGCC			
DaIRIPd.7 :	CCAIGICGI	GICIGGR	MONACCHIAICG	IAMULGAL	んれんしんれんしんしん	JJJAALU.		2/0
			020		040		050	
		*	920	*	940	*	960	
DaIRIPd.1 :				*		*	:	_
DaIRIPd.2 :		TGTATCCG	GGAGCTTCCATA		GGGAACCACAAC		CTGC:	608
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 :	CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	CCGTATCC	GGGAACCACAAC	ACAGTAT	CTGG:	237
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 :	CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	CCGTATCC	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT	CTGG:	237 236
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGC: CTGC: CTGC:	237 236 236
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.1 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	AAAGTCG	CTGG : CTGG : CTGG : CTGG : CTGG :	237 236 236 338 338 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * * TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA P80 CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTA	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.1 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * * TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA P80 CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTA	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DAIRIPd.5 : DAIRIPd.6 : DAIRIPd.7 : DAIRIPd.1 : DAIRIPd.2 : DAIRIPd.3 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO * 1 GTGTCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: CTGG: TGAC:	237 236 236 338 338 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO * 1 GTGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC DOO TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO * GTGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO * GTGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO ACCGTATCO * GTGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTA	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	ACCGTATCO ACCGTA	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC	CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC * 1 GTGTCGTG ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGG:	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC	CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO ACGTATCO ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTA	CTGG: CTGGC: CTGGCC: CTGGCCCCCCCCCC	237 236 236 338 338 338 297 296 296 398 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC	CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO ACGTATCO ATGTCGTG	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT ACAGTAT AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG AAAGTCG	CTGG: CTGGC: CTGGCC: CTGGCCC: CTGGCCCCCCCCCC	237 236 236 338 338 338 - 668 297 296 398 398 - 702 357
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG * TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CCAGGGAGCAACC	CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CGTATCO CGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTA	CTGG:	237 236 236 338 338 338 - 668 297 296 398 398 - 702 357 356
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA AGGAGGTTAA AGGAGGTTAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC CAGGGAGCAACC TCCGTGCAGGAT TCCGTGCAGGAT TCCGTGCAGGAT TCCGTGCAGGAT	CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC CCGTATCC * 1 GTGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG ATGTCGTG GCTTCCAT GCTTCCAT	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC CCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAGT ACAGT ACAGTAGT ACAGT ACAGTAGT ACAGT ACAGTAGT ACAGTAGT ACAGTAGT ACAGTAGT ACAGTAGT ACAGT A	CTGG: CTGGC: CTGGCC: CTGGCCC: CTGGCCC: CTGGCCC: CTGGCCC: CTGGCCCCCCCCCC	237 236 236 338 338 338 338 668 297 296 296 398 398
DaIRIPd.2 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.1 : DaIRIPd.3 : DaIRIPd.4 : DaIRIPd.5 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.6 : DaIRIPd.7 : DaIRIPd.7 :	CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA CGACAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA GAGCAATAA AGGAGGTTAA AGGAGGTTAA AGGAGGTTAA AGGAGGTTAA	TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TGTATCCG TACTGTAT	GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA GGAGCTTCCATA 980 CAGGGAGCAACC CCGTGCAGGAT CCCGTGCAGGAT CCCGTGCAGGAT	CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CCGTATCO CGTGTCGTG ATGTCGTG ATGTTCCATGCTTCCATGCTTCCATGCTTCCATGCTTCCATGCTTCCATGCTTCCATGCTTCCATGCTTTCATGCTTTCATGCTTTCATGCTTTCATGCTTTCATGCTTTCATGCTTTTCATGCTTTTCATGCTTTTTTTT	GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC GGGAACCACAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC TCCGGGAGCAAC	ACAGTAT ACAGTAGT ACAGTCG ACAGTCG ACAGTCGC ACAGTCGC ACAGTCGC ACAGTCGC ACAGTCGC ACAGTCGC ACAGTCGC ACAGTCGC	CTGG: CTGGC: CTGG: CTGGC: CTGGCC: CTGGCC: CTGGC:	237 236 236 338 338 338 338 668 297 296 296 398 398 398

			*	1100		*	1120	*	1140	
DaIRIPd.1	:								:	-
DaIRIPd.2	:									
DaIRIPd.3	:							CGCGATGTCAT		417
DaIRIPd.4	:							CGCGATGTCA'		416
DaIRIPd.5	:	TTGTACAA	GTTTTGI	GTAGCTC	ACAATC	ACTTGGT	'GGGACCAAT'	CGCGATGTCAT		416
DaIRIPd.6	:							CGCGATGTCAT		
DaIRIPd.7	:	TTGTACAA	GTTTTGT	'GTAGCTC	ACAATC	ACTTGG!	'GGGACCAA'I'	CGCGATGTCAT	(GANTATIO :	518
			*	1160		*	1180	*	1200	
DaIRIPd.1	•								:	-
DaIRIPd.2	:								;	-
DaIRIPd.3	:	TTCATGGA	TATAGCA	TCCTTTT	CCTAAT	TAAATI	AAGTTTGCC	TTGTGGAAAA	AAAAA	477
DaIRIPd 4	•							TTGTGGAAAA		476
DaIRIPd.5	:							TTGTGGAAAA		476
DaIRIPd.6	:	TTCATGGA	TATAGCA	TCCTTTT	CCTAAT:	TAAATI	AAGTTTGCC'	TTGTGTAAAA	AAAAA	578
DaIRIPd.7	:	TTCATGGA	TATAGCA	TCCTTTT	CCTAAT:	TAAAT	AAGTTTGCC'	TTGTGTAAAA!	AAAAA	578
				-						
				1000				·		
			*	1220	_		•			
DaIRIPd.1	:									
DaIRIPd.2	:	AAAAAAA		4 6 4 4 4 4	: 498					
DaIRIPd.3	:	AAAAAAAA AAAAAAA			: 430 ·					
DaIRIPd.4	:	AAAAAAA AAAAAAA			: 497					
DaIRIPd.5	:	AAAAAAA AAAAAAA			: 599					
DaIRIPd.6	:	AAAAAAA AAAAAAA			: 599			*		
DaIRIPd.7	•	AAAAAAAA	MARAMAP	ACHURIAVANA.	. 555					

~- *** ***		* 20 * 40 * 60 CTGGTATTTTGTTTCTCTGCGTGCACTGGAACTGTAGGCGCACGGTATCACTCAC		
Daikipo	:	CIGGIAITIIGITICTCIGCGIGCACIGGAACIGIAGGCGCACGGIAICACICACI	:	60
		100		
DaIRIPd	:	* 80 * 100 * 120 ACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAGTACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCTATATGCGGT		120
	_		•	
		* 140 * 160 * 180	•	
DaIRIPd	:	AGCTGACGAAGGGCAGCTTGAGTCCATGCCACCCACGAATTTCAGTCGACAGACA	:	180
		* 200 * 220 * 240		
DaIRIPd	:	AAAAACAAAGTTTGAACTGGGAGGCACTTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGCTACTAC	:	240
D-TDTD4		* 260 * 280 * 300		0.00
DaIRIPd	•	TGAACCACTTGCAACACATGCTTACACACACTATAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAG	• .	300
			-	
DaIRIPd	٠.	* 320 * 340 * 360 TTTTTAACAACACTTGCGAATCACTTGCATTCCAAAAAAGTCCATTCCTGAGTTGCA		360
		•		-,-
		* 380 * 400 * 420		
DaIRIPd	:	TACCACAGCTGAATCCATGGCGCCGAAATGCTGGCTGCTACTGCTCTTCTCGGCGTTCCT	: .	420
		* 440 * 460 * 480		
DaIRIPd	:	CTTGTCGGCGGCAGGCGCAACATCGTGCCACCCCGATGACCTCCGCGCGCTGCAAAGCTT	:	480
n- Thrnd		* 500 * 520 * 540		
Dalkibo	:	CGCCGGGAACCTCGGCAGCCCAGGGGGGGTCCTCCCCCGCGCGCG	:	540
DaIRIPd	:	* 560 * 580 * 600 ATGCTGCGACTGGGAAGGCGTGAGCTGCGACGGTGCACTGCGTTGCG	•	600
		* 620 * 640 * 660		
DaIRIPd	:	GCTCCCTACGCGCGCCTTGGAGCATCCTTGGCGGGCCTCACGCGGCATGTGAAAGGTAA	:	660
•			~	
		* 680 * 700 * 720		
DaIRIPd	:	CAGGAGAACACTTGCCGTACAACCGAATACAATTACTGGGACCAACAACAACGTCAGGTC	:	720
במדמד מת		* 740 * 760 * 780 TGGGAGCAACACTTTTCCGGGAACGACACACCGTCATATCTGGGAACAGGAACAT		780
Parkird	ě	100000011011011010000000000000000001CATAICIOGGAACAGGAACAT	:	780
		# 000 # 000 # oo		
DaIRIPd	:	* 800 * 820 * 840 TGTGTCTGGGAGCTACAACACGTCGTAACTGGGAGTGATAATACCATAACCGGTAGCAA		840

			*	860 .		*	880	*'	900		
DaIRIPđ	:	CCATGTCGT	GTCTGGG.	AAGAACCA	TATCG	TAACCO	BACAACAA	CAACGCCGI	:AACCGGGCA	:	900
DaIRIPd	:	CGACAATAA	* TGTATCC	920 GGAGCTI	CCATA	* .CCGTAT	940 CCGGGAA	* CCACAACAC	960 AGTATCTGG	:	960
DaIRIPd	:	GAGCAATAA'	* FACTGTA	980 ICAGGGAG	CAACC	* ATGTCC	1000 TGTCCGG	* BAGCAACAA	1020 AGTCGTGAC	:	1020
DaIRIPd	:	AGGAGGTTA		L040 FTCCGTGC	AGGAT	* GCTTCC	1060 ATGTTCC	* CTAAAGGAG	1080 ATCGCGGCA	:	1080
DaIRIPd	:	TTGTACAAGI		100 AGCTCAC	AATCA(* CTTGGT	1120 GGGACCA	* ATCGCGATG	1140 TCATGTAAC	:	1140
DaIRIPd	:	TTCATGGATA	-	.160 CTTTTCC	, T TKA T	* Faaata	1180 AAGTTTGO	* CCTTGTGGA	1200 AAAAAAAAA	:	1200
DaIRIPd	:	* Kaaaaaaaa		220 AAAA : :	1221						

	60	*	40	*	20	WARRENT T T T T		n- TNTN-
: 60	SCCDWE	PGGVLPRAAWS	LQSFAGNLGS	ATSCHPDDLRA	-Safllsaaga	MAPKCWLLLLE	:	DaIRIPd
: 120	120	* Ω ₽Ν ͲΤͲϒ · Ͳ	100 VKGNRRTLAV	* GASLAGLTRH	80 TALRLPTRGI	* GVSCDGASGRV	:	DalRIPd
. 120	DGOINV	ZIMIZIOININ	·					
: 180	180	* NTH T YZZZZZANIM Z SZZZ	160 IGSNHVVSGK	* TVVTGSDNTI	140 NRNIVSGSYN	* VSGNDNTVISG	:	DaIRIPd
. 100	ILDAN VS	,						
		1 <i>7</i> .	KVVTGG • 2	* GSNHVVSGSN	200 ITVSGSNNTVS	* GSFHTVSGNHN	:	DaIRIPd
	100	~ /·			,			

	* 20 * 40 * 60	
DaIRIPe.7.1 :	GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACTTACACACAC	: 60
DalRIPe.7.2 :	GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCATACTTACACACAC	: 60
DaIRIPe.7.3 :		: -
DaIRIPe.7.4 :		: -
DaIRIPe.7.5 :		: -
	•	
	* 80 * 100 * 120	
DaIRIPe.7.1 :	ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGT1'TTAGCCAAGGAACAC'ITGCGAATCACTT	: 120
DaIRIPe.7.2 :	ACTATAAGATAGGATGCACCACCCAAGCAGTTTTAGCCAAGGAACACTTGCGAATCACTT	: 120
DaIRIPe.7.3 :		. 120
DaIRIPe.7.4:		-
DaIRIPe.7.5 :		-
Darkire		: -
	* 140 * 160 * 180	
DaIRIPe.7.1 :		
	GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG	: 180
DaIRIPe.7.2:	GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTGTATACATAGCGTAACACAG	: 180
DaIRIPe.7.3 :		: -
DaIRIPe.7.4 :		: -
DaIRIPe.7.5 :		: -
	<u>* 200</u> * 220 * 240	
DaIRIPe.7.1 :	CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTTTTTTGGCGTTACCCTTGCCTGCG	: 240
DaIRIPe.7.2 :	CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTTCTTGGCGTTACCCTTGCCTGCG	: 240
DaIRIPe.7.3 :		: -
DaIRIPe.7.4 :		
DaIRIPe.7.5 :		
		•
	* 260 * 280 * 300	
DaIRIPe.7.1 :	GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAAC	: 300
DaIRIPe.7.2 :	GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCGATGACCTCCACGCGCTACGGGGCTTCGCCGGAAAC	
DaIRIPe.7.3 :		: 300
DaIRIPe.7.4 :		: -
DaIRIPe.7.5 :		: -
Dairie. 7.3 .		: -
	* 320 * 340 * 360	
Do IDIDo d 1		
DaIRIPe.7.1:	CTGAGCGGCGGGGTGTCCTCCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG	: 360
DaIRIPe.7.2:	CTGAGCGGCGGGGTGTCCTCCTCCGCTCCGTGTGGTCCGGCGACTCGTGCTGCGGCTGG	: 360
DaIRIPe.7.3:		: 8
DaIRIPe.7.4 :		: 8
DaIRIPe.7.5 :	GCGGCTGG	: 8
	<u> </u>	
DaIRIPe.7.1 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC	: 420
DaIRIPe.7.2 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCGC	: 420
DaIRIPe.7.3 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC	: 68
DaIRIPe.7.4 :	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC	: 68
	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGCGATGTTGCTCCCCAGGCAC	: 68
	W. I. Substitution of the Control of	. 00

•	*	440	*	460	*	480	
DaIRIPe.7.1	: GGCCTCGCGAA	GCCCGTCCCAGGA	GCATCCTTCC	CCACCTCCC	ACGGCTAGAG	400 67/00/00	~ ~
DaIRIPe.7.2	: GGCCTCGCGAA	GCCCGTCCCAGGA	GCATCCTTGG	CGAGCCTCGC	'ACGCCTACAG	~ ~	80
DaIRIPe.7.3	: EGUCTCGCGAM	GCCCGTCCCAGGA	GCATCCTTGG	CGAGCCTCGC	ACCCCTACAC	CACCEC	80
DaIRIPe.7.4	: GGCCTCGCGAA	GCCCGTCCCAGGA	GCATCCTTGG	CGAGCCTCGC	'ACGCCTACAG	GAGCTC: 1	28
DaIRIPe.7.5	: GGCCTCGCGAA	GCCCGTCCCAGGA	GCATCCTTGG	CGAGCCTCGC	ACGGCTAGAG		28
			001001100	COAGCCICOC	ACGGCTAGAG		28
•							
,	*	500	*	520	*	540	
DaIRIPe.7.1		CAGAAGAACACTG	GAGGAACAGC	CAAATACAAT	TCAAGGGACC	AACAAC	40
DaIRIPe.7.2	: ITCAAGCGTAA	CAGAAGAACACTG	GAGGAACAGC	CAAATACAAT	TCAAGGGACC	AACAAC . F	
DaIRIPe.7.3	: IIICAAGCGTAA	CAGAAGAACACTG	GAGGAACAGC	CAAATACAAT	TCAAGGGACC	ANCARC . TO	40 88
DaIRIPe.7.4	TTCAAGCGTAA	CAGAAGAACACTG	GAGGAACAGC	ТААЛАТАСААТ	TCAACCCACC	170770	88
DaIRIPe.7.5	TTCAAGCGTAA	CAGAAGAACACTG	GAGGAACAGC	CAAATACAAT	TCAAGGGACC	ACAAC : 1	_
*						. 10	00
	*	560	*	580	*	600	
DaIRIPe.7.1 :	AATGTCAGAGA:	FGGGTGCTACAATO	SCTCTTTCTG	GAAATGACAA	CACTGTCATAT	POCCOR CO	20
DaIRIPe.7.2:	AATGTCAGAGA.	IGGGTGCTACAATC	CTCTTTCTC	BAAATGACAA	ぺみぺ�����������������������������������	CCCCA . C	
DaIRIPe.7.3 :	MAYIGICAGAGAT	I'GGGTGCTACAATC	CTCTTTCTC	A A DA DTA A A E	^ <mark>᠘ ᡤ᠇᠘ᠳ</mark> ᠘᠂ᠬᢧᢧᡆ	CCCCO.	
DaIRIPe.7.4 :	AATGTCAGAGAT	I'GGGTGCT'ACAATG	CTCTTTCTC	AAATGACAAF	CACTICECARAG	200002	
DaIRIPe.7.5 :	AATGTCAGAGAT	GGGTGCTACAATG	CTCTTTCTG	GAAATGACAA	CACTGTCATAT	CCGGA : 24	
Dathina da	*	620	*	640	*	660	
DaIRIPe.7.1:	AACAACAACAC'I	GTGTCTGGGAGCT	TTAACACTAI	CGTAACTGG	STGTCACAACA	CIGIC : 66	0
DaIRIPe.7.2:	AACAACAACACT	GTGTCTGGGAGCT	TTAACACTA1	CGTAACTGGC	GTGTCACAACA	CTGTG : 66	0
DaIRIPe.7.3:	AACAACACT	GTGTCTGGGAGCT	TTAACACTAT	CGTAACTGG	TGTCACAACA	CTGTG : 30	8
DaIRIPe.7.4 :	AACAACACT	GTGTCTGGGAGCT	TTAACACTAT	CGTAACTGGG	STGTCACAACA	CTCTC - 20	
DaIRIPe.7.5 :	AACAACAACACT	GTGTCTGGGAGCT	TTAACACTAT	CGTAACTGGC	TGTCACAACA	CTGTG : 30	8
				•			
	*	680					
DaIRIPe.7.1 :	TOTOGTAGOAAC	CAGGITGTGTCCG	agaman n aan	700	*	720	
DaIRIPe.7.2 :	TOTGGTAGCAAC	CAGGIIGICICG CACCTTCTCTCTCC	GGCTCAACCA	TATEGTAACI	GACGACAACA	ATGAC : 72	0
DaIRIPe.7.3 :	TOTGGTAGCAAC	CAGGTTGTGTCCG	GGCTCAACCA	TATCGTAACT	'GACGACAACA	ATGAC : 72	0
DaIRIPe.7.4:	TCTGGTAGCAAC	CAGGTTGTGTCCG CAGGTTGTGTCCG	GGCTCAACCA	TATCGTAACT	GACGACAACA	ATGAC : 36	8
DaIRIPe.7.5 :	TCTGGTAGCAAC	CAGGTTGTGTCCG	GGCICAACCA	TATEGTAACT	GACGACAACA	ATGAC : 36	
	TOTOGIAGE	CAGOTIGICCG	GGCTCAACCA	TATCGTAACT	GACGACAACA	ATGAC : 36	8
	*	740	*	760	*	700	
DaIRIPe.7.1 :	GTATCAGGTAAC	GATAATAATGTAT(CCGGTAGCTT	TCATACCGTA	TOTOGOACO	780	_
DaIRIPe.7.2 :	GTAT CAGGTAAC	JATAATAATGTAT(CCGGTAGCTT	TCATACCGTA	TCTCCCACCC	ACDAM . TO	
DaIRIPe.7.3 :	GTATCAGGTAACC	SATAATAATGTATO	CGGTACCTT	TCATACCGTA	TCTCCCACCC	ACAAT : 78	-
DaIRIPe.7.4 :	GTATCAGGTAACC	JATAATAATGTATC	CCGGTAGCTT'	アピタエタにんにはなっ	TCTGGGACCC	ACIA 3 (5) . 40	_
DaIRIPe.7.5 :	GTATCAGGTAACC	SATAATAATGTAT	CGGTAGCTT	PCATACCGTA	TCTGGGAGCC	ACAAG : 42	-
					TO TOO MOUL	ACAAT : 42	8
	*	800	*	820	*	840	
DaIRIPe.7.1 :	ACCGTATCTGGGP	GCAACAATACCGT	ATCTGGGAGA	AACCATGTC	GTAACTGGGA	TENAC . O.4	n
DaiRiPe.7.2:	ACCGTATCTGGGA	GCAACAATACCGT	ATCTGGGAG	AAACCATGTC	TTA ACTGGGAC	TAAC . O44	-
Darkibe./.3 :	ACCGTATCTGGGA	GCAACAATACCGI	'ATCTGGGAGA	AACCATGTC	TTA ACTGGGAC	TAAC . 404	_
Dairipe./.4 :	ACCGTATCTGGGA	GCAACAATACCGT	ATCTGGGAG	AAACCATGTC	TTAACTCCCAC	TT 7 7 - 4 9 4	-
DaIRIPe.7.5 :	ACCGTATCTGGGA	GCAACAATACCGT	ATCTGGGAGA	AACCATGTC	GTAACTGGGAC	TAAC : 488	_
						. 200	,

		, *	860	*	880	*	900		
DaIRIPe.7.1	:								_
DaIRIPe.7.2	:	AAAGTCGTGACGGG	TGGTTAATG	ATCAGTGAGT	CAUM			:	878
DaIRIPe.7.3	:	AAAGTCGTGACAGG	AGGTTAATG	ATCAGTGAGT	GATTGTTTCC	ATCTTCACTA	ACGAAG		548
DaIRIPe.7.4	:	AAAGTCGTGACAGG	AGGTTAATG	ATCAGTGAGT	GATTGTTTCC	ATCTTCACTA	ACGAAG		548
DaIRIPe.7.5	:	AAAGTCGTGACAGG	AGGTTAATG	ATCAGTGAGTC	GATTGTTTCC	ATCTTCACTA	ACGAAG		548
				•			211001	•	240
		*	920	*	940	*	960		
DaIRIPe.7.1	:								_
DaIRIPe.7.2	:							:	_
DaIRIPe.7.3	:	CTTACGACCTTGTC	CAAGTTCAAC	CTAGAGCTCA	CAATATCTTGC	TGGGGCCAA	CGTCT	:	608
DaIRIPe.7.4	:	CTTACGACCTTGTC	CAAGTTCAAC	CTAGAGCTCA	CAATATCTTGC	TEGGGCCAA	CGTCT		608
DaIRIPe.7.5	:	CTTACGACCTTGTC	CAAGTTCAAC	CTAGAGCTCA	CAATATCTTGC	TGGGGCCAA'	TCGTCT		608
							CO I C I	• '	008
		*	980	*	1000	*	1020		
DaIRIPe.7.1	:								_
DaIRIPe.7.2	:							:	_
DaIRIPe.7.3	:	TATGTAACTTCATGO	ATGTATCCT	CCTTTTCCTA	CTTTAAATAAA	TTTCCTTAA	ATGTC		668
DaIRIPe.7.4	:	TATGTAACTTCATGO	SATGTATCCT	CCTTTTCCTA	CTTTAAATAAA	TTTCCTTAAZ	ATGTC		568
DaIRIPe.7.5	:	TATGTAACTTCATGO	ATGTATCCT	CCTTTTCCTA	CTTTAAATAAA	TTTCCTTAA	ATGTC		568
								• `	000
		*							
DaIRIPe.7.1	:		:	-					
DaIRIPe.7.2	: :		:	-					
DaIRIPe.7.3		ГТАСЛААААААААА		7					
DaIRIPe.7.4		ГТАСАААААААААА		7					
DaIRIPe.7.5	. 6	ГТАСАААААААААА	AAAA : 68'	- '					

FIGURE 17 (cont.)

		* 20 * 40	* 60		
DaTRIPe.7	•	GCCACGGAAGACAAGCAGTACTGAACCACTTGCAACGCAT		•	60
DULKEL C.,	•			•	
		* 80 * 100	* 120		
DaTDTDe 7		ACTATAAGATAGGATGCACCAACCAAGCAGTTTTAGCCAA			120
Darktre.,	•	WOTHING THOOM CONCOMPTONIA TT THOOMS	JOANGICI TOCOMI CACII	٠	120
		* 140 * 160	* 180		
DaTRING 7	_				
Dairie.	=	GCATTCCAAAGAAGGTTTCCTACTCAGTTGTTGCGTCTGTG	STATACATAGCGTAACACAG	:	180
					•
		, no + no			
		* 200 * 220	* 240		
Dalkire.7	:	CTTGAGTCCATGGCGAACTGCTGTCTGCTACTCCTCTTCTT	regegitacectigectees	:	240
		* 260 * 280	* 300		
DaIRIPe.7	:	GCGAGCGCAACATCGTGCCGCCCCGATGACCTCCACGCGCT	PACGGGGCTTCGCCGGAAAC	:	300
•		* 320 * 340	* 360		
DaIRIPe.7	:	CTGAGCGGCGGGGTGTCCTCCTCCGCTCCGTGTGGTCCGG	SCGACTCGTGCTGCGGCTGG	:	360
			•		
		* 380 * 400	* 420		
DaIRIPe.7	:	GAAGGCGTGGGCTGCGACAGCGCAAGCGGCCGCGTCACGGC	GATGTTGCTCCCCAGGCAC	:	420
		i i			
		* 440 * 460	* 480		
DaIRIPe.7	:	GGCCTCGCGAAGCCCGTCCCAGGAGCATCCTTGGCGAGCCT	CGCACGGCTAGAGGAGCTC	:	480
		* 500 * 520	* 540		
DaIRIPe.7	:	TTCAAGCGTAACAGAAGAACACTGGAGGAACAGCCAAATAC			540
				•	
			•		
		* 560 * 580	* 600		
DaIRIPe.7	•	AATGTCAGAGATGGGTGCTACAATGCTCTTTCTGGAAATGA			600
	•			•	000
		* 620 * 640	* 660		
DaIRIPe.7		AACAACAACACTGTGTCTGGGAGCTTTAACACTATCGTAAC		_	660
Dairie.,	•	MOMENTAL CITTO AND CITIZENESS OF THE COLORS	1000101CACAACACIGIG	•	860
		* 680 * 700	* 720		
DaIRIPe.7		TCTGGTAGCAACCAGGTTGTGTCCGGGCTCAACCATATCGT			~~~
Dairie.	•	ICIGGIAGCAACCAGGIIGIGICCGGGCICAACCAIAICGI	AACIGACGACAACAATGAC	:	720
		* 740 * 550			
DATE TO	_	* 740 * 760	* 780		
DaIRIPe.7	•	GTATCAGGTAACGATAATAATGTATCCGGTAGCTTTCATAC	CGIATCIGGGAGCCACAAT	:	780
		4 000	an and a second		
		* 800 * 820	* 840		
JaIRIPe.7	:	ACCGTATCTGGGAGCAACAATACCGTATCTGGGAGAAACCA	TGTCGTAACTGGGAGTAAC	:	840

FIGURE 18

DaIRIPe.7	:	AAAGTCGTG	* ACAGGAGG	860 FTTAATGATCAGI	* GAGTGG!	880 ATTGTTTCCATCT	* rcactaac	900 GAAG	:	900
DaIRIPe.7	:	CTTACGACC	* TTGTCCAF	920 AGTTCAACCTAGA	* AGCTCACE	940 ATATCTTGGTGG	* GCCAATC	960 GTCT	•	960
DaIRIPe.7	:			980 GTATCCTCCTT		1000 TTAAATAAATTT		1020 IGTC	:	1020
DaIRIPe.7	:	ТТАСААААА	* AAAAAAA	AA : 1039			·.			

FIGURE 18 (cont.)

		*	20	*	40	*	60		
DaIRIPe.7	:	MANCCLLLLFLAL	PLPAASATSCRP	DDLHALRGF.	AGNLSGGGVL	LRSVWSGDSC	CGWEGV	:	60
DaIRIPe.7		* GCDSASGRVTAML	80 LPRHGLAKPVPG	* ASLASLARL	100 EELFKRNRRT	* LEEOPNTIOG	120 TNNNVR	:	120
DaIRIPe.7	:	DGCYNALSGNDNT	140 VISGNNNTVSGS	* FNTIVTGCH	160 NTVSGSNQVV	* SGLNHIVTDD	180 NNDVSG	:	1,80
DaIRIPe.7		* NDNNVSGSFHTVS	200	*	220				
Jairife./	:	MUMMAGGSERIAS	COUNTARCRIMI	V DOKMHV V.I.	SSNKVVIGG	: 223			

FIGURE 19

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPe.8.1 :	ACACACACGCAC	ACACTATAAGAT	PAGGATGCACC	CACCCAAGCAC	TTTTAGCCA	AGGAACA	: 60
DaIRIPe.8.2 :		ACACTATAAGAT	PAGGATGCACC	CACCCAAGCAC	TTTTAGCCA	AGGAACA	: 60
DaIRIPe.8.3							: -
DaIRIPe.8.4 :							•
							: -
DaIRIPe.8.5 :							•
DaIRIPe.8.6 :							• -
	•						
	_			100			
	*	80	*	100	×	120	
DaIRIPe.8.1 :	CTTGCGAATCACT						: 120
DaIRIPe.8.2 :	CTTGCGAATCAC'	FTGCATTCCAAA	AGAAGGTTTCT	TACTCAGTTC	TIGCGTCTG	TGTATAC	: 120
DaIRIPe.8.3 :							: -
DaIRIPe.8.4 :							:-
DaIRIPe.8.5 :							: -
DaIRIPe.8.6 :							: -
	*	140	*	160	*	180	
DaIRIPe.8.1 :	ATAGCGTAACAC!		TCCCCAACTC		יבהבקביבה. מהבקבים		: 180
DaIRIPE.8.2 :	ATAGCGTAACACA						: 180
DaIRIPe.8.3:	CGTAACAC						: 56
	CGTAACACA						: 56
DaIRIPe.8.4:		AGCTTGAGTCCA AGCTTGAGTCCA					: 56
DaIRIPe.8.5:							
DaIRIPe.8.6 :	CGIPAACACA	AGCTTGAGTCCA	TGGCGAACTG	CIGICIGCIA	CICCICITIC	TIGGCGI	: 56
	**	200	*	220	*	240	
DaIRIPe.8.1 :	* TACTCTTGCCTGC	GGCGTGCGCAA		CCCCGATGAC		CTACGGG	: 240
DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 :	TACTCTTGCCTGC	GGCGTGCGCAA	CATCGTGCCA	CCCCGATGA CCCCGATGA	CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG	: 240
	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGÃGCGCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA	CCCCGATGAC CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116
DaIRIPe.8.2 :	TACTCTTGCCTGC	CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGÃGCGCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA	CCCCGATGAC CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGCCTGCGCAA CGCCTGCCCAA CGCCAGCGCAA CGCCAGCGCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA	ACCCGATGA CACTADODOO. CACTADODOO. AGTADOOOO.	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGCCTGCCAA CGCCTGCCCAA CGCCAAGCCCAA CGCCAGCGCAA CGCCTGCCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA	.CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGCCTGCCAA CGCCTGCCCAA CGCCAAGCCCAA CGCCAGCGCAA CGCCTGCCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA	.CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGCCTGCCAA CGCCTGCCCAA CGCCAAGCCCAA CGCCAGCGCAA CGCCTGCCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA	.CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGCCTGCCAA CGCCTGCCCAA CGCCAAGCCCAA CGCCAGCGCAA CGCCTGCCAA	CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA CATCGTGCCA	.CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC .CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	GGCGTGCGCAA GGCGTGCGCAA GGCGAGCGCAA GGCGAGCGCAA GGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA *	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC	CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA *	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC	CTTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC * GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA * GGGGGTGTCCT GGGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCCGATGAC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 116
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC * GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA ACCTGAGCGGCGACCTGAGCGGCGA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA * GGGGGTGTCCT GGGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGCTCCCCCCCCCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG	CTACGG CTACGGC CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 :	TACTCTTECCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	TGGCGTGCGCAA TGGCGTGCGCAA TGGCGAGCGCAA TGGCGTGCGCAA TGGCGTGCGCAA TGGCGTGCGCAA TGCTGAGCGGCGAA TGCTGAGCGGCGAA TGCTGAGCGGCGAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA * GGGGTGTCCT GGGGTGTCCT GGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCCGCTCCCCCCCCCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGGTCCCCCCCCCC	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GGTGACT GGTGACT GGGGACT GGGGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 :	TACTCTTECCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC CTCTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGCCTGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCTGCGCAA CGCCTGCGCAA CCCTGAGCGCGCAA CCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCTGAGCGGCGCGCCCTGAGCGGCGCGCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGCGCAACCCTGAGCGCGCAACCCTAACCCGCAAACCCAACCAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGCTCC CCCCCGCTCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GGTGACT GGTGACT GGGGACT GGGGACT GGGGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 :	TACTCTTECCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGCCTGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCTGCGCAA CGCCTGCGCAA CCCTGAGCGCGCAA CCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCTGAGCGGCGCGCCCTGAGCGGCGCGCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGCGCAACCCTGAGCGCGCAACCCTAACCCGCAAACCCAACCAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGCTCC CCCCCGCTCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GGTGACT GGTGACT GGGGACT GGGGACT GGGGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 :	TACTCTTECCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC CTCTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGCCTGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCTGCGCAA CGCCTGCGCAA CCCTGAGCGCGCAA CCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCTGAGCGGCGCGCCCTGAGCGGCGCGCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCCTGAGCGGCGCCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGGCGCAACCCTGAGCGCGCAACCCTGAGCGCGCAACCCTAACCCGCAAACCCAACCAA	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGCTCC CCCCCGCTCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GGTGACT GGTGACT GGGGACT GGGGACT GGGGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.5 :	TACTCTTECCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC CTCTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGGCGTGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT BEGGGTGTCCT	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCCGATGAC CCCCCGATGAC CCCCCGCTCCCCCCCCCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC	CTACGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GGTGACT GGTGACT GGGGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC * GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGGCGTGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA * * * * * * * * * * * * * * * * * *	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCCGATGAC CCCCCGCTCCCCCCCCCC	CTTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCGC CTCTGGGTCC CTCTGGTCCC CTCTGGTCCC CTCTGTGGTCCC	CTACGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG GTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 176 : 176 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.7 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC * GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGGCGTGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGAGCGCAA CGGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG CCTGAGCGGCG	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA * * * * * * * * * * * * * * * * * *	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCCGATGAC CCCCCGCTCCCCCCCCCC	CTCCACGCG CTCTGGTCCC CTGTGGTCCC CTGTGGTCCC CTGTGGTCCC CTGTGGTCCC CTGTGGTCCC CTGTGGTCCC	CTACGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 176 : 176 : 176 : 176 : 176
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC * GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA GCTTCGCCGGAAA	CGCCTGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCTGCGCAA CGCCTGAGCGCAA CCCTGAGCGGCG CCCTGAGCGGCG CCCTGAGCGGCG CCCTGAGCGGCG CCCTGAGCGGCG CCCTGAGCGGCG CCCTGAGCGGCG	ACATCGTGCCA ACATCGTGCACGA ACATCGTGCCACGA ACATCGTGCCACACACACACACACACACACACACACACAC	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGCTCC CCCCCGCTCC CCCCCGCTCC CCCCCCCC	CTCCACGCG CTTCCACGCG CTTTGGTCC	CTACGGG AGGACT GGGGACT GGGGACT GGGGACT GGGGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT ACGATGT ACGATGT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 300 : 176 : 176 : 176 : 176 : 360 : 360
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC GCTTCGCCGGAAA	CGCCTGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCGAGCGCAA CGCCTGCGCAA CGCCTGAGCGCAA CCTGAGCGGCG	ACATCGTGCCA ACATCGACGA ACATCGTGCCA ACATCGTGCA ACATCGTG	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGCTCC CCCCCGCTCC	CTTCACGCG CTTCACGCG CTTCACGCG CTTCACGCG CTTCACGCG CTTCACGCG CTTCACGCG CTTGGTCC CTTGGTCC CTGTGGTCC CTGTGGTCC CTGTGGTCC CTGTGGTCC CTGTGGTCC CTGTGGTCC CTGTGGTCC	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG 300 GGTGACT GGGGACT GGGGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT ACGATGT ACGATGT ACGATGT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 176 : 176 : 176 : 176 : 360 : 360 : 235
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC * GCTTCGCCGGAAA CCTGCCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGGCTGCGGCTGCGGCTGCGCGCTGCGCGCTGCGCGCTGCGCGCTGCGCGCTGCGCGCTGCGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGGCTGCGCTGCGCTGCGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCTGCGCCGC	CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGAGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CCTGAGCGGCG	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA * * * * * * * * * * * * * * * * * *	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGCTCC CCCCCGCTCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC CGTGTGGTCC CTGTGTCCC CTGTGTCCC CGTGTGCTCC CGGGTCACG CCGGGTCACG	CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG 300 GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT ACGATGT ACGATGT ACGATGT ACGATGT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 116 : 300 : 176 : 176 : 176 : 176 : 360 : 360 : 235 : 235
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 : DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :	TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC TACTCTTGCCTGC GCTTCGCCGGAAA	CGCGTGCGCAA CGCGAGCGCAA CGCGAGCGCAA CGCGAGCGCAA CGCGTGCGCAA CGCGTGCGCAA CCTGAGCGGCG CGGAAGGTGTGG	ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ACATCGTGCCA ** ** ** ** ** ** ** ** ** ** ** ** *	CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGATGAC CCCCGGTCC CCCCCGCTCC CCCCCCGCTCC CCCCCGCTCC CCCCCGCTCC	CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTCCACGCG CTGTGTGTCC CTGTGTGTCC CTGTGTGCTCC CTGTGTGCTCC CTGTGTCCC	CTACGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG CTACGGG 300 GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT GGTGACT ACGATGT ACGATGT ACGATGT ACGATGT ACGATGT	: 240 : 116 : 116 : 116 : 116 : 176 : 176 : 176 : 176 : 360 : 360 : 235

FIGURE 20

	*	380	*	400	*	420		
D. TDTD- 0 1 .	GGCTCCCCAGGCGC	CCCCTCCTGA	AGCCCGTCC	CCGGAGCATC	TTGGCGGGCG	TCACGG	: 4	20
DaIRIPe.8.1 :		CGCCTCGTGA	AGCCCGTCC	CCGGAGCATC	TTGGCGGGCG	TCACGG	: 4	20
Darker C. C. C.	GGCTCCCCAGGCGC	CGCCTCGTGA	AGCCCGTCC	CCGGAGCATC	TTGGCGGGCG	TCACGG	: 2	95
DaIRIPe.8.3 : DaIRIPe.8.4 :	acamaaaan aaaaa	GGCCTCGTGA	AGCCCGTCC	CCGGAGCATC	CTTGGCGGGCG	TCACGG	: 2	95
-		CGCCTCGTGA	AGCCCGTCC	CCGGAGCATC	TTGGCGGGCG	TCACGG	: 2	96
DaIRIPe.8.5 : DaIRIPe.8.6 :		CGCCTCGTGA	AGCCCGTCC	CCGGAGCATC	TTGGCGGGCG	TCACGG	: 2	96
Dairie.o.o :	GOCTCCCCAGGCGG							
	*	440	*	460	*	480		
DaIRIPe.8.1 :	AGCTGGAGGAGCTC	ATCACGCGTA	ACAGAAGAG	CACTGGAGGAI	CAACCAAATA	CAATTC	: 4	80
DaIRIPe.8.2 :	AGCTGGAGGAGCTC	CATCACGCGTA	ACAGAAGAG	CACTGGAGGAI	ACAACCAAATA	CAATTC	: 4	80
DaIRIPe.8.3 :	AGCTGGAGGAGCTC	ATCACGCGTA	ACAGAAGAG	CACTGGAGGA	ACAACCAAAT	CAATTC	: 3	55
DaIRIPe.8.4 :	AGCTGGAGGAGCTC	CATCACGCGTA	ACAGAAGAG	CACTGGAGGA	ACAACCAAATA	CAATTC	: 3	55
DaIRIPe.8.5 :	AGCTGGAGGAGCTC	CATCACGCGTA	ACAGAAGAG	CACTGGAGGA	ACAACCAAATA	ACAATTC	: 3	56
DaIRIPe.8.6 :	AGCTGGAGGAGCTC	CATCACGCGTA	ACAGAAGAG	CACTGGAGGA	ACAACCAAATA	ACAATTC	: 3	56
Durker								
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	* *	500	*	520	*	540		
paIRIPe.8.1 :	AAGGGACCAACAA	CAATGTCAGAG	ATGGGTGCT	ACAATGCTCT:	TCTGGGAAT	ACAACA	: 5	
DaIRIPe.8.2 :	AAGGGACCAACAA	CAATGTCAGAG	ATGGGTGCT	ACAATGCTCT'	TCTGGGAAT	GACAACA	: 5	
DaIRIPe.8.3 :	AAGGGACCAACAA	CAATGTCAGAG	ATGGGTGCT	ACAATGCTCT'	TTCTGGGAAT	GCAACA		15
DaIRIPe.8.4 :	AAGGGACCAACAA	CAATGTCAGAG	ATGGGTGCT	ACAATGCTCT'	rtctgggaat(GCAACA		15
DaIRIPe.8.5 :	AAGGGACCAACAA	CAATGTCAGAG	ATGGGTGCT:	ACAATGCTCT'	rtctgggaat(GACAACA		116
DaIRIPe.8.6 :	AAGGGACCAACAA	CAATGTCAGAG	ATGGGTGCT	ACAATGCTCT"	FTCTGGGAAT	GACAACA	: 4	116
						600		
	*	560	* ************************************	580			: e	200
DaIRIPe.8.1 :	CTGTCATATCCGG	AACAACAACA	CTGTGTCTG	GGAGCTTTAA	CACIAICGIA	CTCCCT	: 6	
DaIRIPe.8.2 :	CTGTCATATCCGG!	AAACAACAACA	CTGTGTCTG	GGAGCTTTAA	CACIAICGIA:	CTGGGT	: 4	
DaIRIPe.8.3 :	CTGTCATATCCGG/ CTGTCATATCCGG/	AACAACAACA	CTGTGTCTG	GGAGCIIIAA CGA CCTTTA A	CACIAICGIA	CTGGGT		175 175
DaIRIPe.8.4 :	CTGTCATATCCGG/ CTGTCATATCCGG/	AAACAACAACA	CTGTGTCTG	GGAGCIIIAA CCA CCTTTA A	CACIAICGIA CACTATCGTAI	CTGGGT		176
DaIRIPe.8.5 :		AAACAACAACA	ACTGIGICIG	CCACCITIAA CCACCTTTAA	CACIAICGIA CACTATCGTA	ACTEGET		176
DaIRIPe.8.6 :	CTGTCATATCCGG	AACAACAACA	CIGIGICIG	GCAGCIIII	CACIAICOIA	crecor	• •	.,0
	*	620	*	640	*	660		
DaIRIPe.8.1 :	GTCACAACACTGT(ACCAGGTTG		CAACCATATC	STAACIG	: 6	560
DaIRIPe.8.2 :		TCTGGTAGCA	ACCAGGTTG	TATCTGGGCT	CAACCATATC	GTAACTG	: 6	560
DaIRIPe.8.3 :	GTCACAACACTGT	TCTGGTAGCA	ACCAGGTTG	TATCTGGGCT	CAACCATATC	GTAACTG	: 5	535
DaIRIPe.8.4 :	ATTER OF THE OFFICE	TCTGGTAGCA	ACCAGGTTG	TATCTGGGCT	CAACCATATC	GTAACTG	: 5	535
DaIRIPe.8.5 :	GTCACAACACTGTC	STCTGGTAGCA	ACCAGGTTG	TATCTGGGCT	CAACCATATC	GTAACTG	: 5	536
DaIRIPe.8.6 :	GTCACAACACTGT(TCTGGTAGCA	ACCAGGTTG	TATCTGGGCT	CAACCATATC	GTAACTG	: 5	536
Daixil C. C. C								
	SICACAACACIOIC							
	GICACAACACIOIC							
	*	680	*	700	*	720		
DaIRIPe.8.1 :	* acgacaacaatga(680 GTATCAGGUA	ACGATAATA	ATGTATCTGG	* TAGCTTTCAT	ACCGTAT		720
DaIRIPe.8.1 : DaIRIPe.8.2 :	* ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(680 CGTATCAGGTA	ACGATAATA ACGATAATA	ATGTATCTGG ATGTATCTGG	${ t TAGCTTTCAT}$	ACCGTAT ACCGTAT	: '	720
	* ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(680 CGTATCAGGTA CGTATCAGGTA	ACGATAATA ACGATAATA ACGATAATA	ATGTATCTGG ATGTATCTGG ATGTATCTGG	TAGCTTTCAT. TAGCTTTCAT.	ACCGTAT ACCGTAT ACCGTAT	: :	720 595
DaIRIPe.8.2 :	* ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(680 CGTATCAGGTA CGTATCAGGTA CGTATCAGGTA	ACGATAATA ACGATAATA ACGATAATA ACGATAATA	ATGTATCTGG ATGTATCTGG ATGTATCTGG ATGTATCTGG	TAGCTTTCAT. TAGCTTTCAT. TAGCTTTCAT.	ACCGTAT ACCGTAT ACCGTAT ACCGTAT	: !	720 595 595
DaIRIPe.8.2 : DaIRIPe.8.3 :	* ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(ACGACAACAATGA(680 CGTATCAGGTA CGTATCAGGTA CGTATCAGGTA	ACGATAATA ACGATAATA ACGATAATA ACGATAATA ACGATAATA	ATGTATCTGG ATGTATCTGG ATGTATCTGG ATGTATCTGG ATGTATCTGG	TAGCTTTCAT. TAGCTTTCAT. TAGCTTTCAT. TAGCTTTCAT.	ACCGTAT ACCGTAT ACCGTAT ACCGTAT ACCGTAT	: !	720 595

		*	740	*	760	*	780	
DaIRIPe.8.1	:	CTGGGAGCCAC.	AATACCGTAT	CTGGGAGCAA			;	: 1
DaIRIPe.8.2	:	CTGGGAGCCAC	AATACCGTAT	CTGGGAGCAA	CAATACCGTAT	CTGGGAGAAAC	CATGTCC	
DaIRIPe.8.3	:	CTGGGAGCCAC	AATACCGTAT	CTGGGAGCAA	CAATACCGTAT	CTGGGAGAAAC	CATGTCG	: (
DaIRIPe.8.4	:	CTGGGAGCCAC	AATACCGTAT	CTGGGAGCAA	CAATACCGTAT	CTGGGAGAAAC	CATGTCG	: (
DaIRIPe.8.5	;	CTGGGAGCCAC	AATACCGTAT	CTGGGAGCAA	CAATACCGTAT	CTGGGAGAAAC	CATGTCG :	: (
DaIRIPe.8.6	:	CTGGGAGCCAC	AATACCGTAT	CTGGGAGCAA	CAATACCGTAT	CTGGGAGAAAC	ATGTCG :	: 6
							•	
		*	800	*	820	*.		
DaIRIPe.8.1	:							
DaIRIPe.8.2	:	TAACTGGGAGT	AACAAAGTCG'	TGACAGGTGG'	TAATGATCAG:	CGAGTCGATT	832	
DaIRIPe.8.3	:	TAACTGGGAGT	AACAAAGTCG'	TGACAGCAGG'	TTAATGATCAG:	GAGTGGATT	707	
DaIRIPe.8.3 DaIRIPe.8.4	:	TAACTGGGAGT? TAACTGGGAGT?					707 707	
	:		AACAAAGTCG'	TGACAGGAGG'	rtaatgatcag:	GAGTGGATT		

	DaIRIPe.	3 :	* ACACACACGCA	20 CACACTATAAG	* ATAGGATGC?	40 ACCACCCAAGCA	* \GTTTTAGCCA	60 AGGAACA	:	60
	DaIRIPe.8	·	* CTTGCGAATCA	80 CTTGCATTCCA	* Aagaaggtti	100 CTTACTCAGTI	* GTTGCGTCTG	120 TGTATAC	:	120
	DaIRIPe.8	:	* ATAGCGTAACA	140 CAGCTTGAGTC	* CATGGCGAAC	160 TGCTGTCTGCT	* ACTCCTCTTC	180 TTGGCGT	:	180
	DaIRIPe.8	:	* TACTCTTGCCT	200 GCGGCGTGCGC	* AACATCGTGC	220 CACCCCGATGA	* CCTCCACGCGG	240 CTACGGG	:	240
	DaIRIPe.8	:	* GCTTCGCCGGA	260 AACCTGAGCGG	* CGGGGGTGTC	280 CTCCCCCGCTC	* CGTGTGGTCC	300 GTGACT	:	300
	DaIRIPe.8	:	* CGTGCTGCGGC	320 GGGAAGGTGTG	* GGCTGCGAC	340 GACGCAAGCGG	* CCGGGTCACGI	360 ACGATGT	:	360
	DaIRIPe.8	:	* GGCTCCCCAGGC	380 GCGGCCTCGTG	* SAAGCCCGTC	400 CCCGGAGCATC	* CTTGGCGGGCG	420 STCACGG	:	420
	DaIRIPe.8	:	* AGCTGGAGGAGC	440 TCATCACGCGT	* 'AACAGAAGA(460 GCACTGGAGGA	* ACAACCAAATA	480 CAATTC	:	480
	DaIRIPe.8	: .	* AAGGGACCAACA	500 ACAATGTCAGA	* GATGGGTGC1	520 PACAATGCTCT	* FTCTGGGAATG	540 ACAACA	:	540
	DaIRIPe.8	: (* CTGTCATATCCG	560 GAAACAACAAC	* ACTGTGTCTC	580 SGGAGCTTTAAC	* CACTATCGTAA	600 CTGGGT	:	600
]	DaIRIPe.8	: (* GTCACAACACTG	620 TGTCTGGTAGC	* AACCAGGTTG	640 TATCTGGGCT	* CAACCATATCG	660 TAACTG	:	660
1	DaIRIPe.8	: 1	* ACGACAACAATG	680 ACGTATCAGGT	* AACGATAATA	700 ATGTATCTGG1	* 'AGCTTTCATA	720 CCGTAT	:	720
I	DaIRIPe.8	: (* TGGGAGCCACAI	740 ATACCGTATCT(* GGAGCAACA	760 ATACCGTATCI	* 'GGGAGAAACC	780 ATGTCG	:	780
T	aTRTPe.8	. т	* ነል ልርጥርናርር ይርጥል ል	800 CAAACTCCTC	*	820	* *			

FIGURE 21

		*	20	~	40	*	60	٠.	
DaIRIPe.8	:	MANCCLLLLFLALL	LPAACATSCH	PDDLHALRGF	agnlsgggvl	PRSVWSGDSC	CGWEGV :	: 6	0
		•	80	•	100	•	330		
DaIRIPe.8	:	GCDDASGRVTTMWL		gaslagvteli		LEEQPNTIQG:	120 INNNVR :	: 12	0
									•
DaIRIPe.8	:	DGCYNALSGNDNTV	140 ISGNNNTVSG:	* SFNTIVTGCH	160 NTVSGSNQVV	* SGLNHIVTDDI	180 NNDVSG:	: 18	0
		*	200	*	220				
DaIRIPe.8	:	NDNNVSGSFHTVSG	SHNTVSGSNNT	rvsgrnhvvto	SSNKVVTGG	: 223			

	*	20	*	40	*	60	
DaIRIPf.1 :	CTCCCCAGGCGCGG	CCTCGCGGGCC	CCATCACAG	GAGCAACCTT	GGCCGGCCTGA	CACGG	: 60
DaIRIPf.2 :	CTCCCCAGGCGCGG						: 60
DaIRIPf.3 :	CTCCCCAGGCGCGG						: 60
DaIRIPf.4 :	CTCCCCAGGCGCGG						: 60
DaIRIPI.5 :	CTCCCCAGGCGCGG						: 60
	CTCCCCAGGCGCGG						. 60
DaIRIPf.6 :	CICCCAGGCGCGC	CCICGCGGGCC	CCALCACAC	JACCARCC I I	COCCOCCIOA	CACCC	. 00
	*	80	*	100	*	120	
DATETOE 1	CTTGAGTCGCTCAA		A C A CIT CIT CC		CCCATCATCA		: 120
DaIRIPf.1:	CTTGAGTCGCTCAA						: 120
DaIRIPf.2 :	CTTGAGTCGCTCAA						: 120
DaIRIPf.3 :	CTTGAGTCGCTCAA						
DaIRIPf.4 :							
DaIRIPf.5 :	CTTGAGTCGCTCAA						: 120
DaIRIPf.6 :	CTTGAGTCGCTCAA	CCTTGCCAACA	ACAGTCTGG:	PAGGCACCAT	CCCATCATGGA	TCGGT	: 120
		140		160	•	180	
Da TOTOE 1	GAGCTTGACCACCT		A TOTOTO A CI		ACATICCOCA CO		: 180
	GAGCTTGACCACCT						
							-
DaIRIPf.3 :	GAGCTTGACCACCT						: 180
•	GAGCTTGACCACCT						: 180
	GAGCTTGACCACCT						: 180
DaIRIPf.6 :	GAGCTTGACCACCT	TIGCIACAIGG	ATCTCTCAC	CAATTCACT	AGATGGCGAGG	TACCC	: 180
					•		
		200		220		240	
5-TDTD6 1	AAGAGTTTGCAGAT		CCCTCACTA		TTONOTOCCO	240	. 240
	AAGAGTTTGCAGAT.						240
	AAGAGTTTGCAGAT.						: 240 : 240
	AAGAGTTTGCAGAT. AAGAGTTTGCAGAT.						
	AAGAGTTTGCAGAT. AAGAGTTTGCAGAT.						240
	AAGAGTTTGCAGAT. AAGAGTTTGCAGAT.						240
DaIRIPf.6 :	AAGAGITIGCAGAI.	ACGGC I CAGGG	CCCTCACTAC	GACCEGICG	IICACIGGGCA	IGGII	: 240
•							
	*	260	*	280	*	300	
DaIRIPf.1 :	TTCATTAACATGCC		AGCGTAGCCC		CCAAGAACAAC		300
	TTCATTAACATGCC						: 300
	TTCATTAACATGCC						300
	TTCATTAACATGCC						300
	TTCATTAACATGCC						300
	TTCATTAACATGCC						300
parkiri.v .	TICHTIAMCHIOCO	31100.11111012			CC/E IOI I ICI II IC	C. II II I.	. 500
	*	320	*	340	*	360	
DaIRIPf.1 :	GTAATAACTGGGAC	'AACAACAGTG'	TCAGATCTGG	GAGAAACAA	TGTTGTTTCCG	GGAAC	360
	GTAATAACTGGGAC						360
DaIRIPf.3 :	GTAATAACTGGGAC	CAACAACAGTG	TCAGATCTGG	GAGAAACAA'	IGTTGTTTCCG	GGAAC	360
_ +	GTAATAACTGGGAC(360
	GTAATAACTGGGAC						
	GTAATAACTGGGAC						360

FIGURE 23

		200		400			
D. IDTE 1	CA CA ARA CECEGA ELA	380	r mammaman	400	* 420		
DaIRIPf.1	GACAATACTGTCATAT	CTGGGAACAACA	ATGTTGTGT	rcregeaeccac	AACACTGTCGTA	: 42	0
	GACAATACTGTCATAT	CTGGGAACAACA	ATGTTGTGT	rc'igggagccac	AACACTGTCGTA	: 42	0
	GACAATACTGTCATAT					: 42	0
	GACAATACTGTCATAT	'C'TGGGAACAACA	ATGTTGTGT	CTGGGAGCCAC	AACACTGTCGTA	: 42	0
	GACAATACTGTCATAT					: 42	0
DaIRIPf.6	GACAATACTGTCATAT	'CTGGGAACAACA	ATGTTGTGT	CTGGGAGCCAC	AACACTGTCGTA	: 42	0

					,		
	*	440	*	460	* 480		
DaIRIPf.1						: 48	0
DaIRIPf.2 :	ACGGGGAGTGACAATG	TCGTAAGTGGTA	GTAACCATC	TCGTATCTAGG.	ACCAACCATGTC	: 48	
DaIRIPf.3 :		TCGTAAGTGGTA	GTAACCATC	TCGTATCTAGG.	ACCAACCATGTC	: 48	
DaIRIPf.4 :	ACGGGGAGTGACAATG	TCGTAAGTGGTA	GTAACCATG	TCGTATCTAGG	ACCAACCATGTC	: 48	0
DaIRIPf.5 :	ACGGGGAGTGACAATG	TCGTAAGTGGTA	GTAACCATG	TCGTATCTAGG	ACCAACCATGTC	: 48	-
DaIRIPf.6 :		TCGTAAGTGGTA	GTAACCATG	TCGTATCTAGG	ACCAACCATGTC	: 48	
							•
	*	500	*	520	* 540		
DaIRIPf.1 :	GTAACTGATAACAACA	ATGCCGTAACCG				: 54	Λ
DaIRIPf.2 :	GTAACTGATAACAACA					: 54	
DaIRIPf.3 :	GTAACTGATAACAACA	ATGCCGTAACCG	GAACCACA	ACACTGTATCC	CGACCCACAAC CGGACCCACAAC	: 54	
DaIRIPf.4 :		ATGCCGTAACCG	GAACCACA	ACACTGTATCC	CCCACCCACAAC		-
DaIRIPf.5 :						: 54	
DaIRIPf.6:		DOCUMENT DOCUMENT OF THE	G B B C C B C B	ACACIGIAICC ACACTCTA TCC	CCACACCACAAC	: 54	
During .	OI. I.O. C. C. T. T. T. C. D. T. C.	ITOCCOTARCEO	JUANCCACA	ACACIGIAICC	GGAGCCACAAC	: 54	U
					•		
	*	560	*	580	* 600		
DaIRIPf.1 :	ACTGTATCCGGGAGCA				PCACCCACCA A C	: 60	^
DaIRIPf.2 :	ACTGTATCCGGGAGCA	ACAATGTCGTAT	CGGGAGCA	ACCATOTICIA. ACCATOTICIA	CAGCCACCAAC	: 60	-
DaIRIPf.3 :	ACTGTATCCGGGAGCA	ACAATGTCGTATG	CCGCGAGCA	ACCATGTTGTAT	FCAGGGAGGAAC	: 60	-
DaIRIPf.4 :	ACTGTATCCGGGAGCA	CAATGTCGTATC	CGGGAGCA	ACCATGTTGTA	PCAGGGAGGAAC	: 60	-
DaIRIPf.5 :	ACTGTATCCGGGAGCA	CAATCTCCTATC	CGGGAGCA	ACCATCTTCTAT	CAGCOAGCAAC		
DaIRIPf.6:	ACTGTATCCGGGAGCA!	CAPTOTOTATO	CGGGAGCA	ACCATGITGIA:	CAGGGGGGGAAC		_
				ICCATOTICIA:	CAGGGAGCAAC	: 60	U
						•	
	*	620	*	640	* 660		
DaIRIPf.1 :	AAAGTCGTGACGGGAG	TTAATTAATGAT			TCGTCCCTCAC	. 66	^
DaIRIPf.2 :	AAAGTCGTGACGGGAGG	TTAATTAATGAT	CTATCAGT	GGATTGTCTCC	TCGTCCCTGAC	: 66	-
DaIRIPf.3:	AAAGTCGTGACGGGAGC	TTAATTAATGAT	CTATCAGT	GGATTGTCTCCA	TCGTCCCTGAC	: 66	
DaIRIPf.4 :	AAAGTCGTGACGGGAGG	TTAATTAATGAT	CTATCAGT	GGATTGTCTCC	TCGTCCCTGAC	: 66	
DaIRIPf.5 :	AAAGTCGTGACGGGAGG	TTAATTAATGAT	CTATCAGT	GGATTGTCTCCA	TCGTCCCTGAC	: 66	-
DaIRIPf.6 :	AAAGTCGTGACGGGAGG	TTAATTAATGAT	CTATCAGT	GGATTGTCTCCA	TCGTCCCTGAC	: 66	-
				30:1110101CCF	11colocolowc	. 000	•
	•	•			•		
	*	680	*	700	* 720		
DaIRIPf.1 :	GGAGTTCACGTCCTTGT				GGGCCAATICGC	: 720	n
DaIRIPf.2 :	GGAGTTCACGTCCTTGT	CCAAGTTCAGTG	TAGCTTAC	ATCACATGGTA	GGGCCAATCGC	: 720	
DaIRIPf.3 :	GGAGTTCACGTCCTTGT	CCAAGTTCAGTG	TAGCTTAC	AATCACATGGTA	GGGCCAATCGC	: 720	
DaIRIPf.4:	GGAGTTCACGTCCTTGT	CCAAGTTCAGTC	TAGCTTAC	ATCACATGGTA	GGGCCAATCGC	: 720	
DaIRIPf.5 :	GGAGTTCACGTCCTTGT	CCAAGTTCAGTG	TAGCTTAC	ATCACATGGTA	GGGCCAATCGC	: 720	
DaIRIPf.6 :	GGAGTTCACGTCCTTGT	CCAAGTTCAGTG	TAGCTTAC	ATCACATGGTA	GGGCCAATCGC	: 720	-
						. ,	-

		*	74	. 0 .	*	760	*	780	
DaIRIPf.1	:	ATTATGTAACT	TCATGGAT	TATAGCATCCT	TTT'	CTGTTTTAAATA	AAAACCCCT.	AAACTA :	78
DaIRIPf.2	:	ATTATGTAACT	TCATGGAT	TATAGCATCCT	TTT"	ICTGTTTTAAATA	AAAACCCCT.	AAACTA :	71
DaIRIPf.3	:	ATTATGTAACT	TCATGGAI	ATAGCATCCT	TTT.	PCTGTTTTAAAT A	AAAACCCCT.	AAACTA :	78
DaIRIPf.4	:	ATTATGTAACT	TCATGGAI	'ATAGCATCCT	TTT.	PCTGTTTTAAATA	AAAACCCCT.	AAACTA :	71
DaIRIPf.5	:	ATTATGTAACT	rtcatggai	ATAGCATCCT	TTT.	PCTGTTTTAAATA	AAAACCCCT.	AAACTA :	71
DaIRIPf.6	:	ATTATGTAACT	FTCATGGAT	ATAGCATCCT	$T^{*}T^{*}T^{*}$	CTGTTTTAAATA	AAAACCCCT	AAACTA :	71
		*	80	٠.	*				
DaIRIPf.1	:	TCTTACAAAA			_	810			
DaIRIPf.2	:	TCTTACAAAA	AAAAAAA	ΑΑΑΑΑΑΑΑΑ	A :	810	•		
DaIRIPf.3	:	TCTTACAAAAA	AAAAAAA	AAAAAAAAA	<u> </u>	810			
DaIRIPf.4	:	TCTTACAAAA	AAAAAAAA	ΛΛΑΑΑΑΑΑΑ	Λ:	810			
				*****	7.	810			
DaIRIPf.5	:	TCTTACAAAAA	AAAAAAAA	AAAAAAAAAA	9 ;	910			

DaIRIPi	: :	* 20 * 40 * 60 CTCCCCAGGCGCGCCTCGCGGGCCCATCACAGGAGCAACCTTGGCCGGCC	:	60
		* 80 * 100 * 120		
DaIRIPi	:	CTTGAGTCGCTCAACCTTGCCAACAACAGTCTGGTAGGCACCATCCCATCATGGATCGGT	:	120
DaIRIPf	: :	* 140 * 160 * 180 GAGCTTGACCACCTTTGCTACATGGATCTCTCACACAATTCACTAGATGGCGAGGTACCC	:	180
DaIRIPf	: :	* 200 * 220 * 240 AAGAGTTTGCAGATACGGCTCAGGGCCTCACTACGACCGGTCGTTCACTGGGCATGGTT	:	240
DaIRIPf	:	* 260 * 280 * 300 TTCATTAACATGCCGTTGCATATGAAGCGTAGCCGAAGAACACCCAAAT	:	300
DaIRIPf	:	* 320 * 340 * 360 GTAATAACTGGGACCAACAACAGTGTCAGATCTGGGAAACAATGTTGTTTCCGGGAAC	. :	360
DaIRIPf	:	* 380 * 400 * 420 GACAATACTGTCATATCTGGGAACAACACTGTCGTA	:	420
DaIRIPf	:	* 440 * 460 * 480 ACGGGGAGTGACAATGTCGTAAGTGGTAGTAACCATGTC	:	480
DaIRIPf	:	* 500 * 520 * 540 GTAACTGATAACAACAATGCCGTAACCGGGAACCACAACACTGTATCCGGGAGCCACAAC	٤,	540
DaIRIPf	:	* 560 * 580 * 600 ACTGTATCCGGGAGCAACAATGTCGTATCCGGGAGCAACCATGTTGTATCAGGGAGCAAC	:	600
DaIRIPf	:	* 620 * 640 * 660 AAAGTCGTGACGGGAGGTTAATTAATGATCTATCAGTGGATTGTCTCCATCGTCCCTGAC	:	660
DaIRIPf	:	* 680 * 700 * 720 GGAGTTCACGTCCTTGTCCAAGTTCAGTGTAGGTTACAATCACATGGTAGGCCAATCGC	:	720
DaIRIPf	:	* 740 * 760 * 780 ATTATGTAACTTCATGGATATAGCATCCTTTTTCTGTTTTAAATAAA	:	780
DaIRIPf	:	* 800 * TCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA		

FIGURE 24

			*	20	*	40	*	- 60		
DaIRIPf	:	LPRRGLAG	PITGATLAC	eltrlesinl <i>i</i>	unslvgti:	PSWIGELDHLCYM	DLSHNSLD	3EVP	•	60
DaIRIPf	:	KSLQIRLRI	* Altitgrsi	80 LGMVFINMPLE	* IMKRSRRTL(100 QEQPNVITGTNNS	* VRSGRNNV	120 VSGN	: :	120
DaIRIPf	:	DNTVISGNI	* Nivvsgshi	140 PTVVTGSDNVV	* Vsgsnhvvsi	160 RTNHVVTDNNNAV	* TGNHNTVS	180 GSHN	: :	180
DalRIPf	•	TVSGSNNVV		200 GSNKVVTGG	: 206	•				

•			*	20	*	40	*	60	
7	_	cccccc	ידים מידים איזי	AGGTTTACGAA	ለ ጥል ርጥጥር ጥጥል		TATGTTCATG		: 60
LpIRIPa.1	:	CCCGGGC		AGGTTTACGAA AGGTTTACGAA	ATAGIIGIIA ATAGTIGIIA	ימידת אורים או אורים	PATGTTCATG	TAACT	: 60
LpIRIPa.2	:	CCCGGGC	IGGTAAA	AGGITTACGAA	AIAGIIGIIA	TIMAACIMIA	RIGIICAIG		. 60
LpIRIPa.3	:								-
LpIRIPa.4	:								: -
LpIRIPa.5	:								: , -
LpIRIPa.6	:								: -
LpIRIPa.7	:								: -
LpIRIPa.8	:								: -
LpIRIPa.9	:								: -
LpIRIPa.10	:								: -
LpIRIPa.11	:								: -
LpIRIPa.12	•								: -
LpIRIPa.13	:								: -
LpIRIPa.14	•								: -
LpIRIPa.15	:		. .						
LpIRIPa.16	:		. .						• -
	•								: _
LpIRIPa.17	:								: -
LpIRIPa.18	:								
LpIRIPa.19	:								-
LpIRIPa.20	:								-
LpIRIPa.21	:								: -
LpIRIPa.22	:								: -
LpIRIPa.23	:								: -
LpIRIPa.24	:								: -
LpIRIPa.25	:								: . –
LpIRIPa.26	:								: -
LpIRIPa.27	:								: -
LpIRIPa.28	:								: -
LpIRIPa.29	:								: -
LpIRIPa.30	•								: -
LpIRIPa.31	•								: -
LpIRIPa.32									: -
LpIRIPa.33	:								: -
LpIRIPa.34	:								
LpIRIPa.35	•								
	•				_ 				: -
LpIRIPa.36	:								
LpIRIPa.37	:						•		-
LpIRIPa.38	:								-
LpIRIPa.39	:								: -
LpIRIPa.40	:								• -
LpIRIPa.41	:								: ,-
LpIRIPa.42	:								: -
LpIRIPa.43	:								: -
LpIRIPa.44	:								: -
LpIRIPa.45	:								: -
LpIRIPa.46	:								: -
-									

		*	80	*	100	*	120	
LpIRIPa.1	:	ATATTTCAATATAA	TATTTGTATT	ACAGCAGAA	AATCATTATTT	CTATTACTTI	GTATT:	: 120
LpIRIPa.2	:	ATATTTCAATATAA!	TTATTTGTATT	ACAGCAGAA	AATCATTATTT	CTATTACTTI	GTATT	: 120
LpIRIPa.3	:						·	: -
LpIRIPa.4	:							: -
LpIRIPa.5	:							: -
LpIRIPa.6	:							: -
LpIRIPa.7	:							: -
LpIRIPa.8	:							: -
LpIRIPa.9	•						· :	: -
LpIRIPa.10	: .							: -
LpIRIPa.11	:							: -
LpIRIPa.12	:							: -
LpIRIPa.13	:							: -
LpIRIPa.14	:							: -
LpIRIPa.15	;							: -
LpIRIPa.16	:							: -
LpIRIPa.17	:							: -
LpIRIPa.18	:							: -
LpIRIPa.19	:							: -
LpIRIPa.20	:							: -
LpIRIPa.21	:							: -
LpIRIPa.22	:							: -
LpIRIPa.23	:							: -
LpIRIPa.24	:							: -
LpIRIPa.25	:							: -
LpIRIPa.26	:							: -
LpIRIPa.27	:							: -
LpIRIPa.28	:							: -
LpIRIPa.29	:							: -
LpIRIPa.30	:							: -
LpIRIPa.31	:							: -
LpIRIPa.32	:							: -
LpIRIPa.33	• .							
LpIRIPa.34	:							
LpIRIPa.35	•							· -
LpIRIPa.36	:							· -
LpIRIPa.37 LpIRIPa.38	:							
LpIRIPa.39	•							· _
LpIRIPa.40	:							
LpIRIPa.40 LpIRIPa.41	:							· -
LpIRIPa.42	:							·
LpIRIPa.42	:							·
LpIRIPa.43	:							·
LpIRIPa.45	:							: -
LpIRIPa.46	:							: -
-F-4474-4-40	•							•

		*	140	*	160	*	180		
LpIRIPa.1	:	ATTATTTTGTT	TGAGTGTTGTAAA	ATTGGGAA'	TTACAACTATAC	TATTTTCGT	ATGGGA	: 180	
	:	ATTATTTTGTTT	TGAGTGTTGTAAA	ATTGGGAA'	ITACAACTATA(CTATTTTCGT	ATGGGA	: 180	
	:							: -	
	:							: -	
TDIKIPA.#	•							: -	
LpIRIPa.5	•							: -	
LpIRIPa.6	•							-	
LpIRIPa.7	:							: -	
TDTICTE	-							: -	
71 P 71 C 7 C 7 C 7 C 7 C 7 C 7 C 7 C 7 C 7	:							-	
TDT1/11 ~	:								
	:								,
LpIRIPa.12	:							· -	
-p-1/	:								
	:								
	:							: _	
LpIRIPa.16	:							: -	
	:							: -	
LpIRIPa.18	:								
	:							:	
LpIRIPa.20	:							: -	
LpIRIPa.21	;							: -	
LpIRIPa.22	:								
LpIRIPa.23	:							:]	
LpIRIPa.24	:								_
LpIRIPa.25	:								
LpIRIPa.26	:							•	•
LpIRIPa.27	:								•
LpIRIPa.28	:							•	•
	:							•	•
LpIRIPa.30	:							•	•
LpIRIPa.31	:							•	- '
LpIRIPa.32	:							: •	•
LpIRIPa.33	:							: -	•
	:							: -	•
LpIRIPa.35	:							: -	•
LpIRIPa.36	:							•	-
LpIRIPa.37	:							: •	•
LpIRIPa.38	:							: .	-
LpIRIPa.39	:							:	-
LpIRIPa.40	:							:	-
LpIRIPa.41	:							:	-
LpIRIPa.42	:							:	-
	:							:	-
LpIRIPa.44	:							:	-
LpIRIPa.45	:							:	-
LpIRIPa.46	:							:	-

		*	200	*	220	*	240		
LpIRIPa.1 :	Δ	CAATTTGTTAATTT		TCTCTTC		GACAGCGAGA	ACAAA	: 2	40
LpIRIPa.2 :	7.	CAATTTGTTAATTTT	TGTGTCTCTCTT	TCTCTTC	ATAGCTAGCT	GACAGCGAGA	ACAAA	: 2	40
LpIRIPa.3 :								:	_
LpIRIPa.4 :								:	_
LpIRIPa.5 :	_							:	_
TDIKIPA.5 :	_							:	_
LpIRIPa.6 :	_							•	_
LpIRIPa.7:	_							:	_
LpIRIPa 8 :	_								_
DPIKITO	_								_
LpIRIPa.10 :	_							:	_
LpIRIPa.11:								:	_
LpIRIPa.12 :	_							:	_
LpIRIPa.13:	_							:	_
LpIRIPa.14:	_							:	_
LpIRIPa.15 :	_							:	_
LpIRIPa.16:								:	_
LpIRIPa.17:						_		:	_
LpIRIPa.18:									_
LpIRIPa.19 :								:	_
LpIRIPa.20 :								-	_
LpIRIPa.21:									_
LpIRIPa.22:								:	_
LpIRIPa.23 :								•	
LpIRIPa.24 :	-							•	_
LpIRIPa.25 :	_							• ,	_
LpIRIPa.26 :								•	_
LpIRIPa.27 :								•	_
LpIRIPa.28 :	-		·					:	-
LpIRIPa.29 :	-								-
LpIRIPa.30 :	-							:	-
LpIRIPa.31 :	-							:	-
LpIRIPa.32 :									_
LpIRIPa.33 :	-								-
LpIRIPa.34 :	-							•	_
LpIRIPa.35 :	_							:	-
LpIRIPa.36 :	_							•	-
LpIRIPa.37 :	_							:	-
LpIRIPa.38 :	-							:	-
LpIRIPa.39 :	-							:	-
LpIRIPa.40 :	-							:	_
LpIRIPa.41 :	-							:	-
LpIRIPa.42 :	-							:	-
LpIRIPa.43 :	-							:	-
LpIRIPa.44 :	-							:	-
LpIRIPa.45 :	-							:	-
LpIRIPa.46 :	-	~						:	-

		* 260 *	280	*	300		
LpIRIPa.1	:	A A COA A CA TIONA ATTOTOGA AGTAGACTACTAGT	CGACCACCCA	ATGCATGCTTAC	'A'l'AAG	: 300)
LpIRIPa.2	:	A A CCA A CARCORA A CTACA A CTACA A CTACA CTACTACTACT	"GACCACCCE	ATGCATCCTTAC	'ATAAC	: 300	Þ
LpIRIPa.3	:					: -	
LpIRIPa.4	:					: -	
LpIRIPa.5	:					: -	
LpIRIPa.6	:					: -	•
LpIRIPa.7	:					: -	•
LpIRIPa.8	:					: -	-
LpIRIPa.9	:					: -	•
LpIRIPa.10	:					: -	•
LpIRIPa.11	:					: -	•
LpIRIPa.12	:					: -	•
LpIRIPa.13	:					; -	•
LpIRIPa.14	:					: -	-
LpIRIPa.15	:					: -	-
LpIRIPa.16	:					: -	-
LpIRIPa.17	:					: -	-
LpIRIPa.18	:					: -	•
LpIRIPa.19	:					: -	-
LpIRIPa.20	:					: -	•
LpIRIPa.21	:					: -	•
LpIRIPa.22	:					:	-
LpIRIPa.23	:					: -	-
LpIRIPa.24	:					:	-
LpIRIPa.25	:					: -	-
LpIRIPa.26	:					:	-
LpIRIPa.27	:					•	-
LpIRIPa.28	:					•	- .
LpIRIPa.29	:					:	-
LpIRIPa.30	:						•
LpIRIPa.31	:					:	_
LpIRIPa.32	:						_
LpIRIPa.33	÷						_
LpIRIPa.34	:					•	_
LpIRIPa.35	:					•	_
LpIRIPa.36	:					•	_
LpIRIPa.37	፡					•	_
LpIRIPa.38	:					•	_
LpIRIPa.39	:						_
LpIRIPa.40	:						_
LpIRIPa.41	:.						_
LpIRIPa.42	:						_
LpIRIPa.43	:						_
LpIRIPa.44	:						_
LpIRIPa.45	:					•	_
LpIRIPa.46	:					•	

			*	320	*	340	*	360		
LpIRIPa.1	:	AAAACACA	ACGCACTA:	TAAGATTGGATGC	ACCACCCA	AGCACTATAAA	AAAGGATGCA	ACCAC	: 36	60
LpIRIPa.2	:	AAAACACA	ACGCACTA	FAAGATTGGATGC	ACCACCCA	AGCACTATAA	AAAGGATGCA	ACCAC	: 36	60
LpIRIPa.3	:								•	-
LpIRIPa.4	:								:	-
LpIRIPa.5	:								:	_
LpIRIPa.6	•								:	-
LpIRIPa.7	:		- -						:	_
LpIRIPa.8	•								:	_
LpIRIPa.9	:						 -		•	_
LpIRIPa.10	:		<i></i>						:	-
LpIRIPa.11	:								:	_
LpIRIPa.12	:								:	· _
LpIRIPa.13	:									-
LpIRIPa.14	:							`	:	_
LpIRIPa.15	:								:	_
LpIRIPa.16	:								:	_
LpIRIPa.17	:		. .						:	_
LpIRIPa.18	:								:	_
LpIRIPa.19	:									_
LpIRIPa.20	:									_
LpIRIPa.21	:								·	_
LpIRIPa.22	:								•	_
LpIRIPa.23	•								•	
LpIRIPa.24	:								•	_
LpIRIPa.25	:								•	_
LpIRIPa.26	:								•	_
LpIRIPa.27	•									_
LpIRIPa.28	:								:	
LpIRIPa.29	:								:	_
	:								:	_
LpIRIPa.30	:								•	_
LpIRIPa.31	:								:	_
LpIRIPa.32 LpIRIPa.33	:								:	_
	:			•					•	_
LpIRIPa.34	:								•	_
LpIRIPa.35	:								:	_
LpIRIPa.36	:								:	_
LpIRIPa.37	•								•	_
LpIRIPa.38	:					*				
LpIRIPa.39	:								•	_
LpIRIPa.40	:								•	
LpIRIPa.41	:								•	_
LpIRIPa.42	:								:	_
LpIRIPa.43	:								•	-
LpIRIPa.44	:									-
LpIRIPa.45	:								•	-
LpIRIPa.46	:								:	-

		*	380		*	400	*	420		
LpIRIPa.1	:		TTGCCAACAG	CGCGCACT	TGTTTGCA	TTCAAAAAC	SAAAATCT	TACATAG	•	420
LpIRIPa.2	:	CTAAGCAATTT	TTGCCAACAG	CGCGCACT	TGTTTGCA	TTCAAAAAC	SAAAATCI	TACATAC	:	420
LpIRIPa.3	:						Ci	TACATAG	:	9
LpIRIPa.4	:						CI	TACATAG	•	9
LpIRIPa.5	:						CI	TACATAG	:	9
LpIRIPa.6	:						(64)	TACATAG		9
LpIRIPa.7	:							TACATAG	1	9
LpIRIPa.8	:							TACATAG	•	9
LpIRIPa.9	:						C'T	TACATAG	:	9
LpIRIPa.10	:						C1	TACATAG	:	9
LpIRIPa.11	:						CVI	TACATAG	:	9
LpIRIPa.12	:						CT	TACATAG	:	و
LpIRIPa.13	:							TACATAG	:	9
LpIRIPa.14	:							TACATAG	:	9
LpIRIPa.15	:							TACATAG	:	9
LpIRIPa.16	:								:	_
LpIRIPa.17	:								:	-
LpIRIPa.18	:								:	_
LpIRIPa.19	:								:	-
LpIRIPa.20	:								:	_
LpIRIPa.21	:								:	-
LpIRIPa.22	:								:	_
LpIRIPa.23	:								:	_
LpIRIPa.24	:								:	_
LpIRIPa.25	:								:	_
LpIRIPa.26	:								:	_
LpIRIPa.27	:								:	-
LpIRIPa.28	:								:	-
LpIRIPa.29	:								:	_
LpIRIPa.30 LpIRIPa.31	:								:	-
LpIRIPa.31 LpIRIPa.32	:								:	-
Lpikipa.32 Lpikipa.33	:								:	-
LpIRIPa.33 LpIRIPa.34	:								:	-
Lpikipa.34 LpIRIPa.35	:								:	-
Lpikipa.35 Lpikipa.36	•								:	-
LpIRIPa.35	•								:	-
LDIRIPA.37 LDIRIPA.38	:								:	-
LpIRIPa.39	•								:	-
LpIRIPa.40	:								:	-
LpIRIPa.41	•								:	-
LpIRIPa.42	:								:	_
Spiripa.42 Spiripa.43	•								:	-
DIRIPA.43	•								:	-
DDIRIPA.44									:	-
pIRIPA.45	•								:	-
-W-KTEG.40	•									

		*	440	*	460	*	480		
LpIRIPa.1	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC	TTTTCTTGGCG1	TCCTCCTGCC	GGCGG	:	480
LpIRIPa.2	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC	FTTTCTTGGCG1	TCCTCCTGCC	GGCGG	:	480
LpIRIPa.3	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC:	TTTCTTGGCG1	TCCTCCTGCC	CGCGG	;	69
LpIRIPa.4	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC	FTTTCTTGGCG1	TCCTCCTGCC	:GGCGG	:	69
LpIRIPa.5	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC:	FTTTCTTGGCG1	TCCTCCTGCC	GGCGG	:	69
LpIRIPa.6	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC	TTTCTTGGCGI	TCCTCCTGCC	GGCGG	:	69
LpIRIPa.7	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCC	TTTCTTGGCGT	TCCTCCTGCC	GGCGG	:	69
LpIRIPa.8	:		GAGAAAAGTTGGT						69
LpIRIPa.9	:		GAGAAAAGTTGGT					:	69
LpIRIPa.10	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCCT	TTTCTTGGCGI	TCCTCCTGCC	GGCGG	:	69
LpIRIPa.11	:		gagaaaagttggt					:	69
LpIRIPa.12	:		GAGAAAAGTTGGT					:	69
LpIRIPa.13	:	CTGAACCAATG	GAGAAAAGTTGGT	TCTTGCTCCT	TTTCTTGGCGI	TCCTCCTGCC	:GGCGG	:	69
LpIRIPa.14	:		GAGAAAAGTTGGT					:	69
LpIRIPa.15	:		GAGAAAAGTTGGT					:	69
LpIRIPa.16	:							:	-
LpIRIPa.17	:							:	-
LpIRIPa.18	:							:	-
LpIRIPa.19	:							:	-
LpIRIPa.20	:							:	-
LpIRIPa.21	:							2	-
LpIRIPa.22	:		•					:	: -
LpIRIPa.23	:							:	-
LpIRIPa.24	:							:	-
LpIRIPa.25	:							:	· -
LpIRIPa.26	:							:	_
LpIRIPa.27	:		· ·					:	-
LpIRIPa.28	:							:	-
LpIRIPa.29	:							:	- '
LpIRIPa.30	:							:	-
LpIRIPa.31	:							:	-
LpIRIPa.32	:							:	-
LpIRIPa.33	:							:	
LpIRIPa.34	:							:	-
LpIRIPa.35	:							:	-
LpIRIPa.36	:							•	-
LpIRIPa.37	:							:	-
LpIRIPa.38	:							:	-
LpIRIPa.39	:							:	-
LpIRIPa.40	:							:	-
	:							:	-
LpIRIPa.42	:							:	-
LpIRIPa.43	:							:	-
LpIRIPa.44	:							:	-
LpIRIPa.45	:							:	-
LpIRIPa.46	:							:	-

		*	500		520	*	540		*
LpIRIPa.1	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	CATGCCACCCTGA	IGACCTCCT	TGCACTGCGCG	EGTTCGCC	GGTA	:	540
LpIRIPa.2	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA'	TGACCTCCT	TGCACTGCGCGC	3GTTCGCC	GGTA	:	540
LpIRIPa.3	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	CATGCCACCCTGA	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.4	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.5	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA	TGACCTCCT	TGCACTGCGCGC	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.6	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	CATGCCACCCTGA:	TGACCTCCT	TGCACTGCGCGC	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.7	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	CATGCCACCCTGAT	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.8	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA!	IGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.9	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA!	IGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	:GGTA	:	129
LpIRIPa.10	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.11	:	CGAGCGTGCCGGTGTC	ATGCCACCCTGA	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.12	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA"	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGT'A	:	129
LpIRIPa.13	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA	IGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.14	:	CGAGCGTGGCGGTGTC	ATGCCACCCTGA	TGACCTCCT	TGCACTGCGCG	GGTTCGCC	GGTA	:	129
LpIRIPa.15	:	CGAGCGTGGCGGTGTC						:	129
LpIRIPa.16	:							:	_
LpIRIPa.17	:							:	-
LpIRIPa.18								:	-
LpIRIPa.19	:					,		:	-
LpIRIPa.20	:							:	-
LpIRIPa.21	:							:	_
LpIRIPa.22	:							:	-
LpIRIPa.23								:	_
LpIRIPa.24	:							:	_
LpIRIPa.25								:	-
LpIRIPa.26								:	_
LpIRIPa.27								:	-
LpIRIPa.28								:	-
LpIRIPa.29								:	_
LpIRIPa.30								:	_
LpIRIPa.31								:	-
LpIRIPa.32	:							:	_
LpIRIPa.33	:							•	_
LpIRIPa.34	:							:	_
LpIRIPa.35								:	-
LpIRIPa.36								:	-
LpIRIPa.37	:							:	-
LpIRIPa.38								:	-
LpIRIPa.39								:	-
LpIRIPa.40								:	-
LpIRIPa.41								:	-
LpIRIPa.42	:							:	-
LpIRIPa.43								:	-
LpIRIPa.44								:	-
LpIRIPa.45	:							:	-
DTDTDa 46								•	_

		*	560	*	580	*	600	
LpIRIPa.1	:	ATCTCAGCAAT	GGGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACCCTTGCTG	TAGTT	: 600
LpIRIPa.2	:	ATCTCAGCAAT	GGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: .600
LpIRIPa.3	:	ATCTCAGCAAT	eccccctccti	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.4	:	ATCTCAGCAAT	GGGGCGTGCTCCI	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.5	:	ATCTCAGCAAT	GGGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGT1	: 189
LpIRIPa.6	:	ATCTCAGCAAT	GGGGGCGTGCTCCI	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.7	•	ATCTCAGCAATO	GGGGGCGTGCTCCI	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.8	:	ATCTCAGCAAT	GGGGGCGTGCTCCI	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.9	•	ATCTCAGCAAT	GGGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.10	:	ATCTCAGCAAT	GGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.11	:	ATCTCAGCAATO	GGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.12	:		GGGGCGTGCTCCT					: 189
LpIRIPa.13	·	ATCTCAGCAATC	GGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TACTT	: 189
LpIRIPa.14	:	ATCTCAGCAATO	GGGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGCCCGAC	AACTCTTGCTG	TACTT	: 189
LpIRIPa.15	:	ATCTCAGCAATO	GGGGCGTGCTCCT	CCATGCCA	AGTGGTTCGGC	AACTCTTGCTG	TAGTT	: 189
LpIRIPa.16	:							: -
LpIRIPa.17	•							: -
LpIRIPa.18	:							: -
LpIRIPa.19	:							: -
LpIRIPa.20	:							: -
LpIRIPa.21								: -
LpIRIPa.22								: -
LpIRIPa.23			. 					:
LpIRIPa.24	•							: -
LpIRIPa.25	•							: -
LpIRIPa.26	:							: -
LpIRIPa.27	•							• -
LpIRIPa.28	:							: -
LpIRIPa.29	:						,	
LpIRIPa.30	•							: -
LpIRIPa.31	:							: -
LpIRIPa.32	:							: -
LpIRIPa.33	:							: -
LpIRIPa.34	:							: -
LpIRIPa.35	:							: -
LpIRIPa.36								: -
LpIRIPa.37	:							: -
LpIRIPa.38	:							:
LpIRIPa.39	:							: -
LpIRIPa.40	:							: -
LpIRIPa.41	:							: -
LpIRIPa.42	:							: -
LpIRIPa.43	:							: -
LpIRIPa.44	:							·: -
LpIRIPa.45	:							: -
LpIRIPa.46	:							: -

			* 640	*	660	
LpIRIPa.1	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.2	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGTCGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	$\mathbf{T}\mathbf{G}\mathbf{G}\widetilde{\mathbb{A}}\mathbf{C}$:
LpIRIPa.3	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.4	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCEGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.5	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.6	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGCCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.7	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.8	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	GTTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.9	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	STTGTGGCTCCC	TGGGC	•
LpIRIPa.10		GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GGCCGTGTCACTAC	STTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.11	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	SGCCGTGTCACTAC	TTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.12		GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GCCGTGTCACTAC	TTGTGGCTCCC	TGGGC	•
LpIRIPa.13		GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GCCGTGTCACTAC	TTGTGGCTCCC	TGGGC	
LpIRIPa.14	:	GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GCCGTGTCACTAC	TTGTGGCTCCC	TEEEC	:
LpIRIPa.15		GGGAAGGTGTGGGATGCGACGGCGGAAGC	GCCCTGTCACTAC	TTGTGGCTCCC	TGGGC	:
LpIRIPa.16	:					:
LpIRIPa.17						:
LpIRIPa.18	:					;
LpIRIPa.19	:					:
LpIRIPa.20	:					:
LpIRIPa.21	:					:
LpIRIPa.22	:					:
LpIRIPa.23	:					:
LpIRIPa.24	:					:
LpIRIPa.25	:					:
LpIRIPa.26	:					:
LpIRIPa.27	:.					:
LpIRIPa.28	:					:
LpIRIPa.29	:					•
LpIRIPa.30	:					:
LpIRIPa.31	:				'	:
LDIRIPa.32	:					:
LpIRIPa.33	:					:
LpIRIPa.34	:					:
LpIRIPa.35	:					:
DDIRIPa.36	:					:
DIRIPa.37	:					:
pIRIPa.38	•					:
pIRIPa.39	:					:
pIRIPa.40	:					•
DIRIPa.41	:					
DIRIPa.42	•				:	
pIRIPa.43	:				:	
LpIRIPa.44	:					:
DDIRIPA.45	:					:
nTPTD= 46	:				:	

		*	680	*	700	*	720		
LpIRIPa.1	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	720
LpIRIPa.2	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	720
LpIRIPa.3	:				TGGCTGGCCTTC			:	309
LpIRIPa.4	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	309
LpIRIPa.5	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TEGETEGECTT	CACGGCTGG	AGTCGC	:	309
LpIRIPa.6	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TEGCTEGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	309
LpIRIPa.7	:				TGGCTGGCCTTC			:	309
LpIRIPa.8	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	309
LpIRIPa.9	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	•	309
LpIRIPa.10	:	ATGGACTCGCA	GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTG	CACGGCTGG	AGTCGC	•	309
LpIRIPa.11	:				TGGCTGGCC'1"I'C			:	309
LpIRIPa.12	:	ATGGACTCGCA(GGCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	309
LpIRIPa.13	:				TGGCTGGCCTTG			:	309
LpIRIPa.14	:	ATGGACTCGCA	GCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTG	CACGGCTGG	AGTCGC	. :	309
LpIRIPa.15	:	ATGGACTCGCA	GCCACATCCC	AACAGCATCCT	TGGCTGGCCTTC	CACGGCTGG	AGTCGC	:	309
LpIRIPa.16	:							:	
LpIRIPa.17	:							:	_
LpIRIPa.18	:							:	_
LpIRIPa.19	:							:	_
LpIRIPa.20	2							:	_
LpIRIPa.21	:							:	_
LpIRIPa.22	:							:	-
LpIRIPa.23	:							:	_
LpIRIPa.24	:							:	-
LpIRIPa.25	:							:	-
LpIRIPa.26	:							:	_
LpIRIPa.27	:					· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		:	-
LpIRIPa.28	:							:	· -
LpIRIPa.29	:							:	_
LpIRIPa.30	:							:	-
LpIRIPa.31	:								
LpIRIPa.32	:							:	_
LpIRIPa.33	:							:	-
LpIRIPa.34	:					_		:	-
LpIRIPa.35	:							:	
LpIRIPa.36	:							:	-
LpIRIPa.37	:							:	-
LpIRIPa.38	:							:	-
LpIRIPa.39	:							:	-
LpIRIPa.40	:							:	-
LpIRIPa.41	:							:	_
LpIRIPa.42	:							:	-
LpIRIPa.43	:							:	-
LpIRIPa.44	:							:	
LpIRIPa.45	:							:	-
LpIRIPa.46	:							:	• -

		*	740	*	760	*	780		
LpIRIPa.1	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	TCCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	:	780
LpIRIPa.2	:	TCAACCTCGCCĞA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	TCCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	rtggcc	:	780
LpIRIPa.3	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	TCCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	:	369
LpIRIPa.4	ŧ	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	TCCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	:	369
LpIRIPa.5	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	TCCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	:	369
LpIRIPa.6	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	TCCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	:	369
LpIRIPa.7	:	TCAACCTCGCCAA						•	369
LpIRIPa.8	:	TCAACCTCGCCAA						•	369
LpIRIPa.9	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	'CGGCACAA'	CCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	•	369
LpIRIPa.10	:	TCAACCTCGCCAA						:	369
LDIRIPa.11	:	TCAGCCTCGCCAA						•	369
LpIRIPa.12	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	'CGGCACAA'	CCCATCTTGGA	TTGGTGTGCT	TGACC	•	369
LpIRIPa.13	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA'	CCCATCTTGGA	TIGGIGIGCI	TGACC	•	369
LpIRIPa.14	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA'	rcccatcttgga'	TTGGTGTGCT	"TGACC	:	369
LpIRIPa.15	:	TCAACCTCGCCAA	CAACAAACTGGT	CGGCACAA	CCCATCTTGGA'	TTGGTGTGCT	TGACC	:	369
LpIRIPa.16	:							:	
LpIRIPa.17	:							:	_
LpIRIPa.18	:							:	-
LpIRIPa.19	:							:	-
LpIRIPa.20	:							:	-
LpIRIPa.21	:							:	-
LpIRIPa.22	:							:	_
LpIRIPa.23	:							:	_
LpIRIPa.24	:							:	-
LpIRIPa.25	:							:	-
LpIRIPa.26	:							:	-
LpIRIPa.27	:							:	-
LpIRIPa.28	:							:	-
LpIRIPa.29	:							:	-
LpIRIPa.30	:							:	-
LpIRIPa.31	:							:	-
LpIRIPa.32	:							:	-
LpIRIPa.33	:							:	-
LpIRIPa.34	:							:	-
LpIRIPa.35	:							:	-
LpIRIPa.36	:							:	-
LpIRIPa.37	:							:	-
LpIRIPa.38	:							:	-
LpIRIPa.39	:							:	-
-p	: :							:	-
•	:							;	-
-	:							:	-
LpIRIPa.43	•							:	-
LpIRIPa.45	:							:	-
LoIRIPa.46	•							:	_

		* 800 * 820 * 840		
	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	840
LpIRIPa.2	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	840
LpIRIPa.3	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.4	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.5	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	•	429
LpIRIPa.6	:	<u>ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG</u>	1	429
LpIRIPa.7	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.8	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.9	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LoIRIPa.10	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.11	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.12	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.13	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.14	:	acctttgctacttggatctctcaaataattcattggttgg	:	429
LpIRIPa.15	:	ACCTTTGCTACTTGGATCTCTCAAATAATTCATTGGTTGG	:	429
LpIRIPa.16	:		:	_
LpIRIPa.17	:		:	_
LpIRIPa.18	:		:	_
LpIRIPa.19	:		:	-
LpIRIPa.20	:		:	_
LpIRIPa.21	:		:	-
LpIRIPa.22	:		:	_
LpIRIPa.23	:		:	_
LpIRIPa.24	:		:	_
LpIRIPa.25	:		:	-
LpIRIPa.26	:		:	-
LpIRIPa.27 :	:		:	** -
LpIRIPa.28	:		:	· -
	:		:	_
LpIRIPa.30 :	:		:	_
LpIRIPa.31 :	:		: .	_
LpIRIPa.32 :			:	-
LpIRIPa.33 :	•		:	-
LpIRIPa.34 :	:		:	-
LpIRIPa.35 :	:		:	-
LpIRIPa.36 :	:		.:	_
LpIRIPa.37 :	:		:	
LpIRIPa.38 :	:		:	-
LpIRIPa.39 :	:		:	-
LpIRIPa.40 :	:		:	-
LpIRIPa.41 :	:		:	-
LpIRIPa.42 :	:		:	_
LpIRIPa.43 :	:		:	-
LpIRIPa.44 :			:	-
LpIRIPa.45 :	:		:	-

		*	860	.*	880	*	900		
LpIRIPa.1	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT	CGTTGGTCG	TTCACTGGGIL	ATGGCTTCCA	OTDA A CA		900
LpIRIPa.2	:	AAATAAGGCTCAG	GIGCCICAACAT	сеттестсе	TTCACTGGGT	$\Delta TCCCTTCC$	CONTRACT	:	900
LpIRIPa.3	:	AAATAAGGCTCAG	GIGCCTCAACAT	септестес	TTCACTGGGC	Λ Γ	מיים א מיויים		489
LpIRIPa.4	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT	CGTTGGTCG	TTCACTGGGC	Δ TICCOTTTCC Δ	כיים א מיים		489
LpIRIPa.5	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT	CGTTGGTCG	TTCACTGGGC	ATGGCTTCCA	CTDACA	:	489
LpIRIPa.6	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT(CGTTGGTCG	TTCACTGGGC	ATGGCTTCCA	CTDAACA	•	489
LpIRIPa.7	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT(CGTTGGTCG	${ m TTCACTGGGGG}$	A TOCCOTTOCA	CTA A CA		489
LpIRIPa.8	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT(CGTTGGTCG	TTCACTGGGC	TGGCTTCCA	מיווים א מיווים	•	489
LpIRIPa.9	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACAT(CGTTGGTCG	TTCACTGGGCZ	THERTTOCK	CT 7 7 C7	:	489
LpIRIPa.10	. :	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACATO	CGTTGGTCG	TTCACTGGGC	TGGCTTCCA	ርጣን አ ለጥነ	•	489
LpIRIPa.11	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACATC	CGTTGGTCG	TTCACTGGGCz	TGCCTTCCN	CHIA A CIA	•	489
LpIRIPa.12	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACATC	'GTTGGTCG'	$\operatorname{TTCACTGGGC}$	TCCCTTCCA.	CC32 2 C2	•	489
LpIRIPa.13	:	AAATAAGGCTCAG	${ t GTGCCTCAACATC}$	GTTGGTCG	TTCACTGGGCI	TCCCTTCCA	מסת מידיי	•	489
LpIRIPa.14	:	AAATAAGGCTCAG	STGCCTCAACATC	'GTTGGTCG'	TTCACTGGGGC	יויבובריחיייריריא.	OFF A A CO	•	489
LpIRIPa.15	:	AAATAAGGCTCAG	GTGCCTCAACATC	GTTGGTCG	PTCACTGGGC	TGGCTTCCA	CTARCA	•	489
LpIRIPa.16	:		FI'GCCTCAACATC	'GTTGGTCG'	PTCACTGGGC	\TGG((''') TC(''')	מידא א כיא	:	48
LpIRIPa.17	:		GTGCCTCAACATC	GTTGGTCG'	FTCACTGGGC	TGGCTTCCA	מיים מעדי	:	48
LpIRIPa.18	:		FIGCCTCAACATC	GTTGGTCG	FTCACTGGGCA	TGGCTTCCA	マザみみでみ	:	48
LpIRIPa.19	:	<u>e</u>	FIGCCTCAACATC	GTTGGTCG:	CTCACTGGGCA	TGGCTTCCA	מיים א מיים	:	48
LpIRIPa.20	:		FIGCCTCAACATC	GTTGGTCGT	FTCACTGGGCA	TGGCTTCCA	TAACA	:	48
LpIRIPa.21	:		TGCCTCAACATC	GTTGGTEG1	FTCACTGGGCA	TGGCTTCCA	יקיים מימינים	:	48
LpIRIPa.22	:		TGCCTCAACATC	GTTGGTCG1	TCACTGGGCA	TGGCTTCCA	רא מיתיר	:	48
LpIRIPa.23	:	<u>er</u> e	TGCCTCAACATC	GTTGGTCG1	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	ארא מריי	•	48
LpIRIPa.24	:	ee	TGCCTCAACATC	${ t GTTGGTCGT}$	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	אים א מידיי	:	48
LpIRIPa.25	:	<u>@@</u>	TGCCTCAACATC	GTTGGTCGI	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	מידע א כי בי	•	48
LpIRIPa.26	:	<u>ele</u>	IGCCICAACATC	GTTGGTCGI	"TCACT汽GGCA	TGGCTTCCAC	ተገለ አርጎ	:	48
LpIRIPa.27	:	<u>ele</u>	TGCCTCAACATC	GTTGGTCGT	TCACTGGGCA	ቸርርርተጥርርልር	איז א מידיי	:	48
LpIRIPa.28	:	<u>e:e</u>	TGCCTCAACATC	GTTGGTCGI	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	ארא בידיי	:	48
LpIRIPa.29	:	<u>@@</u>	TGCCTCAACATC	STTGGTCGT	TCACTGGGCA	ではにいったした	מיט גי גידי	:	48
LpIRIPa.30	: •		TGCCTCAACATC	GTTGGTCGT	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	יידים מעדיניי	:	48
LpIRIPa.31	: .	[6]	TGCCTCAACATC	STTGGTCGT	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	TAACA	:	48
LpIRIPa.32	: •		TGCCTCAACATC	FTTGGTCGT	TCACTGGGCA'	TGGCTTCCAC	יתים א מידי	:	48
LpIRIPa.33	: -	<u>@</u>	${ t TGCCTCAACATC}$	STIGGICGI	TCAC'TGGGCA'	TGGCTTCCAC	ጥለአርአ	:	48
LpIRIPa.34	: -	<u>ee</u>	1GCCTCAACATC(TTGGTCGT	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	TAACA	:	48
LpIRIPa.35 LpIRIPa.36	: -	<u>ee</u>	${\tt IGCCTCAACATCC}$	STTGGTCGT	TCACTGGGCA	FGGCTTCCAC	TAACA	:	48
-	-	<u>ee</u>	IGCCTCAACATC(TTGGTCGT	TCACTGGGCA	TGGCTTCCAC	TAACA	:	48
LpIRIPa.37 : LpIRIPa.38 :	: -		IGCCTCAACATCC	TTGGTCGT	TCACTGGGCA:	TGGCTTCCAC	TAACA	:	48
LpIRIPa.39	: -		TGCCTCAACATCG	STIGGTCGT	TCACTGGGCA	FGGCTTCCAC	TAACA	:	48
LpIRIPa.40		<u>e.e.</u>	rgcctcaacatco	TTGGTCGT	TCACTGGGCA:	rggctgccac	TAACA	:	48
LpIRIPa.41			IGCC'ICAACATCG	TTGGTCGT'	TCACTGGGCAT	FEGCTTCCAC	ጥአአርአ	:	46
LpIRIPa.42	_		GCCTCAACATCG	TIGGTCGT	rcactgggca'ı	rggcttccac	TAACA	:	45
LpIRIPa.43	•		CAVACAVICE	PIGGICGI	rcactgegca1	FGGCTTCCAC	TAACA	:	41
LpIRIPa.44	_		CAVACAVICE	TTGCTCGT	rcactgggcat	TGGCTTCCAC	TAACA	:	41
LpIRIPa.45	_		CATATOTALOG	TIEGTCGT	CACTGGGCAT	GGCTTCCAC	TAACA	:	41
LpIRIPa.46	_			THEGICGIA	rcactgggca1	'GGCTTCCAC'	TAACA	:	35
-P-WILE . 40 :	_								_

		*	920	*	940	*	960		
LpIRIPa.1	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATGGCAC	TAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCC	:	960
LpIRIPa.2	:	CGACATTCCACCT	'GAAGCATAACCA	AATAGCAC	TAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCC	•	960
LpIRIPa.3	:	TGACATTGCAGGT	'GAAGCATAACCA	AATAGCAC	TAAGTGGGCAAC	CAAACACAA'	TAACCG	•	549
LpIRIPa.4	-	TGACATTGCAGGT	'GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	FAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCG	•	549
LpIRIPa.5	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	FAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCC	:	549
LpIRIPa.6	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	TAACTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCG	:	549
LpIRIPa.7	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	FAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCC	:	549
LpIRIPa.8	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	FAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCG	:	549
LpIRIPa.9	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	FAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCC	:	549
LpIRIPa.10	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'	PAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCG		549
LpIRIPa.11	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCAC'.	PAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TAACCG	:	549
LpIRIPa.12	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA.	AATAGCAC'	PAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	PA A CCC	:	549
LpIRIPa.13	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA.	AATAGCAC'	PAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	TA A C C C	:	549
LpIRIPa.14	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA.	AATAGCACT	TAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	PAACCG	:	549
LpIRIPa.15	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCACT	TAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	CAACCC	:	549
LpIRIPa.16	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCACI	PAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	PAACCC	:	108
LpIRIPa.17	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA!	AATAGCACT	AAGTGGGCAAC	CAAACACAA	PAACCG	:	108
LpIRIPa.18	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCACT	PAAGTGGGCAAC	CAAACACAA	PAACCG	:	108
LpIRIPa.19	:	TGACATTGCAGGT	GAAGCATAACCA	AATAGCACI	AAGTGGGCAAC	CAAACACAA	PAACCC	:	108
LpIRIPa.20	:	TGACATTGCAGGT	SAAGCATAACCAA	AATAGCACI	AAGTGGGCAAC	רעעטעטעעעני	PACCE	:	108
LpIRIPa.21	:	TCACATTCCACCTC	BAAGCATAACCA	AATAGCACT	CAAGTGGGCAACC	CAAACACAAA	DAACCC	:	108
LpIRIPa.22	:	TGACATTGCAGGTO	BAAGCATAACCA	ATAGCACI	'AAGTGGGCAACO	CAAACACAAT	PAACCG	:	108
LpIRIPa.23	:	TGACATTGCAGGTC	BAAGCATAACCA	ATAGCACT	'AAGTGGGCAACC	דממסמסמממי	'A A CCC	•	108
LpIRIPa.24	: ;	TGACATTGCAGGTC	BAAGCATAACCAA	ATAGCACI	'AAGTGGGCAACC	CAAACACAAT	ים מ כיככ		108
LpIRIPa.25	:	TGACATTGCAGGTG	BAAGCATAACCA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	מבאב באר באת	A A C C C		108
LpIRIPa.26	:	TGACATTGCAGGTG	BAAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	TAAACACAAT	PACCC	:	108
LpIRIPa.27	:	TGACATTGCAGGTG	AAGCATAACCA?	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	CAAACACAAT	'A A C C G		108
LpIRIPa.28	:	TGACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	יע ער אר אר איז	יא א כיכיכ	:	108
LpIRIPa.29	:	TGACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	TAAACACAAT	ARCCC	:	108
LpIRIPa.30	:	TGACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	דמ מרמר מממ'	AACCC	:	108
LpIRIPa.31	:	IGACATIGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	יעעטאטעעעע.	AACCC		108
LpIRIPa.32	:	FGACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
	:	FGACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
LpIRIPa.34	٠,	rgacattgcaggtg	AAGCATAACCAA	ATAGCACT.	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
LpIRIPa.35	: }	rgacattgcaggi'g	AAGCATAACCAA	ATAGCACT.	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
	: [GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
LpIRIPa.37		GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
	: [GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
LpIRIPa.39 LpIRIPa.40		GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	108
LpIRIPa.40		GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT.	AACCG	:	106
LpIRIPa.41		GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACTA	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT.	AACCG	:	105
LpIRIPa.43		GACATTGCAGGTG	AAGCATAACCAA	ATAGCACT	AAGTGGGCAACC	AAACACAAT.	AACCG	:	101
LpIRIPa.44 :		GACATTGCAGGTG	AGCATAACCAA	ATAGCACTA	AGTGGGCAACC	AAACACAAT.	AACCG	:	101
LpIRIPa.45		GACATTGCAGGTG!	ACCATAACCAA	ATAGCACTY	AGTGGGCAACC.	AAACACAAT	AACCG	:	101
LpIRIPa.46	<u> </u>	GACATTGCAGGTG/	E-OCELEACCAA!	ALAGCACIA	AG1GGGCAACC	AAACACAAT	AACCG	:	95

*		* 980 * 1000 _ * 1020		
LpIRIPa.1	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	
LpIRIPa.2	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	1020
LpIRIPa.3	:	GGACCAATAACTATGTCAG	:	568
LpIRIPa.4	:	GGACCAATAACTATGTCAG	:	568
LpIRIPa.5	:	GGACCAATAACTATGTCAG	:	568
LpIRIPa.6	:	GGACCAATAACTATGTCAG	•	568
LpIRIPa.7	:	GGACC	:	554
LpIRIPa.8	:	GGACCAATAACTATGTCAG	;	568
LpIRIPa.9	:	GGACCAATAACTATGTCAGA	:	5 69 .
LpIRIPa.10	:	GGACCAATAACTATGTCA	:	567
LpIRIPa.11	:	GGACCAATAACTATGTC	:	566
LpIRIPa.12	:	GGACCAATAACTATGTCAG	:	568
LpIRIPa.13	:	GGACCAATAACTATGTCAG	:	568
LpIRIPa.14	:	GGACCAATAACTATGTCAG	:	568
LpIRIPa.15	:	GGACCAATAACTATGTC	:	566
LpIRIPa.16	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.17	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.18	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.19	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.20	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.21	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.22	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.23	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.24	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.25	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.26	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	. •	168
LpIRIPa.27	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.28	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.29	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.30	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.31	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTT"ICTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.32	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.33	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.34	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	168
LpIRIPa.35	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACACACTC	:	168
LpIRIPa.36	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	•	168
LpIRIPa.37	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTC	:	168
LpIRIPa.38	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTT7CTGGGAACCACACACTG	:	168
LpIRIPa.39	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTC	:	168
LpIRIPa.40	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATG'I'TGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	166
LpIRIPa.41	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	165
LpIRIPa.42	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACACACTG	:	161
LpIRIPa.43	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACACACTG	:	161
LpIRIPa.44	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	161
LpIRIPa.45	:	GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG	:	155
INTETES 46		AARGTRGTATCTCCGAACCACAACACTC	. :	28

		- 1040 * 1060 * 1080	1	
LpIRIPa.1	:	TCACATCCGGGAACAACGATGTTGTGTCTGGAAACCACACACA	5 -	1080
LpIRIPa.2	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACÑGTGTCTGGGACCAACC		1080
LpIRIPa.3	:			
LpIRIPa.4	:			_
LpIRIPa.5	:			_
LpIRIPa.6	:		:	_
LpIRIPa.7	:			_
LpIRIPa.8	:		:	_
LpIRIPa.9	:	#	•	_
LpIRIPa.10	:		:	_
LpIRIPa.11	:		•	_
LpIRIPa.12	:		•	_
LpIRIPa.13	:		:	_
LpIRIPa.14	:		•	_
LpIRIPa.15	:		•	_
LpIRIPa.16	:	TCACATCCGGGAACAACATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	•	228
LpIRIPa.17	;	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCCGCAACAACA	:	228
LpIRIPa.18	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGGACCAACA	-	228
LpIRIPa.19	:	PCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228
LpIRIPa.20	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCCTCTCTCCGGACCAACC	•	228
LpIRIPa.21	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCCGGACGAACA	•	228
LpIRIPa.22	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	•	228
LpIRIPa.23	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACGAACG	:	228
LpIRIPa.24	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCCTGTCTCGGGACGAACC	:	228
LpIRIPa.25	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGGACCAACC	÷	228
LpIRIPa.26	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGACCAACC	•	228
LpIRIPa.27	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCT		218
LpIRIPa.28	:	TUACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGGACGAACG	•	228
LpIRIPa.29	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228
LpIRIPa.30	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCCTGTCTGGGACCAACG	-	228
LpIRIPa.31	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	228
LpIRIPa.32	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACA		228
LpIRIPa.33	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGACCAACA	•	228
LpIRIPa.34	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACA	:	228
pIRIPa.35	: 1	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGAACAACA	;	228
pIRIPa.36	: 1	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTCGGGACCAACC	:	228
pIRIPa.37	: 1	CACATCCGGGAACAACATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	•	228
pIRIPa.38	: 1	CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCCTCTCTCCCACCAACA	:	228
pIRIPa.39	: 1	PCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACGTGTCTGGGACGAAG	:	228
pIRIPa.40	: 1	PCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTGTGGGACGAACC	:	226
pIRIPa.41	: !	CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTCTCTCCCCACCAACC	:	225
pIRIPa.42	: 1	CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACGAACCA	:	223
pIRIPa.43	: 2	CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACGAAGA	:	221
pIRIPa.44	: 1	CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	221
pIRIPa.45		CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACAACACCGTGTCTGGGACCAACC	•	215
pIRIPa.46 :	: [CACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACACACA	•	~T2

		* 1120 * 1140		
LpIRIPa.1	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGGGCC	:	1140
LpIRIPa.2	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	1140
LpIRIPa.3	:		:	-
LpIRIPa.4	:		÷	
LpIRIPa.5	:		:	_
LpIRIPa.6	:		:	_
LpIRIPa.7	:		:	-
LpIRIPa.8	;		:	-
LpIRIPa.9	:			_
LpIRIPa.10	:		:	-
LpIRIPa.11	:		:	-
LpIRIPa.12	:		:	· -
LpIRIPa.13	:		:	
LpIRIPa.14	:		:	_
LpIRIPa.15	:		:	_
LpIRIPa.16	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.17	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.18	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.19	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.20	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.21	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.22	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.23	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.24	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.25	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.26	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.27	:		:	-
LpIRIPa.28	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.29	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	2	288
LpIRIPa.30		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.31		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.32		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.33		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.34		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.35		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.36		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.37		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.38		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.39		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	288
LpIRIPa.40		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	286
LpIRIPa.41		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	285
LpIRIPa.42	:	ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	281
LpIRIPa.43		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	281
LpIRIPa.44		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	281
LpIRIPa.45		ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC	:	275
INTRIDE 46	.	Δ TGTTGT Δ Δ CTGT Δ Δ C Δ CC Δ TCTCCC Δ Δ CT Δ Δ CC Δ Δ CTGT Δ CTCCC Δ CCC	_	140

		* 1160		
LpIRIPa.1	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTA1'CTGGAA		1200
LpIRIPa.2	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA		1200
LpIRIPa.3	:		:	
LpIRIPa.4	:		:	_
LpIRIPa.5	:			_
LpIRIPa.6	:		:	_
LpIRIPa.7	:		:	-
LpIRIPa.8	:		:	_
LpIRIPa.9	:		:	_
LpIRIPa.10	:		:	_
LpIRIPa.11	:		:	_
LpIRIPa.12	:		:	_
LpIRIPa.13	:		:	_
LpIRIPa.14	:		:	_
LpIRIPa.15	:		:	_
LpIRIPa.16	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.17	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.18	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.19	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.20	:	${\tt ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA}$:	348
LpIRIPa.21	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCT	:	323
LpIRIPa.22	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.23	:	${ t ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA}$:	348
LpIRIPa.24	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.25	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.26	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.27	:		:	-
LpIRIPa.28	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.29	:	ATCATAAAGTATCTGCAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.30	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.31	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.32	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.33	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.34	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.35	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.36	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.37		ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
LpIRIPa.38	€.	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
pIRIPa.39	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	348
pIRIPa.40	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	346
pIRIPa.41	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	345
pIRIPa.42	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	341
pIRIPa.43	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	341
pIRIPa.44	:	atcataaagtatctggaggccacaatactgtatctggagccacaataccgtatctggaa	:	341
•		ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA	:	335
pIRIPa.46	: !	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA		200

		1220		
LpIRIPa.1	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACTGCATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG		1260
LpIRIPa.2	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAC	:	1260
LpIRIPa.3	:		:	_
LpIRIPa.4	:		:	_
LpIRIPa.5	:		:	_
LpIRIPa.6	:		:	_
LpIRIPa.7	:		:	_
LpIRIPa.8	:	~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~	:	-
LpIRIPa.9	:		:	-
LpIRIPa.10	:		:	_
LpIRIPa.11	:		:	_
LpIRIPa.12	:		:	٠_
LpIRIPa.13	:		:	
LpIRIPa.14	:		:	_
LpIRIPa.15	:		:	_
LpIRIPa.16	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.17	:	GCCACAACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.18	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.19	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.20	:	GCCACAACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.21	:		:	_
LpIRIPa.22	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.23	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.24	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.25	:	GCCACAACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.26	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACCTCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAC	:	408
LpIRIPa.27	:		:	٠ _
LpIRIPa.28	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.29	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.30		GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAC	:	408
LpIRIPa.31	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.32		GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.33	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.34	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAC	:	408
LpIRIPa.35	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	•:	408
LpIRIPa.36	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.37		GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.38	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.39	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	408
LpIRIPa.40	: (GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	406
LpIRIPa.41	: (GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	405
	: {	GCCACAACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	401
LpIRIPa.43	: {	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	401
LpIRIPa.44	: }	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	•	401
LpIRIPa.45	:	GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG	:	395
LpIRIPa.46	: (GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG		268

		* <u>1280</u> * 1300 * 1320		
LpIRIPa.1	:	* 1280 * 1300 * 1320 GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCC	:	1298
LpIRIPa.2	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCC	:	1298
LpIRIPa.3	:		• :	_
LpIRIPa.4	I		:	-
LpIRIPa.5	:		:	-
LpIRIPa.6	:		:	-
LpIRIPa.7	:		:	-
LpIRIPa.8	:		:	_
LpIRIPa.9	:		:	_
LpIRIPa.10	:		:	
LpIRIPa.11	:		:	-
LpIRIPa.12	:		:	-
LpIRIPa.13	:		:	-
LpIRIPa.14	:		:	_
LpIRIPa.15	•		•:	-
LpIRIPa.16	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.17	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.18	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.19	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.20	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.21	:		:	-
LpIRIPa.22	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.23	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.24	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.25	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.26	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTÄCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.27	:		:	-
LpIRIPa.28	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.29	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.30	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.31	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.32	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.33	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.34	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.35	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.36	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.37	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.38	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCC1TGTC	:	468
LpIRIPa.39	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	468
LpIRIPa.40	:	JAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	466
LpIRIPa.41	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	465
LpIRIPa.42	:	JAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	461
LpIRIPa.43	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	461
LpIRIPa.44	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	461
LpIRIPa.45	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	455
LoIRIPa.46	•	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC		328

PCT/AU2004/001633

WO 2005/049835

73/108

		* 1340 * 1360 * 1380		
LpIRIPa.1	:	1340 7 1360 7 1380	:	_
LpIRIPa.2	:		:	_
LpIRIPa.3	:		:	_
LpIRIPa.4	:		:	-
LpIRIPa.5	:		:	-
LpIRIPa.6	:		:	-
LpIRIPa.7	:		:	_
LpIRIPa.8	:		:	-
LpIRIPa.9	:		:	_
LpIRIPa.10	:		:	_
LpIRIPa.11	:	~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~	:	-
LpIRIPa.12	:		:	-
LpIRIPa.13	:		:	
LpIRIPa.14	:		:	_
LpIRIPa.15	:		:	-
LpIRIPa.16	:	${\tt CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA}$:	528
LpIRIPa.17	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCG1'GGA	:	528
LpIRIPa.18	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.19	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.20	:	${\tt CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA}$:	528
LpIRIPa.21	:		:	-
LpIRIPa.22	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.23	:	${\tt CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA}$:	528
LpIRIPa.24	:	CAAGCTGGGTGTAG	:	482
LpIRIPa.25	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	. : .	528
LpIRIPa.26	1	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.27	:		:	<u>-</u>
LpIRIPa.28	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	: '	528
LpIRIPa.29	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.30	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	•	528
LpIRIPa.31	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa:32	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCC	:	524
LpIRIPa.33	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.34 LpIRIPa.35	•	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
Lpikipa.35 Lpikipa.36	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGCCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.37	•	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.37	:	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.39	•	CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	528
LpIRIPa.39 LpIRIPa.40		CAAGC I GGG I G I AGC I AAA I A I CACT I GG I GGGGCCAAT GGCG I TATG I AACT I CGT GGA CAAGC I GGG I G I AAA I A I CACT I GG I GGGGCCAAT GGCG I TATG I AACT I CGT GGA	:	528
Lpiripa.40 Lpiripa.41		CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCCTGGA	:	526
LpIRIPa.41 LpIRIPa.42		CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:.	525
LpIRIPa.42 LpIRIPa.43		CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	521
Lpikipa.43 Lpikipa.44		CAAGC TGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	521
LpIRIPa.45		CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	521
Lpiripa.45 Lpiripa.46		CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	515
UV1KIP4.40		<u>(2021-2012-2012-2013-2013-2013-2013-2013-</u>	7	388

		*		
LpIRIPa.1	:		- :	_
LpIRIPa.2	:		- :	-
LpIRIPa.3	:		- :	_
LpIRIPa.4	:		- :	_
LpIRIPa.5	:		. :	-
LpIRIPa.6	:	and the second s	. :	_
LpIRIPa.7	:		. :	_
LpIRIPa.8	:			_
LpIRIPa.9	:			_
LpIRIPa.10	:			_
LpIRIPa.11	:		:	_
LpIRIPa.12	:		•	_
LpIRIPa.13	:		:	-
LpIRIPa.14	:		:	· -
LpIRIPa.15	:		:	-
LpIRIPa.16	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.17	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.18	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.19	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.20	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.21	:		:	· -
LpIRIPa.22	:	TATAGCATCAC	:	. 539
LpIRIPa.23	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.24	:		:	••
LpIRIPa.25	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.26	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.27	:		:	-
LpIRIPa.28	:	TATAGCATCAC	:	53 <i>9</i>
LpIRIPa.29	:	TATAGCATCAC	÷	539
LpIRIPa.30	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.31	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.32	:		:	-
LpIRIPa.33	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.34	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.35	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.36	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.37	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.38	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.39	:	TATAGCATCAC	:	539
LpIRIPa.40	:	TATAGCATCAC	:	537
LpIRIPa.41	:	TATAGCATCAC	:	536
LpIRIPa.42	:	TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.43	:	TATAGCATCAC	:	532
LpIRIPa.44	:	TATAGCATCAC	:	532
-	:	TATAGCATCAC	:	526
LpIRIPa.46	:	TATAGCATCAC	:	399

			20	*	40	*	60		
TDTD:	_	* CCGGGCTGGTAAAAG	GTTTACGAAAT	agttgtta	TTAAACTATA	TATGTTCATG	raact :		60
pirira .	٠	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,					•		
				4	100	*	120		
		* TATTTCAATATAATT.	80 ~ ሙਾਜ਼ਾਟਾਜ਼ਾਨ ਜ਼ਾਜਨ <i>C</i>	AGCAGAAA	ATCATTATT!	CTATTACTTT	GTATT	:	120
LpIRIPa :	P	ATATTTCAATATAATT	Alligialiac	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,					•
		*	140	*	160	⋆ ™×™™™™™™™™™™	180 TCCCA	•	180
LpIRIPa :	I	* DADTTTTGTTTTGAG	TGTTGTAAAAT	TGGGAAT"	ACAACTATA	MAILLICGIA	IGGGA	•	200
-									·
		•	200	*	-220	*	240		
	. 1	* ACAATTTGTTAATTTT	TGTGTCTCTCT	TTCTCTTC	CATAGCTAGC'	IGACAGCGAGA	ACAAA	:	240
PDIKIPA :	-	ACCUSATION						٠	
					280	*	300		
		* AACCAAGATCTAATTG	260	* የመአርመአርጥ(ZOU TGACCACCCA	TGCATGCTTAC	ATAAG	:	300
LpIRIPa :	: 7	AACCAAGATCTAATTG	TGGAAGTAGAC	TAGIAGI	CGACCARCO				
							٠.		
		*	320	*	340	*	360		262
tinTRTPa		* AAAACACACGCACTAT	PARGATTGGATG	CACCACC	CAAGCACTAT	AAAAAGGATGO	ACCAC	:	360
TPINEL -									
			380		400	*	420		
		* CTAAGCAATTTTTGCC	380 የጋድሮሮሮሮሮር	ACTTGTTT	GCATTCAAAA	AGAAAATCTT	CATAG	:	420
LpIRIPa	:	CTAAGCAATIIIIGCC	Andricocco.						
		*	440	*	460	*	480		480
LpIRIPa	:	CTGAACCAATGGAGA	AAAGTTGGTTC:	TTGCTCCT	TTTCTTGGCG	TICCICCIGC	CGGCGG	•	100
-									
		•	500	*	520	*	540		÷
	_	*CGAGCGTGGCGGTGTC	CATGCCACCCT	GATGACCT	CCTTGCACTC	CGCGGGTTCG	CCGGTA	:	540
гртктья	•	COMOCCIOCOCC							
					500		600		
		*	560	* ~~~~~~~	580 .c.r.c.c.c.c.c.c.a.c	"AACTCTTGCT		:	600
LpIRIPa	:	ATCTCAGCAATGGGG	GCGTGCTCCTC	CAIGCCAA	G166ccccux				
						•			
		*	620	*	640	* 	660	_	660
LDIRIPA	:	* GGGAAGGTGTGGGAT	GCGACGGCGGA	AGCGGCCG	TGTCACTAC	STIGIGGCICC	CIGGGC	•	800
			680	*	700	*	720		
		ATGGACTCGCAGGCC	ACATCCCAACA	GCATCCTI	CGCTGGCCT	TGCACGGCTGG	AGTCGC	:	720
гртктъя	•	AIGGACICCCHOCOC	••••						
							780		
		*	740	*	760	ዼኯኯኯዼዼኯዼኯዼ ፟	TTGACC		780
${ t LpIRIPa}$:	* TCAACCTCGCCAACA	ACAAACTGGTC	JGCACAA'	LCCCATCITG	CHILOGICACC			
				•		•			
		*	800	*	820	*	840		
בסדסדמה	•	ACCTTTGCTACTTGG	ATCTCTCAAAT	AATTCAT:	rggttggtga	GATACCAAAG!	OATTTAL	: :	840
-Lukare	•				•				
					880	*	900)	
		* nnataaggctcaggi	860 ************************************	- ጉርታጥጥርታርታጥር (GTTCACTGGG	CATGGCTTCC	ACTAACA	٠.	900
7 - YD TD-		TULIAL TO SHOULD A COLOR							

t.~TDTDa		TGACATTGCAGGTGAAGCATAACCAAATAGCACTAAGTGGGCAACCAAACACAATAACCG	:	960
DDIKILA	•	,		
		* 980 * 1000 * 1020		
LpIRIPa	:	${\tt GGACCAATAACTATGTCAGATCTGGGGTCAACAATGTTGTTTCTGGGAACCACAACACTG}$:	1020
		* 1040 * 1060 * 1080		
LpIRIPa	:	TCACATCCGGGAACAACAATGTTGTGTCTGGAAACCACACACCGTGTCTGGGACCAACC	:	1080
- TDIDA		* 1100 * 1120 * 1140 ATGTTGTAACTGGTAACAACCATGTCGTAACAAGGAACCAGAATACTGTATCTGGGAGCC		1140
гртктья	:	WIGI I GIANCI GOIN CANCALO I COLONIO CANCALO CANCALO CONTROL CANCALO CONTROL CANCALO C	•	
		* 1160 * 1180 * 1200		
LpIRIPa	:	ATCATAAAGTATCTGGAGGCCACAATACTGTATCTGGGAGCCACAATACCGTATCTGGAA		1200
-				
		* 1220 * 1240 * 1260		
LpIRIPa	:	${\tt GCCACAACACAGTATCTGGGAGCAACCACATCGTACATGGGAACAACAAAGTCGTGACAG}$:	1260
		* 1280 * 1300 * 1320		1220
LpIRIPa	:	GAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCACGTCCTTGTC	:	1320
I.nTDTDa		* 1340 * 1360 * 1380 CAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAACTTCGTGGA	:	1380
opana a	•		٠	
		*		
I.DTDTDa		TATAGCATCAC : 1391		

LpIRIPa	:	MEKSWFLLLFLAFLLPAASVAVSCHPDDLLALRGFAGNLSNGGVLLHAKWPDNSCCSWEG	:	60
LpIRIPa	:	* 80 * 100 * 120 VGCDGGSGRVTTLWLPGHGLAGHIPTASLAGLARLESLNLANNKLVGTIPSWIGVLDHLC	:	120
LpIRIPa	:	* 140 * 160 * 180 YLDLSNNSLVGEIPKNLQIRLRCLNIVGRSLGMASTNMTLQVKHNQIALSGQPNTITGTN	:	180
LpIRIPa	:	* 200 * 220 * 240 NYVRSGVNNVVSGNHNTVTSGNNNVVSGNHNTVSGTNHVVTGNNHVVTRNQNTVSGSHHK	:	240
LpIRIPa	:	* 260 * VSGGHNTVSGSHNTVSGSHNTVSGSNHIVHGNNKVVTGG : 279		

```
· 40
                                                                                  60
                                    20
                CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGC'TCC'TTTTCTTGACGTTCC'ICC
                                                                                         60
LpIRIPb.1
                \tt CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTTTTGACGTTCCTCC
                                                                                         60
LpIRIPb.2
               CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCTCC
CTTACATAGCTGAACCAATGGAGGAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCTCC
CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTTCTTGGCGTTCCTCC
                                                                                         60
LpIRIPb.3
                                                                                         60
LpIRIPb.4
                                                                                         60
LpIRIPb.5
               CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTT'ICTTGGCGTTCCTCC
                                                                                         60
LpIRIPb.6
                CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCTCC
                                                                                         60
LpIRIPb.7
                CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGGCGTTCCTCC
                                                                                         60
LpIRIPb.8
               CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCTCC
                                                                                         60
LpIRIPb.9
                {\tt CTTACATAGCTGAACCAATGGAGAAAAGTTGGTTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCTCC}
                                                                                         60
LpIRIPb.10
               60
LpIRIPb.11 :
                                                                                         44
LpIRIPb.12 :
                                           TTCTTGCTCCTTTTCTTGACGTTCCTCC
                                                                                         28
LpIRIPb.13 :
                                                                                          2
LpIRIPb.14
LpIRIPb.15
LpIRIPb.16
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
LpIRIPb.1
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                        120
LpIRIPb.2
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                        120
LpIRIPb.3
               TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGÄCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                        120
LpIRIPb.4
                                                                                        120
LpIRIPb.5
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGCI
                                                                                        120
LpIRIPb.6
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                        120
LpIRIPb.7
                                                                                        120
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
LPIRIPb.8
                TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                      : 120
LpIRIPb.9
                {\tt TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCCTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT}
                                                                                        120
LpIRIPb.10
               TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGGCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                        120
LpIRIPb.11
                                                                                        104
LpIRIPb.12
                                                                                         88
LpIRIPb.13
               TGCCGGCGGCGAGCGTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                         62
LpIRIPb.14
                     GTGGCGGTGTCGTGCCACCCTGATGACCTCCTTGCACTGCGCGGGT
                                                                                          46
LpIRIPb.15
LpIRIPb.16
                                                                                 180
                                                          160
                                   140
               TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                      : 180
LpIRIPb.1
                	t TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.2
                TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
                                                                                      :
LpIRIPb.3
               TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTÄCGGCAACTCTT
TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.4
                                                                                        180
LpIRIPb.5
                	ext{TCGCC} 	ext{GGTAATCTCAGCAATGGGGG} 	ext{CGTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT}
                                                                                        180
LpIRIPb.6
                TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.7
               TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.8
                	t TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.9
                TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.10
                TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                        180
LpIRIPb.11 :
                TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGT¦CCGCAACTCTT
                                                                                        164
LpIRIPb.12
                TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT
                                                                                         148
LpIRIPb.13
               {	t TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT}
                                                                                         122
LpIRIPb.14
                	exttt{TCGCCGGTAATCTCAGCAATGGGGGCGTCCTCCTCCATGCCAAGTGGTTCGGCAACTCTT}
                                                                                         106
LpIRIPb.15
LpIRIPb.16
```

FIGURE 29

				200		220		240	
	_	COMORAC	nacan i		COCT CCCCC	220 GAAGCGGCCGT	CTCA CTA CT		- 240
LpIRIPb.1	•								: 240
LpIRIPb.2	•					ENAGCGGCCGT EAAGCGGCCGT			: 240 : 240
LpIRIPb.3	:					GAAGCGGCCGT			
LpIRIPb.4	:						7445	6.3	: 240
LpIRIPb.5	:					BAAGCGGCCGT			: 240
LpIRIPb.6	:					GAAGCGGCCGT			: 240
LpIRIPb.7	:					SAAGCGGCCGT			: 240
LpIRIPb.8	:					GAAGCGGCCGT			: 240
LpIRIPb.9	:					GAAGCGGCCGT			: 240
LpIRIPb.10	:					SAAGCGGCCGT			: 240
LpIRIPb.11	:					BAAGCGGCCG'I			: 240
LpIRIPb.12	:					BAAGCGGCCGT(: 224
LpIRIPb.13	:					SAAGCGGCCGT(: 208
LpIRIPb.14	:					BAAGCGGCCGT			: 182
LpIRIPb.15	:	GCTGTAG'	PTGGGAA	GGTGTGGGAT	GCGACGGCGC	PAAGCGGCCGT	GTCACTACT	TTATGGC	: 166
LpIRIPb.16	:								: -
			*	260	*	280	*	300	
LpIRIPb.1	:					CAGCATCCTTG			: 300
LpIRIPb.2	:					CAGCATCCTTG			: 300
LpIRIPb.3	:					CAGCATCCTTG			: 300
LpIRIPb.4	:	TCCGTGG	JCATGGA	CTCGCAGGCC	ACATCCCAAC	CAGCATCCTTG	GCTGGCCTT	GCACGGC	: 300
LpIRIPb.5	:					CAGCATCCTTG			300
LpIRIPb.6	:					CAGCATCCTTG			: 300
LpIRIPb.7	:	TTCGTGG	ECATGGA	CTCGCAGGCC?	ACATCCCAAC	CAGCATCCTTG	GCTGGCCTT	GCACGGC	300
LpIRIPb.8	:	TECGTGG	CATGGA	CTCGCAGGCC	ACATCCCAAC	CAGCATCCTTG	GCTGGCCTT	GCACGGC :	: 300
LpIRIPb.9	:	TCCGTGG	CATGGA	CTCGCAGGCC?	ACATCCCAAC	CAGCATCCTTG	GCTGGCCTT	GCACGGC :	: 300
LpIRIPb.10	:	TCCGTGG	CATGGA	CTCGCAGGCC	ACATCCCAAC	AGCATCCTTG	GCTGGCCTT	GCACGGC :	: 300
LpIRIPb.11	:	TCCGTGGC	CATGGA	CTCGCAGGCCA	ACATCCCAAC	AGCATCCTTC	CTGGCCTT	GCACGGC :	300
LpIRIPb.12	:	TCCCTGG	CATGGA	CTCGCAGGCC	CATCCCAAC	CAGCATCCTTG	GCTGGCCTT	GCACGGC	284
LpIRIPb.13	:	TCCGTGGC	CATGGA	CTCGCAGGCC	ACATCCCAAC	AGCATCCTTG	CTGGCCTT	GCACGGC :	268
LpIRIPb.14	:	TTCGTGGC	CATGGA	CTCGCAGGCCA	CATCCCAAC	CAGCATCCTTG	SCTGGCCTT	GCACGGC :	242
LpIRIPb.15	:	THCGTGGC	CATGGA	CTCGCAGGCCA	ACATCCCAAC	AGCATCCTTG	CTGGCCTT	GCACGGC :	226
LpIRIPb.16	:								: -
-									
			*	320	*	340	*	360	
LpIRIPb.1	:	TGGAGTCG	CTCAAC	CTCGCCAACAA	CAAACTGGT	CGGCACAATC	CCATCATGG	ATGGGTG :	360
LpIRIPb.2	:	TGGAGTCG	CTCAAC	CTCGCCAACAA	CAAACTGGT	CGGCACAATC	CCATCATGG	ATGGGTG :	360
LpIRIPb.3	:	TGGAGTCG	CTCAAC	CTCGCCAACAA	CAAACTGGT	'CGGCACAATC	CCATCATGG.	ATGGGTG :	360
LpIRIPb.4	:	TGGAGTCG	CTCAAC	CTCGCCAACAA	CAAACTGGT	CGGCACAATC	CCATCTTGG	ATTGGTG	360
LpIRIPb.5	:	TGGAGTCG	CTCAAC	CTCGCCAACAA	CAAACTGGT	'CGGCACAATC	CATCATGG	ATGGGTC :	360
LpIRIPb.6	:	TGGAGTCG	CTCAAC	CTCGCCAACAA	CAAACTGGT	'CGGCACAATCO	CCA'TCATGG	ATGGGTG:	360
LpIRIPb.7	:					CGGCACAATC			360
LpIRIPb.8						CGGCACAATC			360
LpIRIPb.9						CGGCACAA'ICC			360
LpIRIPb.10						CGGCACAATC			360
LpIRIPb.11	- 1					CGGCACAATC		-	360
LpIRIPb.12						CGGCACAATC			344
LpIRIPb.13						CGGCACAATC			328
LpIRIPb.14						CGGCACAATC			302
LpIRIPb.15						CGGCACAATC		-	286
LpIRIPb. 16	-								
	-							•	

	*	380	*	400	*	420		
LpIRIPb.1 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA	TAATTCATTGO	TTCGTGAGA	TACCCA :	4	120
LpIRIPb.2 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA!	FAATTCATTG C	TTGGTGAGA'	TACCCA:	4	120
LpIRIPb.3 :	TCCTTCACCACCTT	TGCTACTTGGA	TCTCTCAAA'	PAATTCATTGO	TTGGTGAGA'	TACCCE:	_	120
LpIRIPb.4 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	CTCTCAAA'	PAATTCATTG(T'TGGT'GAGA'	TACCCA:	_	120
LpIRIPb.5 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA	TCTCTCAAA'	PAATTCATTG(TTGGTGAGA	TACCCA:	4	120
LpIRIPb.6 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA'	raattcattg(STTGGTGAGA'	TACCCA:	: 4	120
LpIRIPb.7 :	TECTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA'	raattcattg(STTGGTGAGA	TACCCA:	4	120
LpIRIPb.8 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA'	raattcattg(STTGCTGAGA		: 4	120
LpIRIPb.9 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA	CTCTCAAA'	PAATTCATTGO	FTTGGTGAGA	TACCCA:	. 4	120
LpIRIPb.10 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA?	FAATTCATTG(STTGGTGAGA	TACCCA:	: 4	120
LpIRIPb.11 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	ICTCTCAAA'	PAATTCATTG(STTCGTGACA	TACCCA:	: 4	120
LpIRIPb.12:	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	CTCTCAAA'	TAATTCATTG(STTGGTGAGA	TACCCA:	: 4	104
LpIRIPb.13 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA'	['AATTCATTG(FTTGGTGAGA	TACCCA		388
LpIRIPb.14 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA'	FAATTCATTGO	STTGGTGAGA	TACCCA	_	362
LpIRIPb.15 :	TGCTTGACCACCTT	TGCTACTTGGA'	TCTCTCAAA'	FAATTCATTG	STTGGTGAGA	TACCCA:	: 3	346
LpIRIPb.16 :							:	-
								
	•		_			450		
	*	440	*	460	* ************************************	480	: 4	180
LpIRIPb.1 :	AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTCG	CCCCAACAT	TATICGICAL.	CACIGGGIA	CCCCTT	-	480
LpIRIPb.2 :	AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAGCAT	TATIGGICAL.	LCACIGGGIA PCACTCCCTA	CCCCTT	-	480
LpIRIPb.3 :	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAACAT"	IAITGGICAL.	LCACIGGGIA LCACIGGGIA	CCCCTT		480
LpIRIPb.4 :	AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAACA1	TGIIGGICAI.	PCACTGGGTA	CCCCTT		480
LpIRIPb.5 :	AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAACAT"	TGTTGGTCAT.	reactedera	CCCCTT	-	480
LpIRIPb.6 :	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAACAT	TGTTGGTCAL.	PCACIGGIA PCACTGGGTA	CCCCTT		480
LpIRIPb.7:	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAACAT	TGTTGGTCAT.	rCACIGGGIA rCACTGGGTA	CCCCTT	-	480
LpIRIPb.8 :	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG	CCCCAACAT	TGTTGGTCAT.	rCACIGGGIA rCACTGGGTA	CCCCTT		480
LpIRIPb.9 :	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTIG	CCCCAACAI	TATTGGTCAT	ATODOTOADT ATODOTOADT	CGGCTT		480
LpIRIPb.10 :	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTIG	CCCCAACAT CCCCAACAT'	TATTOOTCAT.	PCACTGGGTA	CGGCTT		480
LpIRIPb.11 :	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCICAGIIG ACCCTCAGTIC	CCCCAACAT CCCCAACAT	TGTTCCTCAT'	TCACTGGGTA	CGGCTT		464
LpIRIPb.12:	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG AGGCTCAGTTG	CCCCAACAT'	TÄTTGGTCAT"	rcactgggta	CGGCTT		448
LpIRIPb.13 :	AGAATTTACAGAGA	ACCOTONGTTC:	CCCCAACAT'	TGTTGGTCAT	TCACTGGGTA	CCCCTT	: 4	422
LpIRIPb.14:	AGAATTTACAGAGA AGAATTTACAGAGA	AGGCTCAGTTG AGGCTCAGTTG	TADAADDOO	TGTTGGTCAT'	TCACTGGGTA	CGGCTT		406
LpIRIPb.15 :	ACA:		CCTCAACAT	CGTTGGTCAT'	ICACTGGGTA	CGGCTT	:	39
LpIRIPb.16 :								
	*	500	*	520	*	540		
LpIRIPb.1 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.2 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA	-	540
LpIRIPb.3 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAAG	GCATAACCA	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.4 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG	AGTGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.5 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA(GCATAACCA	AATAGCACTG	AGTGGGCAAC	CAAACE		540
LpIRIPb.6 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA	AATAGCACTG.	AG'IGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.7 :	CCACTAACATGCCA'	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA	-	540
LpIRIPb.8 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.9 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.10 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA(GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC			540
LpIRIPb.11 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA		540
LpIRIPb.12 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA	-	524
LpIRIPb.13 :	CCACTAACATGCCA	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AVAIVAGE ACTIG	AGTGGGCAAC	CAAACA	-	508
LpIRIPb.14 :	CCACTAACATGCCA	PTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGTGGGCAAC	CAAACA	-	482
LpIRIPb.15 :	CCACTAACATGCCA'	TTGCAGGTGAA	GCATAACCA.	AATAGCACTG	AGTGGGCAAC	CAAACA	:	466
LpIRIPb.16 :	CCACTAACATGCCA	rtgcaggtgaa(GCATAACCA.	AATAGCACTG.	AGT'GGGCAAC	CAAACA	:	99

FIGURE 29 (cont.)

		*	560	*	580	*	600	
LpIRIPb.1		CAATAACCGGGACCA	ATAACTATGTC	AG				: 568
LpIRIPb.2		CAATAACCGGGACCA	VATAACTATGTC	4G				. 568
LpIRIPb.3		CAATAACCGGGACCA						: 568
LpIRIPb.4		CAATAACCGGGACCA						. 568
LpIRIPb.5		CAATAACCGGGACCA	ATAACTATGTC	AG				: 568
LpIRIPb.6			ATAACTATGTC	46				· -
LpIRIPb.7			ATAACTATGTC	\G				568
LpIRIPb.8			ATAACTATCTC	\C				568
LpIRIPb.9	Ţ,	CAATAACCGGGACCA	ATAACIAIGICA	CAID				568
LpIRIPb.10		CAATAACCGGGACCA						570
LpIRIPb.11			ATAMOTATOR					568
LpIRIPb.12		CAATAACCGGGACCA	ATAACTATUTC	G.				569
LpIRIPb.13		CAATAACCGGGACCA	ATMACIMICICE				:	552
LpIRIPb.13		CAATAA	AIAACIAIGICA					536
LpIRIPD.15		CAATAACCGGGACCA	ACAACTAUCECE					488
LpIRIPD.15		CAATAACCGGGACCA	ATAACTATGTCA					494
DPIKIPD.10	•	CAATAACCGGGACCA	ATAACTATGTCA	GATCIC	GGGTCAACAATG	THETENICAE	GGAACC:	159
		*	620	*	~ ~ ~ ~			
LpIRIPb.1					640	*	660	
LpIRIPb.2	:						:	_
LpIRIPb.3							:	-
LpIRIPb.4	•						:	-
-	•						:	-
LpIRIPb.5	:						:	~
LpIRIPb.6	:						:	
LpIRIPb.7	:						:	-
LpIRIPb.8	:						:	_
LpIRIPb.9	:						:	-
LpIRIPb.10	:						;	_
LpIRIPb.11	:						:	, ° –
LpIRIPb.12	:						:	-
LpIRIPb.13	:						:	_
LpIRIPb.14	:						:	-
LpIRIPb.15	:						:	-
LpIRIPb.16	:	ACAACACTGTCACATC	CGGGAACAACA	ATGTTG	TGTCTGGGAACC	ACAACACCG'	IGTCTG:	219
			600					
ImTUTUb 1	_	*	680	*	700	*	720	
LpIRIPb.1	•						:	-
LpIRIPb.2	:						:	-
LpIRIPb.3	:						:	-
LpIRIPb.4	:						:	_
LpIRIPb.5	:						:	-
LpIRIPb.6	:							_
LpIRIPb.7	:						:	-
LpIRIPb.8	:						:	-
LpIRIPb.9	:						:	
LpIRIPb.10	:						:	_
LpIRIPb.11	:						:	-
LpIRIPb.12	:			· - 			:	_
LpIRIPb.13	:							· · -
LpIRIPb.14	:							_
LpIRIPb.15	:							_
LpIRIPb.16	:	GGACCAACCATGTTGT/	AACTGGTAACAA	CCATGT	CGTAACAAGGAA	CCAGAATAC	CGTAT:	279

		<u>.</u> -	740		760	_		
r rn rnh 1		*	740		760	*	780	
LpIRIPb.1	•					 -		
LpIRIPb.2	•							: -
LpIRIPb.3	•							-
LpIRIPb.4 LpIRIPb.5	•							•
								•
LpIRIPb.6	•							: -
LpIRIPb.7	•							-
LpIRIPb.8	:							-
LpIRIPb.9	•							-
LpIRIPb.10	•							-
LpIRIPb.11	:							: -
LpIRIPb.12	-							-
LpIRIPb.13	:							: -
LpIRIPb.14	•							-
LpIRIPb.15	:	CTGGGAGCCATCATAAAG						: -
LpIRIPb.16	:	CIGGGAGECATCATAAAG	TATCIGGAGGC	CACAATAC	TGTATCTGGGA	CCACAA'I A	(CCC	339
•		* 8	00	*	820	*	840	
LpIRIPb.1			· -				5-20	
LpIRIPb.2	•							_
LpIRIPb.3	:							_
LpIRIPb.4	:							_
LpIRIPb.5	•						:	
LpIRIPb.6	•							_
LpIRIPb.7	•							_
LpIRIPb.8	:							
LpIRIPb.9	:							_
LpIRIPb.10	:							_
LpIRIPb.11	:						;	_
LpIRIPb.12	:						:	_
LpIRIPb.13	:							_
LpIRIPb.14	:					-		_
LpIRIPb.15	:							_
LpIRIPb.16	:	TATCTGGAAGCCACAACA	CAGTATCTGGG	AGCAACCA	CGTCGTACACGC	GAACAACA	AAG :	399
-				•				
		,* 8·	60 *	٤ ` (380	*	900	
LpIRIPb.1	:						:	-
LpIRIPb.2	:						:	-
LpIRIPb.3	:						:	-
LpIRIPb.4	:						:	-
LpIRIPb.5	:						:	-
LpIRIPb.6	:						:	-
LpIRIPb.7	:			·			:	-
LpIRIPb.8	:						:	-
LpIRIPb.9	:						;	-
LpIRIPb.10	:						:	-
LpIRIPb.11	:						:	-
	:						:	-
	:						:	-
LpIRIPb.14	:						:	-
	:						:	_
LpIRIPb.16	:	TCGTGACAGGAGGTTAACA	ATCTATAGAGA	ATTGTTTC	CATATTCCCTA	ACGGAGTT	CAC :	459

		*	920		*	940	*	960		
LpIRIPb.1	:								:	-
LpIRIPb.2	:								:	-
LpIRIPb.3	:								•	_
LpIRIPb.4	:								: .	-
LpIRIPb.5	:								:	-
LpIRIPb.6	:								:	-
LpIRIPb.7	:								:	_
LpIRIPb.8	:								:	-
LpIRIPb.9	:								:	-
LpIRIPb.10	:								:	-
LpIRIPb.11	:								:	-
LpIRIPb.12	:								:	٠-
LpIRIPb.13	:								:	-
LpIRIPb.14	:								:	-
LpIRIPb.15	:								:	_
LpIRIPb.16	:	GTCCTTGTCCAAGCTGC	GTGTA	GCTAAA1	PATCACTTO	GTGGGGCCAAT	GCGTTAT	G'TAA	:	519
							•			
		*	000							
raththb 1			980							
LpIRIPb.1	:			_						
LpIRIPb.2	:		:	-						
LpIRIPb.3 LpIRIPb.4	•		:	_						
LpIRIPD.4	•			_						
	:			-		•				
LpIRIPb.6 LpIRIPb.7			:							
LpIRIPD.7	•			_			*			
LpIRIPb.9			:							
	•			_						
LpIRIPb.10 LpIRIPb.11	•			_						
	•			_						
LpIRIPb.12	:		:	-						
LpIRIPb.13	:		:	_						
LpIRIPb.14			:	_						
LpIRIPb.15	:	CTTCGTGGATATAGCAT		E30				-		
LpIRIPb.16	:	CITCGIGGATATAGCAT	CAC	539						

LpIRIPb	:	CTTACAT	* AGCTGAAC	20 CAATGGAGAAAA	* GTTGGTTC	40 PTGCTCCTTTT	* CTTGACGTT	60 CCTCC	:	60
LpIRIPb	:	TGCCGGC	* GGCGAGCG	80 TGGCGGTGTCGT	* GCCACCCT	100 GATGACCTCCT	* TGCACTGCG(120 CGGGT	:	120
LpIRIPb	:	TCGCCGG	* TAATCTCA	140 GCAATGGGGGCG	* ICCTCCTC(160 CATGCCAAGTG	* GTTCGGCAAC	180 CTCTT	:	180
LpIRIPb	:	GCTGTAG	* TTGGGAAG	200 GTGTGGGATGCGA	* ACGGCGGAI	220 AGCGGCCGTGTC	* CACTACTTT	240 ATGGC	:	240
LpIRIPb	:	TCCGTGG	* GCATGGAC	260 ICGCAGGCCACA1	* FCCCAACA(280 GCATCCTTGGCT	* IGGCCTTGC#	7CGGC 300	:	300
LpIRIPb	:	TGGAGTC	* GCTCAACC	320 CCCCAACAACAA	* \ACTGGTC	340 GCACAATCCC	* ATCATGGATG	360 GGTG	:	360
LpIRIPb	:	TGCTTGAG	* CCACCTTTC	380 CTACTTGGATCT	* CTCAAAT!	400 ATTCATTGGTT	* ATAĐAĐTĐĐI	420 ACCCA	:	420
LpIRIPb	:	AGAATTT	* ACAGAGAAG	440 GCTCAGTTGCCC	* CAACATTO	460 TTGGTCATTC	* \CTGGGTACG	480 GCTT	:	480
LpIRIPb	:	CCACTAAC	* CATGCCATI	500 GCAGGTGAAGCA	* TAACCAAA	520 TAGCACTGAGI	* GGGCAACCA	540 AACA	:	540
LpIRIPb	:	CAATAACC	* CGGGACCAA	560. TAACTATGTCAG	* ATCTGGGG	580 TCAACAATGTI	* GTTTCTGGG	600 AACC	:	600
LpIRIPb	:	ACAACACI	* 'GTCACATC	620 CGGGAACAACAA	* TGTTGTGT	640 CTGGGAACCAC	* AACACCGTG	660 TCTG	:	660
pIRIPb	: 1	GGACCAAC	* Catgttgt	680 AACTGGTAACAA	* CCATGTCG	700 TAACAAGGAAC	* CAGAATACC	720 GTAT	:	720
pIRIPb	: (CTGGGAGC	* Catcataa	740 AGTATCTGGAGG	* CCACAATA	760 CTGTATCTGGG	* AGCCACAAT	780 ACCG	: .	780
pIRIPb :	: :	PATCTGGA	* AGCCACAA	800 CACAGTATCTGG	* GAGCAACC	820 ACGTCGTACAC	* GGGAACAAC	840 AAAG		840

* 860 * 880 * 900 LpIRIPb : TCGTGACAGGAGGTTAACAATCTATAGAGAATTGTTTCCATATTCCCTAACGGAGTTCAC : 900

* 920 * 940 * 960 Lpiripb : GTCCTTGTCCAAGCTGGGTGTAGCTAAATATCACTTGGTGGGGCCAATGGCGTTATGTAA : 960

LpIRIPb : CTTCGTGGATATAGCATCAC : 980

FIGURE 30 (cont.)

		" 20 " 40 " 60		
LpIRIPb	. •	MEKSWFLLLFLTFLLPAASVAVSCHPDDLLALRGFAGNLSNGGVLLHAKWFGNSCCSWEG	:	60
LpIRIPb	:	* 80 * 100 * 120 VGCDGGSGRVTTLWLRGHGLAGHIPTASLAGLARLESLNLANNKLVGTIPSWMGVLDHLC	:	120
LpIRIPb	:	* 140 * 160 * 180 YLDLSNNSLVGBIPKNLQRRLSCPNIVGHSLGTASTNMPLQVKHNQIALSGQPNTITGTN		180
LpIRIPb	:	* 200 * 220 * 240 NYVRSGVNNVVSGNHNTVTSGNNNVVSGNHNTVSGTNHVVTGNNHVVTRNQNTVSGSHHK	:	240
LpIRIPb	:	* 260 * VSGGENTVSGSHNTVSGSNHVVHGNNKVVTGG : 279		

CCTTGTTCGACTCCGTCTCAAGGGCCTTGAACCTCCTCGCAGACTCCTCT TCGAGGGCCTGGAGTTTTTGCTCTGAGTCCTTGGAGCGGCGCAAAGCGTC ATCTCTTTCGGCTACAAAATAAAGAATGTTACAAGTGCTTGCAAGGGAAA TTCATGGAAGGATCTTAAAGATAGTGCTATACCCGGAAGTCGAGCTCGCT ATGTCCATTAGCTGGCAAGAAGAGGCTGCACAGAAATAATTATTCTTAG TATCCCGCGTTGCCAGAATAGGCTCGGGGGCTACATTAGGATAAAAAAGA TAAGGGTGCGAACTTACGTTTTCTATGCGAGGAGGAGGTGAAGGTCTGG GAGTCGAAGTTTTCTCCTCCCGCATGATTGTCTTCTCAGGTGAAGACTTC AAAGCTTCATCATGGTCCACCAACCTCCGCGCTTCATCAGCGGAAGTGGC TGTCGACTCCATATCCCTTCTCGGGGGTTTAGCTAAGTCATCTTCCCCTT CGGATCTGTTGTTATATTTGTATGTGTGGTTTTATTTTTCAAAGCTGAT ACGATGGTTGCTAAATATAACAGGCTACAAATAGGATATACTTTCCTCTA CTCTCCCGTCTATTAATCTTCATATGTATGTGTGCATGTATGATGTATCA AAGTAGAGCATGCATAGGGCTTGTGCACCCCTTGGTAGCCTCGATGACCT TGACCTTGTGTTGGTAGCATCGAATCGATTGCGAGAAAATAGTAAG TTTCTCAATCTGATCAGCCAGACACCGAACATATTATTTGGTAAATAATG ACGCCGATTCACAATTTTTCAATAATCGTGTAGAATTAGTTGGCTTAACA AAAGTCGCACATTAGGCCGGTCACGATGTGTCGTCTCATCCGAGAAATT CCATGTCAACCACATCGTCTAGGTTCGTATCGTTTATTTTGACGTCTGCA TAATAAGATCTTCCTAGGATATTTTGTTCCTCTGCGTGCACTGGAACTGT AGGCGCGCGTATCACTCACTTGTTACTCTGCCAAGGCATGGGTGACAAG TACCTCTCCAGCTCAGTTCCAACCCTATATGCGGTAGCTGACGAAGGGCA GCTTGAGTCCATGCCACCACGAATTTCAGTCGACAGACAACACCAAAAA CCAAGTTTGAATTGGGAGGCACCTGTGGGCCTTGTGGTCACGGACTAGCT TAAGTAGCATGTACCACCCAAGTAGTTTTTTAACAACAACACTTGCGAATC ACTTGCATTCCAAAAAGTTCATTCCTGAGTTGCATACCACAGCTGAATC CATG

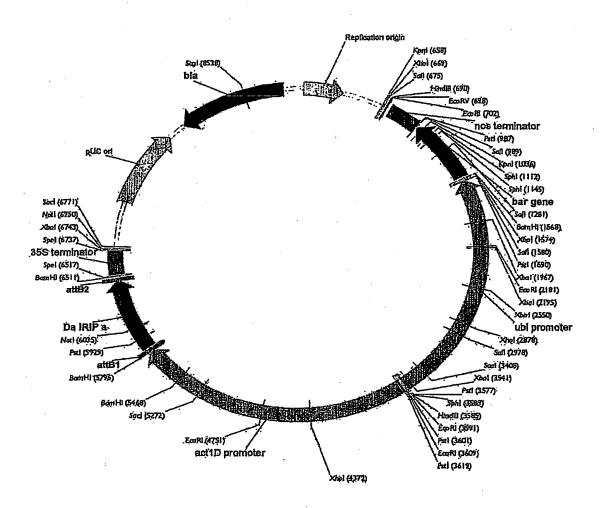


FIGURE 35

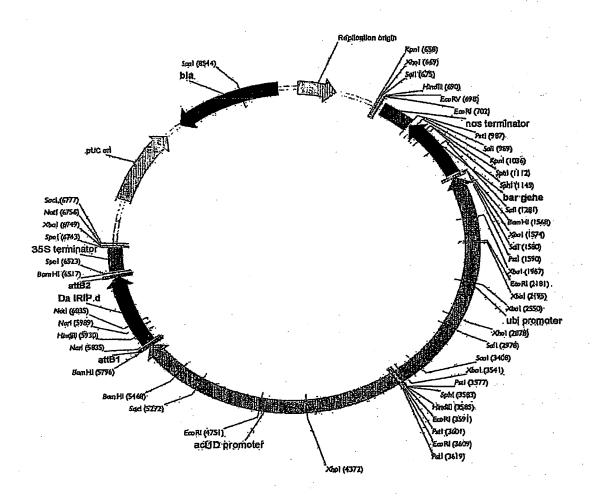


FIGURE 36

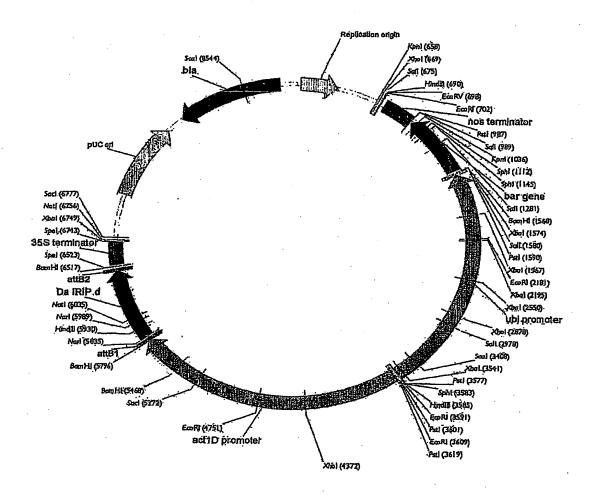


FIGURE 37

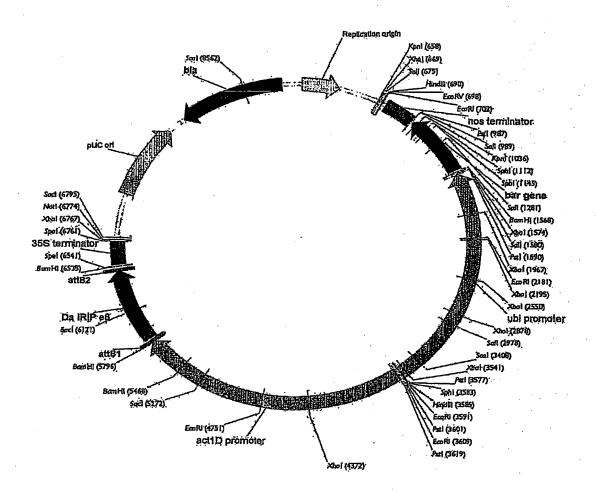


FIGURE 38

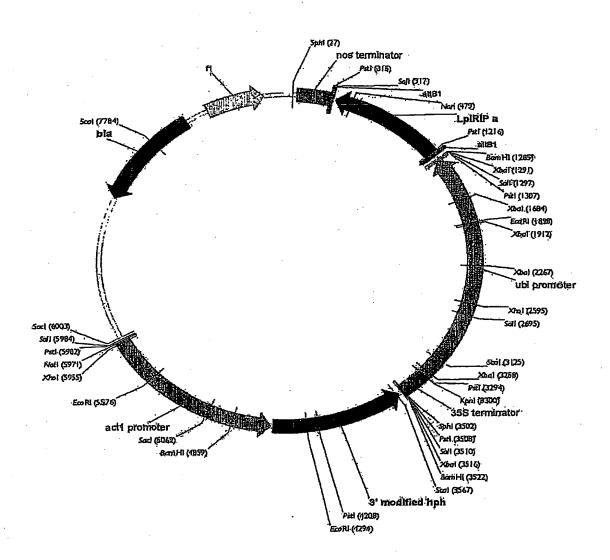


FIGURE 39

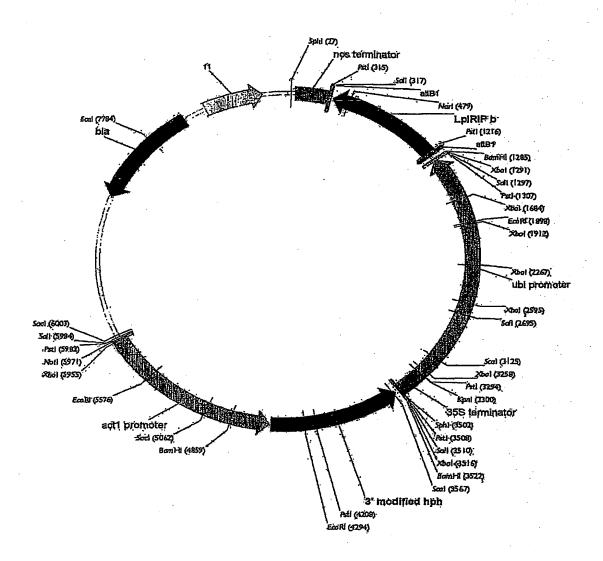


FIGURE 40

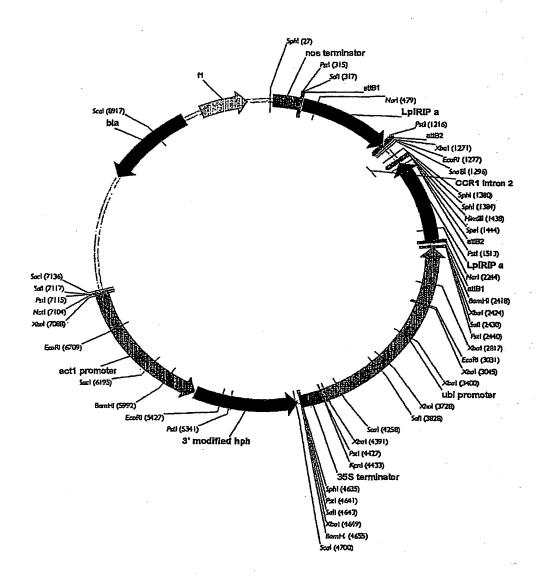


FIGURE 41

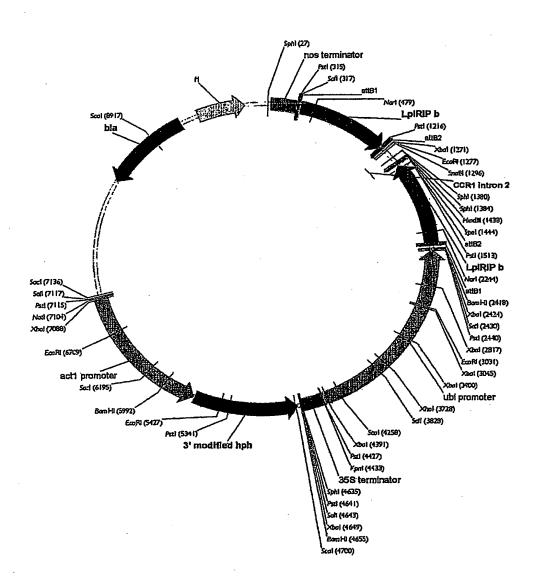


FIGURE 42

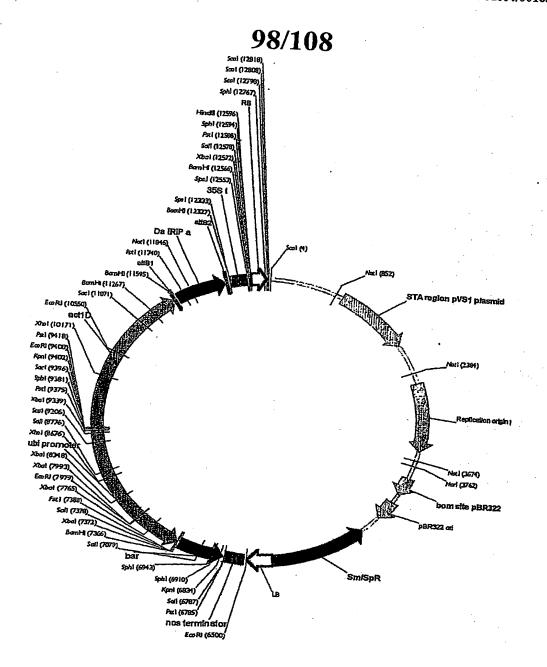


FIGURE 43

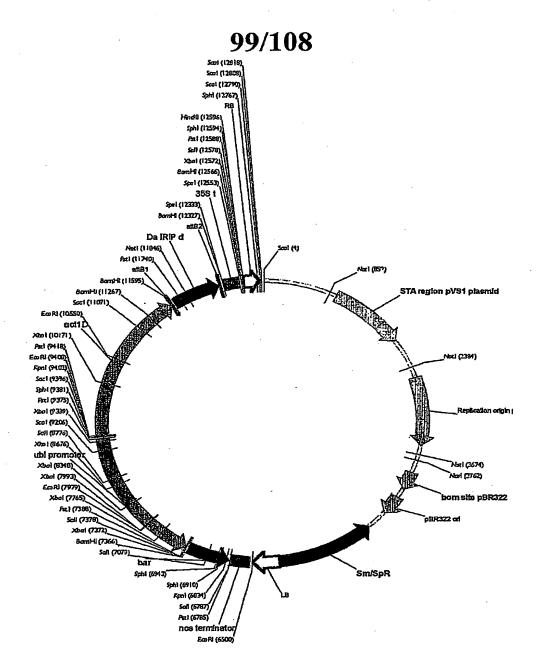


FIGURE 44

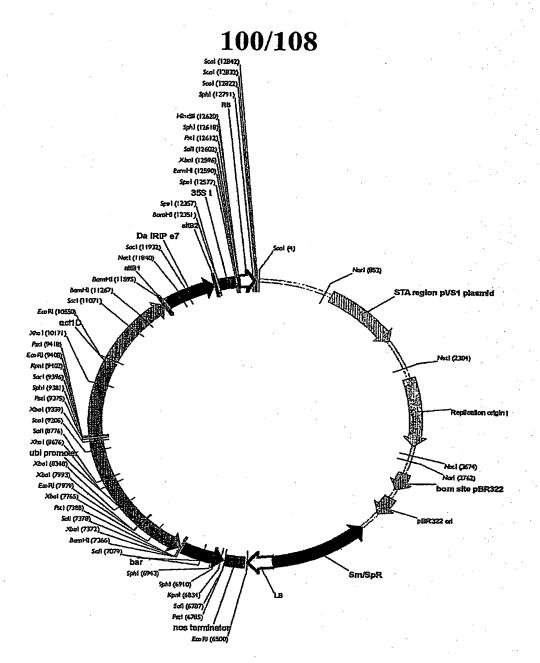


FIGURE 45

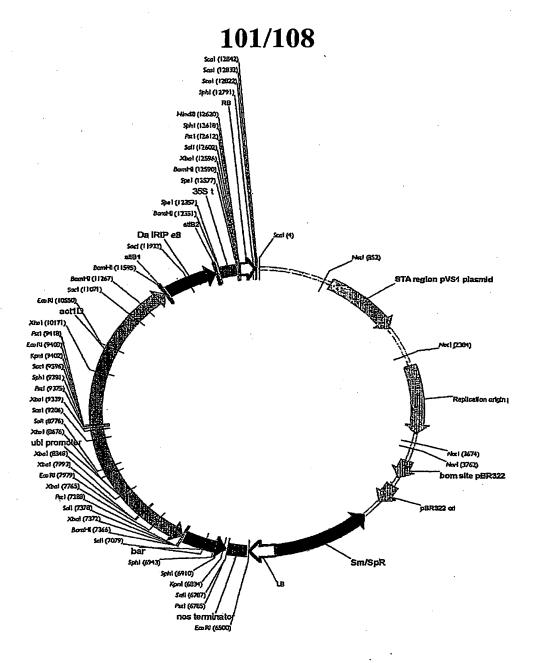
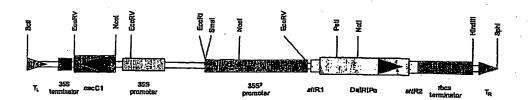
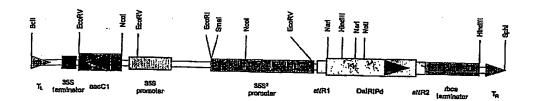
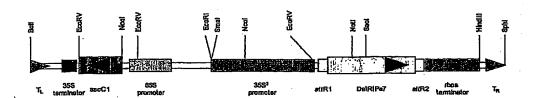
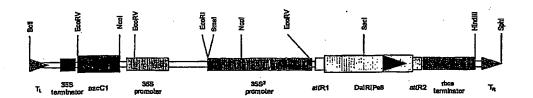


FIGURE 46









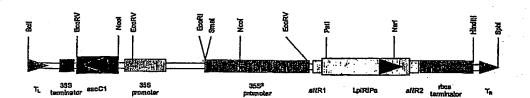


FIGURE 51

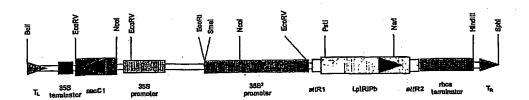


FIGURE 52

